

IBM SPSS Statistics Base 31



Observação

Antes de usar estas informações e o produto suportado por elas, leia as informações nos [“Avisos”](#) na [página 297](#).

Informações sobre o produto

Essa edição se aplica à versão 31, liberação 0, modificação 1 de IBM® SPSS Estatísticas e a todas as liberações e modificações subsequentes até que seja indicado de outra forma em novas edições.

© Copyright International Business Machines Corporation .

Índice

Capítulo 1. Recursos Principais.....	1
Análise de potência.....	1
Médias.....	2
Proporções.....	16
Correlações.....	26
Regressão.....	34
Análise de energia: precisão.....	37
Análise de energia: valores de grade.....	38
Metanálise.....	38
Metanálise Contínua.....	39
Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise.....	47
Binário de Metanálise.....	55
Tamanho do Efeito Binário de Metanálise.....	64
Regressão de Metanálise.....	73
Opções de plotagem de metanálise.....	77
Livro de códigos.....	83
Guia Saída do Codebook.....	84
Guia Estatísticas do Codebook.....	85
Frequências.....	86
Estatísticas de Frequências.....	87
Gráficos de Frequências.....	88
Formato de Frequências.....	88
Descritivas.....	89
Opções Descritivas.....	89
Recursos Adicionais do Comando DESCRIPTIVES.....	90
Percentis.....	90
Valores omissos de percentis.....	91
Explorar.....	91
Explorar Estatísticas.....	92
Explorar Gráficos.....	92
Opções de Exploração.....	93
Recursos Adicionais do Comando EXAMINE.....	93
Tabulações cruzadas.....	94
Camadas de Crisstabs.....	95
Gráfico de barras agrupadas de Crosstabs.....	95
Crosstabs exibindo variáveis de camada em camadas da tabela.....	95
Estatísticas de Crosstabs.....	95
Exibição da célula de Crosstabs.....	97
Formato de tabela de Crosstabs.....	98
Resumir.....	98
Opções de Sumarização.....	99
Estatísticas de Sumarização.....	99
Médias.....	101
Opções de Médias.....	101
Cubos OLAP.....	103
Estatísticas de Cubos OLAP.....	104
Diferenças de Cubos OLAP.....	105
Título de Cubos OLAP.....	105
Proporções.....	106
Introdução de proporções.....	106
Proporções de uma amostra.....	106

Proporções de amostras pareadas.....	109
Proporções de amostras independentes.....	111
Testes t.....	114
Testes t.....	114
Teste-T de amostras independentes.....	114
Teste-T de amostras em pares.....	116
Teste-T de uma amostra.....	118
Recursos adicionais do comando T TEST.....	119
ANOVA Unidirecional.....	119
Contrastes ANOVA de um fator.....	120
Testes Post Hoc do ANOVA de um fator.....	121
Opções de ANOVA de um fator.....	122
Recursos Adicionais do Comando ONEWAY.....	123
Análise Univariate GLM.....	123
Modelo de GLM.....	125
Contrastes GLM.....	126
Gráficos de perfil GLM.....	127
Comparações Posteriori do GLM.....	129
Salvamento de GLM.....	132
Médias marginais estimadas de GLM.....	133
Opções de GLM.....	133
Recursos Adicionais do Comando UNIANOVA.....	134
Bland Altman.....	135
Bland Altman: Critérios.....	135
Bland Altman: Impressão.....	136
Bland Altman: Enredo.....	136
Teste Qui-quadrado.....	136
Teste de qui-quadrado: Exato.....	136
Teste de qui-quadrado: Células.....	137
Teste do Qui-Quadrado: Formato.....	137
Correlações Bivariadas.....	137
Opções de Correlações Bivariadas.....	139
Intervalo de confiança de bivariate correlations.....	139
Recursos Adicionais dos Comandos CORRELATIONS e NONPAR CORR.....	140
Mapeamento de proximidade.....	140
Mapeamento de proximidade: Dados.....	141
Mapeamento de proximidade: Pesos.....	142
Mapeamento de proximidade: Inicial.....	143
Mapeamento de proximidade: Modelo.....	144
Mapeamento de proximidade: Restrições.....	146
Mapeamento de proximidade: Suplementar.....	147
Mapeamento de proximidade: Critérios.....	147
Mapeamento de proximidade: Saída.....	148
Mapeamento de proximidade: Salvar.....	154
Correlações parciais.....	155
Opções de Correlações Parciais.....	155
Recursos Adicionais do Comando PARTIAL CORR.....	156
Distâncias.....	156
Medidas de Dissimilaridade de Distâncias.....	157
Medidas de Similaridade de Distâncias.....	157
Recursos Adicionais do Comando PROXIMITIES.....	157
Correlação de distância.....	158
Correlação de distância: critério.....	158
Correlação de distância: imprimir.....	159
Correlação de distância: gráfico.....	160
Modelos lineares.....	160
Para obter um modelo linear.....	161
Objetivos	161

Básico	162
Seleção de Modelo	162
Combinações	163
Avançado	163
Opções de Modelo	163
Sumarização do Modelo	164
Preparação de Dado Automático	164
Importância do Preditor	164
Predito por Observado	164
Resíduos	165
Valores Discrepantes	165
Efeitos	165
Coeficientes	165
Médias Estimadas	166
Sumarização de Construção de Modelo	166
Regressão linear.....	167
Métodos de Seleção de Variável de Regressão Linear.....	168
Regra do Conjunto de Regressão Linear.....	168
Gráficos de Regressão Linear.....	168
Regressão Linear: Salvando novas variáveis.....	169
Estatísticas de Regressão Linear.....	170
Opções de regressão linear.....	171
Recursos Adicionais do Comando REGRESSION.....	172
Regressão ordinal.....	172
Opções de Regressão Ordinal.....	173
Saída de Regressão Ordinal.....	173
Modelo de Localização de Regressão Ordinal.....	174
Modelo de Escala de Regressão Ordinal.....	175
Recursos Adicionais do Comando PLUM.....	175
Regressão de rede elástica linear.....	176
Regressão Líquida Elástica Lineares: Opções.....	176
Regressão linear lasso.....	179
Regressão Linear Lasso: Opções.....	180
Regressão de Ridge linear.....	182
Regressão Linear Ridge: Opções.....	183
Filtros de séries temporais.....	185
Filtros de série temporal: Opções.....	186
Curva de estimação.....	187
Modelos de Curva de Estimação.....	188
Salvar na Curva de Estimação.....	188
Regressão por quadrados mínimos parciais.....	189
Modelo	190
Opções	191
Análise do vizinho mais próximo.....	191
Vizinhos	193
Recursos	194
Partições	194
Salvar	195
Saída	195
Opções	196
Visualização do Modelo	196
Análise discriminante.....	199
Análise Discriminante para Definir Intervalo.....	200
Selecionar Casos para Análise Discriminante.....	200
Estatística de Análise Discriminante.....	200
Método Stepwise para Análise Discriminante.....	201
Classificação para Análise Discriminante.....	202
Salvamento de Análise Discriminante.....	202

Recursos Adicionais do Comando DISCRIMINANT.....	202
Análise fatorial.....	203
Selecionar Casos para Análise Fatorial.....	204
Descritivas de Análise Fatorial.....	204
Extração de Análise Fatorial.....	204
Rotação de Análise Fatorial.....	205
Escores de Análise Fatorial.....	206
Opções de Análise Fatorial.....	206
Recursos Adicionais do Comando FACTOR.....	206
Escolhendo um Procedimento para Clusterização.....	207
Análise de cluster de dois passos.....	207
Opções de Análise de Cluster TwoStep.....	209
Saída da Análise de Cluster TwoStep.....	210
O Visualizador de Cluster.....	210
Análise de cluster hierárquica.....	215
Método de Análise de Cluster Hierárquica.....	216
Estatísticas de Análise de Cluster Hierárquica.....	216
Gráficos de Análise de Cluster Hierárquica.....	216
Análise de Cluster Hierárquica para Salvar Novas Variáveis.....	217
Recursos Adicionais da Sintaxe do Comando CLUSTER.....	217
Análise de cluster por K-médias.....	217
Eficiência de Análise de Cluster por K-Médias.....	218
Iteração de Análise de Cluster por K-Médias.....	218
Salvar Análise de Cluster por K-Médias.....	218
Opções de Análise de Cluster por K-médias.....	219
Recursos Adicionais do Comando QUICK CLUSTER.....	219
Testes não paramétricos.....	219
Testes Não paramétricos de uma amostra.....	219
Teste de Wilcoxon de uma amostra.....	224
Testes Não Paramétricos de Amostras Independentes.....	224
Testes Não Paramétricos de Amostras Relacionadas.....	227
Recursos adicionais do comando NPTESTS.....	230
Diálogos Legado.....	230
Análise de Múltiplas Respostas.....	241
Análise de Múltiplas Respostas.....	241
Definir Conjuntos de Múltiplas Respostas.....	241
Frequências de múltiplas respostas.....	242
Tabulações cruzadas de múltiplas respostas.....	243
Resultados do Relatório.....	245
Resultados do Relatório.....	245
Sumarizações de Relatórios em Linhas.....	245
Sumarizações de Relatórios em Colunas.....	247
Recursos Adicionais do Comando REPORT.....	249
Análise de confiabilidade.....	249
Análise de confiabilidade: estatísticas.....	251
Recursos Adicionais do Comando RELIABILITY.....	253
Kappa ponderado.....	253
Kappa ponderado: Critérios.....	254
Kappa ponderado: Impressão.....	255
Estatísticas de razão.....	255
Estatísticas de razão: estatísticas.....	256
Gráfico P-P.....	257
Gráfico Q-Q.....	260
Análise de Característica de Operação do Receptor.....	262
Análise de Característica de Operação do Receptor: Opções.....	263
Análise de Característica de Operação do Receptor: Exibição.....	264
Análise de ROC: Definir grupos (sequência).....	265
Análise de ROC: Definir grupos (numéricos).....	265

Curva ROC.....	265
Opções de Curva ROC.....	266
Simulação.....	266
Para designar uma simulação baseada em um arquivo de modelo.....	267
Para designar uma simulação baseada em equações customizadas.....	268
Para designar uma simulação sem um modelo preditivo.....	268
Para executar uma simulação a partir de um plano de simulação.....	269
Construtor de Simulação.....	269
Executar diálogo de simulação.....	280
Trabalhando com saída de gráfico a partir da simulação.....	283
Modelagem Geoespacial.....	284
Selecionando Mapas	284
Origens de Dados	286
Regras de associação geoespacial	288
Predição temporal espacial	291
Conclusão	295
Avisos.....	297
Marcas comerciais.....	298
Índice remissivo.....	301

Capítulo 1. Recursos Principais

Os recursos principais a seguir são incluídos no IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

Análise de potência

A análise de potência desempenha uma função essencial em um plano de estudo, design e condução. O cálculo da potência geralmente é feito antes da coleta de quaisquer dados de amostra, exceto possivelmente um pequeno estudo piloto. A estimação precisa da potência pode informar os investigadores sobre a probabilidade de que uma diferença estatisticamente significativa seja detectada com base em um tamanho da amostra finito em uma hipótese alternativa real. Se a potência for muito baixa, haverá pouca chance de ser detectada uma diferença significativa, e os resultados não significativos são prováveis, mesmo que de fato existam diferenças reais.

O IBM SPSS Estatísticas fornece os seguintes procedimentos de Análise de potência:

Teste T de uma amostra

Na análise de uma amostra, os dados observados são coletados como uma única amostra aleatória. Considera-se que os dados de amostra sigam, de forma independente e idêntica, uma distribuição normal com uma média e variância fixas, e façam inferência estatística sobre o parâmetro médio.

Teste T de amostra pareada

Na análise de amostra pareada, os dados observados contêm duas amostras pareadas e correlacionadas e cada caso possui duas medidas. Considera-se que os dados sigam, de forma independente e idêntica, uma distribuição normal com uma média e variância fixas, e faça inferência estatística sobre a diferença das duas médias.

Teste T de amostra independente

Na análise de amostra independente, os dados observados contêm duas amostras independentes. Considera-se que os dados sigam, de forma independente e idêntica, uma distribuição normal com uma média e variância fixas, e faça inferência estatística sobre a diferença das duas médias.

ANOVA de um fator

Análise de variância (ANOVA) é um método estatístico de estimar as médias de várias populações que, geralmente, são consideradas como distribuídas normalmente. A ANOVA de um fator, um tipo comum de ANOVA, é uma extensão do teste *t* de duas amostras.

Exemplo, A potência de um teste de hipótese para detectar uma hipótese alternativa correta é a probabilidade de que o teste rejeitará a hipótese de teste. Como a probabilidade de um erro tipo II é a probabilidade de aceitar a hipótese nula quando a hipótese alternativa é verdadeira, a potência pode ser expressa como (1-probabilidade de um erro tipo II), que é a probabilidade de rejeitar a hipótese nula quando a hipótese alternativa é verdadeira.

Estatísticas e gráficos. Teste unilateral, teste bilateral, nível de significância, taxa de erro Tipo I, suposições de teste, desvio padrão de população, média populacional em teste, valor hipotético, potência bidimensional por tamanho da amostra, potência bidimensional por tamanho do efeito, potência tridimensional por tamanho da amostra, potência tridimensional por tamanho do efeito, graus de rotação, pares de grupos, coeficiente de correlação produto-momento de Pearson, diferença média, intervalo de gráfico do tamanho do efeito, desvio padrão agrupado da população, contrastes e diferenças de pairwise, coeficientes de contraste, teste de contraste, BONFERRONI, SIDAK, LSD, potência por tamanho total da amostra, potência bidimensional por desvio padrão agrupado, potência tridimensional por total da amostra, potência tridimensional por tamanho total da amostra, desvio padrão agrupado, distribuição *t* de Student, distribuição *t* não central,

Considerações sobre dados da Análise de potência

Dados

Na análise de uma amostra, os dados observados são coletados como uma única amostra aleatória.

Na análise de amostra pareada, os dados observados contêm duas amostras pareadas e correlacionadas e cada caso possui duas medidas.

Na análise de amostra independente, os dados observados contêm duas amostras independentes.

Análise de variância (ANOVA) é um método estatístico de estimar as médias de várias populações que, geralmente, são consideradas como distribuídas normalmente.

Suposições

Na análise de uma amostra, considera-se que os dados de amostra sigam, de forma independente e idêntica, uma distribuição normal com uma média e variância fixas, e façam inferência estatística sobre o parâmetro médio.

Na análise de amostra pareada, considera-se que os dados sigam, de forma independente e idêntica, uma distribuição normal com uma média e variância fixas, e faça inferência estatística sobre a diferença das duas médias.

Na análise de amostra independente, considera-se que os dados sigam, de forma independente e idêntica, uma distribuição normal com uma média e variância fixas, e faça inferência estatística sobre a diferença das duas médias.

Na ANOVA de um fator, o método estatístico de estimar as médias de várias populações que geralmente são consideradas como distribuídas normalmente.

Obtendo uma Análise de potência

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de potência > Comparar médias > Teste T de uma amostra, ou Teste T de amostra pareada, ou Teste T de amostra independente ou ANOVA de um fator

2. Defina as suposições de teste necessárias.

3. Clique em **OK**.

Médias

Os seguintes recursos estatísticos estão incluídos no IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

Análise de potência de teste T de uma amostra

Este recurso requer o IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

A análise de potência desempenha uma função essencial em um plano de estudo, design e condução. O cálculo da potência geralmente é feito antes da coleta de quaisquer dados de amostra, exceto possivelmente um pequeno estudo piloto. A estimação precisa da potência pode informar os investigadores sobre a probabilidade de que uma diferença estatisticamente significativa seja detectada com base em um tamanho da amostra finito em uma hipótese alternativa real. Se a potência for muito baixa, haverá pouca chance de ser detectada uma diferença significativa, e os resultados não significativos são prováveis, mesmo que de fato existam diferenças reais.

Na análise de uma amostra, os dados observados são coletados como uma única amostra aleatória. Considera-se que os dados de amostra sigam, de forma independente e idêntica, uma distribuição normal com uma média e variância fixas, e façam inferência estatística sobre o parâmetro médio.

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de potência > Médias > Teste T de uma amostra

2. Selecione uma configuração de suposição de teste **Estimativa (Tamanho da amostra ou Potência)**.

3. Quando **Tamanho da amostra** é selecionado, insira um **Valor único de potência** para o valor de estimativa de tamanho de amostra (o valor deve ser um valor único entre 0 e 1) ou selecione **Valores de potência da grade** e, em seguida, clique em **Grade** para visualizar tamanhos de amostra projetados para uma gama de valores de potência específicos.

Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: valores de grade” na página 38](#).

4. Quando **Potência** for selecionada como o método de **estimativa** de suposição de teste, insira um **tamanho de amostra** apropriado para o valor de estimativa de potência. O valor deve ser um número inteiro maior que 1.
5. Opcionalmente, selecione uma opção a partir do campo **Especificar**.

Valores hipotéticos

A configuração padrão fornece as configurações de **média populacional** e **valor nulo**.

Média populacional

Insira um valor que especifique a média populacional em teste. O valor deve ser um valor numérico único.

Valor nulo

Opcionalmente, insira um valor que especifique o valor da hipótese nula a ser testado. O valor deve ser um valor numérico único.

Tamanho do efeito

O f de Cohen é usado para estimar o tamanho do efeito como uma entrada para a estimativa da potência ou do tamanho da amostra. O **valor** do tamanho de efeito definido é passado para a etapa intermediária no procedimento e calcula o poder desejado ou o tamanho da amostra.

6. Insira um valor de **Desvio padrão de população**. O valor deve ser um valor numérico único maior que 0.
7. Selecione se o teste é unilateral ou bilateral.

Análise não direcional (bilateral)

Quando selecionada, é usado um teste bilateral. Esta é a definição padrão.

Análise direcional (unilateral)

Quando selecionada, a potência é calculada para um teste unilateral.

8. Opcionalmente, especifique o nível de significância da taxa de erro Tipo I para o teste no campo **Nível de significância**. O valor deve ser um valor duplo único entre 0 e 1. O valor padrão é 0,05.
9. Opcionalmente, você pode clicar em **Criar gráfico** para especificar as configurações de “Análise de potência de teste T de uma amostra: Gráfico” na página 3 (saída do gráfico, configurações de plotagem bidimensional e configurações de plotagem tridimensional).

Nota: O **Criar gráfico** está disponível somente quando **Potência** é selecionada como a suposição de teste.

10. Opcionalmente, clique em **Precisão** para estimar o tamanho da amostra com base em intervalos de confiança, especificando os valores médios do intervalo de confiança. Para obter mais informações, consulte “Análise de energia: precisão” na página 37.

Nota: A **Precisão** está disponível somente quando **Tamanho da amostra** é selecionado como o método de **Estimativa** de suposição de teste, **Valores hipotéticos** são selecionados na lista **Especificar** e **Análise não direcional (frente e verso)** é selecionada como **Direção de teste**.

Análise de potência de teste T de uma amostra: Gráfico

A caixa de diálogo **Criar gráfico** fornece opções para controlar os gráficos que são produzidos para ilustrar o poder bidimensional e tridimensional por gráficos de tamanho de amostra e efeito. A caixa de diálogo também controla os graus de rotação vertical e horizontal para gráficos tridimensionais.

Gráfico bidimensional

Estimação de potência versus tamanho da amostra

Quando ativada, esta configuração opcional fornece opções para controlar a potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. A configuração é desativada por padrão.

Intervalo de tamanho da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho da amostra será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que 1 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Estimação de potência versus tamanho do efeito

Por padrão, esta configuração opcional é desativada. Quando ativada, o gráfico é exibido na saída. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho do efeito será usado.

Intervalo de tamanho do efeito

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência bidimensional por gráfico de tamanho do efeito. O valor deve ser maior ou igual a -5,0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência bidimensional por gráfico de tamanho do efeito. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5,0.

Gráfico tridimensional**Estimação de potência versus**

Fornece opções para controlar a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo X) e de tamanho do efeito (eixo Y), as configurações de rotação vertical/horizontal e o intervalo de gráfico especificado pelo usuário de tamanho da amostra/efeito. Esta configuração é desativada por padrão.

Tamanho do efeito no eixo X e tamanho da amostra no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo X) e de tamanho do efeito (eixo Y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Tamanho do efeito no eixo Y e tamanho da amostra no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo Y) e de tamanho do efeito (eixo X). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Rotação vertical

A configuração opcional define os graus de rotação vertical (sentido horário da esquerda) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico verticalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 10.

Rotação horizontal

A configuração opcional define os graus de rotação horizontal (sentido horário da parte frontal) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico horizontalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 325.

Intervalo de tamanho da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho da amostra será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que 1 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Intervalo de tamanho do efeito

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho do efeito será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho do efeito. O valor deve ser maior ou igual a -5,0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho do efeito. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5,0.

Análise de potência de teste T de amostras pareadas

Este recurso requer o IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

A análise de potência desempenha uma função essencial em um plano de estudo, design e condução. O cálculo da potência geralmente é feito antes da coleta de quaisquer dados de amostra, exceto possivelmente um pequeno estudo piloto. A estimação precisa da potência pode informar os investigadores sobre a probabilidade de que uma diferença estatisticamente significativa seja detectada com base em um tamanho da amostra finito em uma hipótese alternativa real. Se a potência for muito baixa, haverá pouca chance de ser detectada uma diferença significativa, e os resultados não significativos são prováveis, mesmo que de fato existam diferenças reais.

Na análise de amostras pareadas, os dados observados contêm duas amostras pareadas e correlacionadas e cada caso possui duas medidas. Considera-se que os dados sigam, de forma independente e idêntica, uma distribuição normal com uma média e variância fixas, e faça inferência estatística sobre a diferença das duas médias.

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de potência > Médias > Teste T de Amostras Pareadas

2. Selecione uma configuração de suposição de teste **Estimativa (Tamanho da amostra ou Potência)**.
3. Quando **Tamanho da amostra** é selecionado, insira um **Valor único de potência** para o valor de estimativa de tamanho de amostra (o valor deve ser um valor único entre 0 e 1) ou selecione **Valores de potência da grade** e, em seguida, clique em **Grade** para visualizar tamanhos de amostra projetados para uma gama de valores de potência específicos.

Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: valores de grade”](#) na página 38.

4. Quando **Potência** for selecionado como o método de **estimativa** de suposição de teste, insira o valor de **tamanho de amostra** apropriado. O valor deve ser um número inteiro positivo maior ou igual a 2.
5. Opcionalmente, selecione uma opção a partir do campo **Especificar**.

Valores hipotéticos

A configuração padrão fornece as configurações de **Média** e **Desvio Padrão**.

Diferença de média populacional

Quando uma única média populacional for necessária, insira um valor de **Diferença média populacional**. Quando um valor único é especificado, ele indica a diferença média populacional μ_d .

Nota: O valor não pode ser 0 quando o **tamanho da amostra** é selecionado.

Média populacional para o grupo 1 e grupo 2

Quando várias médias populacionais forem necessárias para os pares de grupos especificados, insira valores para **Média populacional para o grupo 1** e **Média populacional para o grupo 2**.

Quando vários valores são especificados, eles denotam a diferença média da população μ_1 e μ_2 .

Nota: Os dois valores não podem ser iguais quando o **tamanho da amostra** é selecionado.

Desvio padrão da população para diferença média

Quando uma única média populacional for especificada, insira o desvio padrão da população para o valor da diferença média. Quando um valor único é especificado, ele indica o desvio padrão populacional da diferença de grupo σ_d . O valor deve ser um valor numérico único maior que 0.

Desvio padrão da população para o grupo 1 e grupo 2

Quando várias médias de população são especificadas, insira o desvio padrão da população para os valores do grupo 1 e do grupo 2. Quando diversos valores são especificados, eles indicam o desvio padrão populacional da diferença de grupo σ_1 e σ_2 . Os valores devem ser valores numéricos únicos maiores que 0.

Coefficiente de correlação do momento do produto da Pearson

Opcionalmente, insira um valor que especifique o coeficiente de correlação do momento do produto da Pearson ρ . O valor deve ser um único valor numérico entre -1 e 1. O valor não pode ser 0.

Nota: Quando um valor único de **Desvio padrão de população para diferença média** é especificado, esta configuração é ignorada. Caso contrário, os valores de **desvio padrão da população para o grupo 1 e grupo 2** são usados para calcular σ_d .

Tamanho do efeito

Estima o tamanho do efeito como uma entrada para a estimativa do poder ou tamanho da amostra. O **valor** do tamanho de efeito definido é passado para a etapa intermediária no procedimento e calcula o poder desejado ou o tamanho da amostra.

6. Selecione se o teste é unilateral ou bilateral.

Análise não direcional (bilateral)

Quando selecionada, é usado um teste bilateral. Esta é a definição padrão.

Análise direcional (unilateral)

Quando selecionada, a potência é calculada para um teste unilateral.

7. Opcionalmente, especifique o nível de significância da taxa de erro Tipo I para o teste no campo **Nível de significância**. O valor deve ser um valor duplo único entre 0 e 1. O valor padrão é 0,05.
8. Opcionalmente, clique em **Criar gráfico** para especificar as configurações de “Análise de potência de teste T de amostras pareadas: Gráfico” na página 6 (saída do gráfico, configurações de plotagem bidimensional, configurações de plotagem tridimensional e dicas de ferramentas).

Nota: O **Criar gráfico** está disponível somente quando **Potência** é selecionada como a suposição de teste.

9. Opcionalmente, clique em **Precisão** para estimar o tamanho da amostra com base em intervalos de confiança, especificando os valores médios do intervalo de confiança. Para obter mais informações, consulte “Análise de energia: precisão” na página 37.

Nota: **Precisão** está disponível apenas quando **Tamanho da amostra** é selecionado como o método de **Estimativa** de teste e **Valores hipotéticos** são selecionados a partir da lista **Especificar**.

Análise de potência de teste T de amostras pareadas: Gráfico

A caixa de diálogo **Criar gráfico** fornece opções para controlar os gráficos que são produzidos para ilustrar o poder bidimensional e tridimensional por gráficos de tamanho de amostra e efeito. A caixa de diálogo também controla os graus de rotação vertical e horizontal para gráficos tridimensionais.

Gráfico bidimensional

Estimação de potência versus tamanho da amostra

Quando ativada, esta configuração opcional fornece opções para controlar a potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. A configuração é desativada por padrão.

Intervalo de tamanho da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho da amostra será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que 1 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Estimação de potência versus tamanho do efeito

Por padrão, esta configuração opcional é desativada. Quando ativada, o gráfico é exibido na saída. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho do efeito será usado.

Intervalo de tamanho do efeito

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência bidimensional por gráfico de tamanho do efeito. O valor deve ser maior ou igual a -5,0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência bidimensional por gráfico de tamanho do efeito. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5,0.

Gráfico tridimensional

Estimação de potência versus

Fornece opções para controlar a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo X) e de tamanho do efeito (eixo Y), as configurações de rotação vertical/horizontal e o intervalo de gráfico especificado pelo usuário de tamanho da amostra/efeito. Esta configuração é desativada por padrão.

Tamanho do efeito no eixo X e tamanho da amostra no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo X) e de tamanho do efeito (eixo Y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Tamanho do efeito no eixo Y e tamanho da amostra no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo Y) e de tamanho do efeito (eixo X). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Rotação vertical

A configuração opcional define os graus de rotação vertical (sentido horário da esquerda) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico verticalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 10.

Rotação horizontal

A configuração opcional define os graus de rotação horizontal (sentido horário da parte frontal) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico horizontalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 325.

Intervalo de tamanho da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho da amostra será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que 1 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Intervalo de tamanho do efeito

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho do efeito será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho do efeito. O valor deve ser maior ou igual a -5,0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho do efeito. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5,0.

Análise de potência de teste T de amostras independentes

Este recurso requer o IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

A análise de potência desempenha uma função essencial em um plano de estudo, design e condução. O cálculo da potência geralmente é feito antes da coleta de quaisquer dados de amostra, exceto possivelmente um pequeno estudo piloto. A estimação precisa da potência pode informar os investigadores sobre a probabilidade de que uma diferença estatisticamente significativa seja detectada com base em um tamanho da amostra finito em uma hipótese alternativa real. Se a potência for muito baixa, haverá pouca chance de ser detectada uma diferença significativa, e os resultados não significativos são prováveis, mesmo que de fato existam diferenças reais.

Na análise de amostras independentes, os dados observados contêm duas amostras independentes. Considera-se que os dados sigam, de forma independente e idêntica, uma distribuição normal com uma média e variância fixas, e faça inferência estatística sobre a diferença das duas médias.

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de potência > Médias > Teste T de Amostras Independentes

2. Selecione uma configuração de suposição de teste **Estimativa (Tamanho da amostra ou Potência)**.
3. Quando **Tamanho da amostra** é selecionado, insira um **Valor único de potência** para o valor de estimativa de tamanho de amostra (o valor deve ser um valor único entre 0 e 1) ou selecione **Valores de potência da grade** e, em seguida, clique em **Grade** para visualizar tamanhos de amostra projetados para uma gama de valores de potência específicos.

Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: valores de grade”](#) na página 38.

Insira um valor **Razão de tamanho do grupo** para especificar a razão dos tamanhos da amostra (o valor deve ser um valor único entre 0,01 e 100).

4. Quando **Potência** for selecionado como o método de **Estimativa** de suposição de teste, insira valores para especificar o tamanho da amostra para **Tamanho da amostra para o grupo 1 e o grupo 2** para comparação. Os valores devem ser números inteiros maiores que 1.
5. Opcionalmente, selecione uma opção a partir do campo **Especificar**.

Valores hipotéticos

A configuração padrão fornece as configurações de **Média populacional** e **Desvios padrão populacionais**.

Diferença de média populacional

Quando uma única média populacional for especificada, insira o valor da diferença média populacional. Quando um único valor é especificado, denota a população da diferença média do grupo σ_d . O valor deve ser um valor numérico único maior que 0.

Média populacional para o grupo 1 e grupo 2

Quando várias médias populacionais forem especificadas, insira a média populacional para os valores do grupo 1 e do grupo 2. Quando vários valores são especificados, eles denotam a média populacional da diferença de grupo σ_1 e σ_2 . Os valores devem ser valores numéricos únicos maiores que 0.

Desvios padrão da população são

Especifique se os desvios padrão de população são **Iguais para dois grupos** ou **Diferentes para dois grupos**.

- Quando os desvios padrão de população forem iguais para dois grupos, insira um valor para **Desvio padrão agrupado** que denota σ e considera que as duas variâncias de grupos são iguais ou $\sigma_1 = \sigma_2 = \sigma$.
- Quando os desvios padrão da população não são iguais para dois grupos, insira valores para **Desvio padrão para o grupo 1 e grupo 2** que denotam σ_1 e σ_2 .

Nota: Quando os valores de **Desvio padrão para o grupo 1 e grupo 2** são idênticos, eles são tratados como um único valor.

Tamanho do efeito

Estima o tamanho do efeito como uma entrada para a estimativa do poder ou tamanho da amostra. O **valor** do tamanho de efeito definido é passado para a etapa intermediária no procedimento e calcula o poder desejado ou o tamanho da amostra.

6. Selecione se o teste é unilateral ou bilateral.

Análise não direcional (bilateral)

Quando selecionada, é usado um teste bilateral. Esta é a definição padrão.

Análise direcional (unilateral)

Quando selecionada, a potência é calculada para um teste unilateral.

7. Opcionalmente, especifique o nível de significância da taxa de erro Tipo I para o teste no campo **Nível de significância**. O valor deve ser um valor duplo único entre 0 e 1. O valor padrão é 0,05.
8. Opcionalmente, clique em **Criar gráfico** para especificar as configurações de “Análise de potência de teste T de amostras independentes: Gráfico” na página 9 (saída do gráfico, configurações de plotagem bidimensional, configurações de plotagem tridimensional e dicas de ferramentas).

Nota: O **Criar gráfico** está disponível somente quando **Potência** é selecionada como a suposição de teste.

9. Opcionalmente, clique em **Precisão** para estimar o tamanho da amostra com base em intervalos de confiança, especificando os valores médios do intervalo de confiança. Para obter mais informações, consulte “Análise de energia: precisão” na página 37.

Nota: A **Precisão** está disponível somente quando **Tamanho da amostra** é selecionado como o método de **Estimativa** de suposição de teste, **Valores hipotéticos** são selecionados na lista **Especificar** e **Análise não direcional (frente e verso)** é selecionada como **Direção de teste**.

Análise de potência de teste T de amostras independentes: Gráfico

A caixa de diálogo **Criar gráfico** oferece opções para controlar os gráficos que são emitidos para ilustrar a potência bidimensional e tridimensional por razão de amostra, tamanho do efeito ou gráficos de diferença média. A caixa de diálogo também controla os graus de rotação vertical e horizontal para gráficos tridimensionais.

Gráfico bidimensional

Estimação de energia versus razão de tamanho da amostra/Estimação de energia versus tamanho da amostra

Quando ativada, esta configuração opcional fornece opções para controlar a potência bidimensional por gráfico de razão de tamanho da amostra. As configurações adicionais não estarão disponíveis quando vários valores de energia forem especificados (**Estimação de energia versus tamanho da amostra**). A configuração é desativada por padrão.

Intervalo de razão de tamanho da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho da amostra será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência bidimensional por gráfico de razão de tamanho da amostra. O valor deve estar entre 0,01 e 100 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência bidimensional por gráfico de razão de tamanho da amostra. O valor deve estar entre 0,01 e 100 e deve ser maior que o valor de **Limite inferior**.

Estimação de potência versus tamanho do efeito (ou diferença média)

Por padrão, esta configuração opcional é desativada. Quando ativada, o gráfico é exibido na saída. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho do efeito (ou diferença média) será usado.

Intervalo de tamanho do efeito (ou diferença média)

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência bidimensional por gráfico de tamanho do efeito. O valor deve ser maior ou igual a -5,0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência bidimensional por gráfico de tamanho do efeito. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5,0.

Gráfico tridimensional

Estimação de potência versus

Fornece opções para controlar a potência tridimensional por gráfico de razão de tamanho da amostra (eixo X) e de tamanho do efeito (eixo Y), as configurações de rotação vertical/horizontal e o intervalo de gráfico especificado pelo usuário de tamanho da amostra/efeito. Esta configuração é desativada por padrão.

Tamanho do efeito (ou diferença média) no eixo X e tamanho da amostra no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de razão de tamanho da amostra (eixo X) e de tamanho do efeito (eixo Y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Tamanho do efeito (ou diferença média) no eixo Y e tamanho da amostra no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo Y) e de tamanho do efeito (eixo X). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Rotação vertical

A configuração opcional define os graus de rotação vertical (sentido horário da esquerda) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico verticalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 10.

Rotação horizontal

A configuração opcional define os graus de rotação horizontal (sentido horário da parte frontal) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico horizontalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 325.

Intervalo de razão de tamanho da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho da amostra será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência tridimensional por gráfico de razão de tamanho da amostra. O valor deve estar entre 0,01 e 100 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência tridimensional por gráfico de razão de tamanho da amostra. O valor deve estar entre 0,01 e 100 e deve ser maior que o valor de **Limite inferior**.

Intervalo de tamanho do efeito (ou diferença média)

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho do efeito será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho do efeito. O valor deve ser maior ou igual a -5,0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho do efeito. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Análise de potência de ANOVA de um fator

Este recurso requer o IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

A análise de potência desempenha uma função essencial em um plano de estudo, design e condução. O cálculo da potência geralmente é feito antes da coleta de quaisquer dados de amostra, exceto possivelmente um pequeno estudo piloto. A estimativa precisa da potência pode informar os investigadores sobre a probabilidade de que uma diferença estatisticamente significativa seja detectada com base em um tamanho da amostra finito em uma hipótese alternativa real. Se a potência for muito baixa, haverá pouca chance de ser detectada uma diferença significativa, e os resultados não significativos são prováveis, mesmo que de fato existam diferenças reais.

Análise de variância (ANOVA) é um método estatístico de estimar as médias de várias populações que, geralmente, são consideradas como distribuídas normalmente. A ANOVA de um fator, um tipo comum de ANOVA, é uma extensão do teste *t* de duas amostras. O procedimento fornece abordagens para estimar a potência para dois tipos de hipótese para comparar as várias médias de grupo, o teste geral e o teste com contrastes especificados. O teste geral concentra-se na hipótese nula de que todas as médias de grupo são iguais. O teste com contrastes especificados divide as hipóteses de ANOVA gerais em partes de médias menores, mas mais descritíveis e úteis.

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de potência > Médias > One-way ANOVA

2. Selecione uma configuração de suposição de teste **Estimativa (Tamanho da amostra ou Potência)**.
3. Quando **Tamanho da amostra** é selecionado, insira um **Valor único de potência** para o valor de estimativa de tamanho de amostra (o valor deve ser um valor único entre 0 e 1) ou selecione **Valores de potência da grade** e, em seguida, clique em **Grade** para visualizar tamanhos de amostra projetados para uma gama de valores de potência específicos.

Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: valores de grade”](#) na página 38.

4. Opcionalmente, selecione uma opção a partir do campo **Especificar**.

Valores hipotéticos

A configuração padrão fornece a configuração **Desvio padrão populacional agrupado**. Insira um valor numérico único maior que 0. O valor padrão é 1.

Tamanho do efeito: Cohen's f

O f de Cohen é usado para estimar o tamanho do efeito como uma entrada para a estimativa da potência ou do tamanho da amostra. O **valor** do tamanho de efeito definido é passado para a etapa intermediária no procedimento e calcula o poder desejado ou o tamanho da amostra.

Tamanho do efeito: Eta-squared

O Eta quadrado (η^2) é usado para estimar o tamanho do efeito como uma entrada para a estimativa da potência ou do tamanho da amostra. O **valor** do tamanho do efeito definido é passado para a etapa intermediária no procedimento e calcula a potência ou o tamanho da amostra desejado.

5. Quando **Potência** é selecionado como a configuração de suposição de teste **Estimativa**, especifique os valores de **Tamanhos do grupo** e **Médias do grupo**. Pelo menos dois valores de tamanho do grupo devem ser especificados, e cada um dos valores de tamanho do grupo deve ser maior ou igual a 2 (mas não pode exceder 2.147. 483. 647). Pelo menos dois valores médios de grupo também devem ser especificados (o número de valores especificados deve ser igual aos valores de tamanho de grupo).

Quando **Tamanho da amostra** é selecionado como a configuração de suposição de teste **Estimativa**, especifique os valores de **Pesos do grupo** (opcional) e **Médias do grupo**. Os pesos do grupo designam os pesos do tamanho do grupo quando **Potência** é selecionada.

Nota: As configurações de **Ponderações de grupo** são ignoradas quando valores de **Tamanhos do grupo** são especificados.

Clique em **Incluir** para incluir mais valores de **Tamanhos do grupo**, **Pesos do grupo** e **Médias do grupo**. Clique em **Excluir** para remover os valores existentes.

6. Opcionalmente, especifique o nível de significância da taxa de erro Tipo I para o teste no campo **Nível de significância**. O valor deve ser um valor duplo único entre 0 e 1. O valor padrão é 0,05.
7. Opcionalmente, clique em **Contraste** para especificar configurações de [“Análise de potência de ANOVA de um fator: Contraste”](#) na página 12 (teste de contraste, diferenças pairwise, tamanhos de efeito e estimar o tamanho da mostra com base em intervalos de confiança).
8. Opcionalmente, clique em **Criar gráfico** para especificar as configurações de [“Análise de potência de ANOVA de um Fator: Gráfico”](#) na página 13 (saída do gráfico, configurações de plotagem bidimensional, configurações de plotagem tridimensional e dicas de ferramentas).

Nota: **Criar gráfico** está disponível apenas quando os valores de **Tamanhos do grupo** são especificados e **Potência** é selecionada como a configuração de **Estimativa**.

9. Opcionalmente, clique em **Precisão** para estimar o tamanho da amostra com base em intervalos de confiança, especificando os valores médios do intervalo de confiança. Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: precisão”](#) na página 37.

Nota: **Precisão** está disponível apenas quando **Tamanho da amostra** é selecionado como o método de suposição de teste **Estimativa**.

Análise de potência de ANOVA de um fator: Contraste

A caixa de diálogo **Contraste** fornece opções para especificar contraste, coeficiente, tamanho do efeito, diferenças de pares e configurações de meia largura do intervalo de confiança para a Análise de energia da análise ANOVA de um fator.

Teste de contraste

Teste com contrastes lineares

Quando ativada, as configurações de contraste e coeficiente estão disponíveis.

Direção de teste

Análise não direcional (bilateral)

Quando selecionada, é usado um teste bilateral. Esta é a definição padrão.

Análise direcional (unilateral)

Quando selecionada, a potência é calculada para um teste unilateral.

Coefficientes

Use a tabela para especificar os coeficientes de contraste e solicitar o teste de contraste. Os valores de tabela são opcionais. O número de valores especificados deve ser igual aos valores especificados para **Tamanhos do grupo** e **Médias do grupo**. A soma para todos os valores especificados deve ser igual a 0; caso contrário, o último valor será ajustado automaticamente.

Tamanho do efeito

Especifique o tamanho do efeito do teste de contraste que é medido por δ . Deve-se especificar um único valor numérico. Quando a **Direção do teste** é configurada para **Análise direcional (unilateral)**, o valor especificado deve ser ≥ 0 . Quando a **Potência** é especificada como a suposição de teste **Estimativa**, o valor especificado não pode ser 0.

Diferenças pairwise

Estimar a potência de teste para diferenças pairwise

Controla se estimar ou não a potência de teste para as diferenças pairwise. Por padrão, a configuração opcional é desativada, o que suprime a saída para as diferenças pairwise.

Correção de Bonferroni

Usa a correção de Bonferroni na estimação da potência de diferenças pairwise. Esta é a definição padrão.

correção Sidak

Usa a correção de Sidak na estimação da potência de diferenças pairwise.

Diferença menos significativa (LSD)

Usa a correção de LSD na estimação da potência de diferenças pairwise.

Especificar a metade da largura do intervalo de confiança

Estima o tamanho da amostra com base no valor de meia largura do intervalo de confiança. Insira um valor no intervalo de 0 a 1. Para o teste Binomial de Uma Amostra, o valor deve estar no intervalo de 0 a 0,5.

Nota: Valores duplicados são ignorados.

- Clique em **Incluir** para incluir o valor de meia largura especificado na lista.
- Realce um valor de meia largura existente e clique em **Mudar** para atualizar o valor.
- Destaque um valor de meia largura existente e clique em **Remover** para remover o valor da lista.

Análise de potência de ANOVA de um Fator: Gráfico

A caixa de diálogo **Criar gráfico** controla os gráficos que são produzidos para ilustrar o poder bidimensional e tridimensional por gráficos de tamanho de amostra e efeito. A caixa de diálogo também controla os graus de rotação vertical e horizontal para gráficos tridimensionais.

Gráfico bidimensional

Estimação de potência versus tamanho total da amostra

Quando ativada, esta configuração opcional fornece opções para controlar a potência bidimensional por gráfico de tamanho total da amostra. A configuração é desativada por padrão.

Intervalo de tamanho total da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho total da amostra será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência bidimensional por gráfico de tamanho total da amostra. O valor deve ser maior ou igual a:

- 2 x a quantidade de números inteiros especificados para **Tamanhos de grupos**
- 2 x a soma dos números inteiros especificados para **Tamanhos de grupos** / pelo menor valor de número inteiro para **Tamanhos de grupos**

O valor não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência bidimensional por gráfico de tamanho total da amostra. O valor deve ser menor ou igual a:

- 5000 / pelo maior valor de número inteiro especificado para **Tamanhos de grupos** x a soma dos números inteiros especificados para **Tamanhos de grupos**

O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 2147483647.

Estimação de potência versus desvio padrão agrupado

Por padrão, esta configuração opcional é desativada. A configuração controla a potência bidimensional por gráfico de desvio padrão agrupado. Quando ativada, o gráfico é exibido na saída. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do desvio padrão agrupado será usado.

Nota:

O plot é desativado quando os valores especificados **Médias do grupo** são todos iguais.

Intervalo de desvio padrão agrupado

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência bidimensional por gráfico de desvio padrão agrupado. O valor deve ser maior que 0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência bidimensional por gráfico de desvio padrão agrupado. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior**.

Gráfico tridimensional

Estimação de potência versus

Fornece opções para controlar a potência tridimensional por gráfico de tamanho total da amostra (eixo x) e tamanho do efeito (eixo y), as configurações de rotação vertical e horizontal e o intervalo de plotagem especificado pelo usuário da amostra e tamanho do efeito. Esta configuração é desativada por padrão.

Nota:

O plot é desativado quando os valores especificados **Médias do grupo** são todos iguais.

Desvio padrão agrupado no eixo X e tamanho total da amostra no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho total da amostra (eixo X) e de desvio padrão agrupado (eixo Y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Desvio padrão agrupado no eixo Y e tamanho total da amostra no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho total da amostra (eixo Y) e de desvio padrão agrupado (eixo X). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Intervalo de tamanho total da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho da amostra será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho total da amostra. O valor deve ser maior que 0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho total da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior**.

Intervalo de desvio padrão agrupado

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho do efeito será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência tridimensional por gráfico de desvio padrão agrupado. O valor deve ser maior que 0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência tridimensional por gráfico de desvio padrão agrupado. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior**.

Estimação de potência versus tamanho da amostra

Fornece opções para controlar a potência tridimensional por tamanho de efeito e o intervalo de plotagem especificado pelo usuário de amostra e tamanho de efeito. Esta configuração é desativada por padrão.

Nota:

O plot é desativado quando os valores especificados **Médias do grupo** são todos iguais.

Desvio padrão agrupado no eixo X e tamanho total da amostra no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho total da amostra (eixo x) e tamanho do efeito (eixo y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Desvio padrão agrupado no eixo Y e tamanho total da amostra no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho total da amostra (eixo y) e tamanho do efeito (eixo x). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Intervalo de tamanho total da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho da amostra será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho total da amostra. O valor deve ser maior que 0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho total da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior**.

Intervalo de tamanho do efeito

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão do tamanho do efeito será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho total da amostra. O valor deve ser maior que 0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a potência tridimensional por gráfico de tamanho total da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior**.

Rotação vertical

A configuração opcional define os graus de rotação vertical (sentido horário da esquerda) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico verticalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 10.

Rotação horizontal

A configuração opcional define os graus de rotação horizontal (sentido horário da parte frontal) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico horizontalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 325.

Proporções

Os seguintes recursos estatísticos estão incluídos no IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

Análise de potência de teste binomial de uma amostra

Este recurso requer o IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

A análise de potência desempenha uma função essencial em um plano de estudo, design e condução. O cálculo da potência geralmente é feito antes da coleta de quaisquer dados de amostra, exceto possivelmente um pequeno estudo piloto. A estimação precisa da potência pode informar os investigadores sobre a probabilidade de que uma diferença estatisticamente significativa seja detectada com base em um tamanho da amostra finito em uma hipótese alternativa real. Se a potência for muito baixa, haverá pouca chance de ser detectada uma diferença significativa, e os resultados não significativos são prováveis, mesmo que de fato existam diferenças reais.

A distribuição binomial é baseada em uma sequência de avaliações de Bernoulli. Ela pode ser usada para modelar experimentos, incluindo um número fixo de total de avaliações, que são consideradas independentes umas das outras. Cada avaliação leva a um resultado dicotômico, com a mesma probabilidade para um resultado bem-sucedido.

O teste binomial de uma amostra faz inferência estatística sobre o parâmetro de proporção, comparando-o com um valor hipotético. Os métodos para estimar a potência para tal teste são a aproximação normal ou a enumeração binomial.

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de potência > Proporções > Teste binomial de uma amostra

2. Selecione uma configuração de suposição de teste **Estimativa (Tamanho da amostra ou Potência)**.
3. Quando **Tamanho da amostra** é selecionado, insira um **Valor único de potência** para o valor de estimativa de tamanho de amostra (o valor deve ser um valor único entre 0 e 1) ou selecione **Valores de potência da grade** e, em seguida, clique em **Grade** para visualizar tamanhos de amostra projetados para uma gama de valores de potência específicos.

Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: valores de grade”](#) na página 38.

4. Quando **Potência** for selecionada como a configuração de **Estimativa** da suposição de teste, insira o valor de **Número total de tentativas apropriado**. O valor deve ser um número inteiro maior ou igual a 1.
5. Insira um valor que especifica o valor de hipótese alternativa do parâmetro de proporção no campo **Proporção da população**. O valor deve ser um valor numérico único.

Nota: Quando um valor de **Potência** é especificado, o valor da **Proporção de população** não pode ser igual ao **valor nulo**.

6. Opcionalmente, insira um valor que especifica o valor de hipótese nula do parâmetro de proporção a ser testado no campo **Valor nulo**. O valor deve ser um único numérico no intervalo de 0 a 1. O valor padrão é 0,50.
7. Selecione um método para estimar a potência.

Aproximação normal

Ativa a aproximação normal. Esta é a definição padrão.

Aplicar correção de continuidade

Controla se a correção de continuidade será ou não usada para o método de aproximação normal.

Enumeração binomial

Ativa o método de enumeração binomial. Opcionalmente, use o campo **Limite de tempo** para especificar o número máximo de minutos permitidos para estimar o tamanho da amostra. Quando o limite de tempo é atingido, a análise é finalizada e uma mensagem de aviso é exibida. Quando especificado, o valor deve ser um único inteiro positivo para denotar o número de minutos. A configuração padrão é 5 minutos.

Nota: A suposição de estimativa de potência selecionada não tem efeito quando o valor do **número total de tentativas** excede 500.

8. Selecione se o teste é unilateral ou bilateral.

Análise não direcional (bilateral)

Quando selecionada, é usado um teste bilateral. Esta é a definição padrão.

Análise direcional (unilateral)

Quando selecionada, a potência é calculada para um teste unilateral.

9. Opcionalmente, especifique o nível de significância da taxa de erro Tipo I para o teste no campo **Nível de significância**. O valor deve ser um valor duplo único entre 0 e 1. O valor padrão é 0,05.
10. Opcionalmente, clique em **Criar gráfico** para especificar as configurações de “Análise de potência de binômio de uma amostra: Gráfico” na página 17 (saída do gráfico, configurações de plotagem bidimensional e configurações de plotagem tridimensional).

Nota: **Criar gráfico** está disponível somente quando **Potência** é selecionada como a suposição de teste **Estimativa** e **Enumeração binomial** não é selecionada.

11. Opcionalmente, clique em **Precisão** para estimar o tamanho da amostra com base em intervalos de confiança, especificando os valores médios do intervalo de confiança. Para obter mais informações, consulte “Análise de energia: precisão” na página 37.

Nota: A **precisão** está disponível somente quando o **tamanho da amostra** é selecionado como a suposição de teste Método de **estimativa** e a análise **não direcional (frente e verso)** é selecionada como a **direção do teste**.

Análise de potência de binômio de uma amostra: Gráfico

A caixa de diálogo **Gráfico** oferece opções para controlar os gráficos que são produzidos para ilustrar o poder bidimensional e tridimensional dos gráficos. A caixa de diálogo também controla os graus de rotação vertical e horizontal para gráficos tridimensionais.

Gráfico bidimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência bidimensional versus gráficos. Esta configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus valor de hipótese nula

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de valor nulo. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus valor de hipótese alternativa

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de valor alternativo. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus a diferença entre valores hipotéticos

Quando ativada, essa configuração opcional controla a potência bidimensional pela diferença entre o gráfico de valores hipotéticos. A configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus número total de avaliações

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de número total de avaliações. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Intervalo de gráfico de número total de avaliações

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para estimação de potência bidimensional versus gráfico de número total de avaliações. O valor deve ser maior que 0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para estimação de potência bidimensional versus gráfico de número total de avaliações. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Gráfico tridimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência tridimensional versus gráficos. Esta configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus número total de avaliações

Quando selecionada, esta configuração ativa as seguintes opções.

no eixo X e a diferença entre valores hipotéticos no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional pelo número total de avaliações (eixo x) e pela diferença entre o gráfico de valores hipotéticos (eixo y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

no eixo Y e a diferença entre valores hipotéticos no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional pelo número total de avaliações (eixo y) e pela diferença entre o gráfico de valores hipotéticos (eixo x). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Intervalo de gráfico de número total de avaliações

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para estimação de potência tridimensional versus gráfico de número total de avaliações. O valor deve ser maior que 0 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para estimação de potência tridimensional versus gráfico de número total de avaliações. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Estimação de potência versus valor de hipótese nula

Quando selecionada, esta configuração ativa as seguintes opções.

no eixo X e valor de hipótese alternativa no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de valor nulo (eixo X) e alternativo (eixo Y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

no eixo Y e valor de hipótese alternativa no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de valor nulo (eixo Y) e alternativo (eixo X). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Rotação vertical

A configuração opcional define os graus de rotação vertical (sentido horário da esquerda) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico verticalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 10.

Rotação horizontal

A configuração opcional define os graus de rotação horizontal (sentido horário da parte frontal) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico horizontalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 325.

Análise de potência de teste binomial de amostra relacionada

Este recurso requer o IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

A análise de potência desempenha uma função essencial em um plano de estudo, design e condução. O cálculo da potência geralmente é feito antes da coleta de quaisquer dados de amostra, exceto possivelmente um pequeno estudo piloto. A estimação precisa da potência pode informar os investigadores sobre a probabilidade de que uma diferença estatisticamente significativa seja detectada com base em um tamanho da amostra finito em uma hipótese alternativa real. Se a potência for muito baixa, haverá pouca chance de ser detectada uma diferença significativa, e os resultados não significativos são prováveis, mesmo que de fato existam diferenças reais.

A distribuição binomial é baseada em uma sequência de avaliações de Bernoulli. Ela pode ser usada para modelar experimentos, incluindo um número fixo de total de avaliações, que são consideradas independentes umas das outras. Cada avaliação leva a um resultado dicotômico, com a mesma probabilidade para um resultado bem-sucedido.

O binômio de amostra relacionada estima a potência do teste de McNemar para comparar dois parâmetros de proporção com base nos assuntos de pares correspondidos amostrados de duas populações binomiais relacionadas.

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de potência > Proporções > Teste binomial de amostra relacionada

2. Selecione uma configuração de suposição de teste **Estimativa (Tamanho da amostra ou Potência)**.
3. Quando **Tamanho da amostra** é selecionado, insira um **Valor único de potência** para o valor de estimativa de tamanho de amostra (o valor deve ser um valor único entre 0 e 1) ou selecione **Valores de potência da grade** e, em seguida, clique em **Grade** para visualizar tamanhos de amostra projetados para uma gama de valores de potência específicos.

Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: valores de grade”](#) na página 38.

4. Quando a **Potência** for selecionada como o método de **estimativa** de suposição de teste, insira o valor de **Número total de pares** apropriado.
5. Selecione para especificar valores de teste para **Proporções** ou **Contagens**.
 - Quando **Proporções** for selecionado, insira valores nos campos **Proporção 1** e **Proporção 2**. Os valores devem estar no intervalo de 0 a 1.
 - Quando **Contagens** for selecionado, insira valores nos campos **Contagem 1** e **Contagem 2**. Os valores devem estar entre 0 e o valor especificado para **Número total de pares**.

Notas de proporções:

- **Proporções** é a única opção disponível quando um valor de **Potência** é especificado.
- Quando os **valores de teste são marginais** não é selecionado: $0 < \text{Proporção 1} + \text{Proporção 2} \leq 1$
- Quando **Os valores de teste são marginais** estiver selecionado:
 - **Proporção 1 * Proporção 2** > 0
 - **Proporção 1** < 1
 - **Proporção 2** < 1
 - Os valores para **Proporção 1** e **Proporção 2** não podem ser iguais.

Notas de contagens:

- As configurações de **contagem** estão disponíveis somente quando **Potência** é selecionada como a configuração **Estimativa** da suposição de teste.
 - Quando os **valores de teste são marginais** não é selecionado: $0 < \text{Contagem 1} + \text{Contagem 2} \leq \text{Número total de pares}$
 - Quando **Os valores de teste são marginais** estiver selecionado:
 - **Contagem 1 * Contagem 2** > 0
 - **Contagem 1** < **Número total de pares**
 - **Contagem 2** < **Número total de pares**
6. Opcionalmente, é possível selecionar **Os valores de teste são marginais** para controlar se os valores de proporções ou contagens especificados são ou não marginais. Quando **Os valores de teste são marginais** estiver ativado, deve-se especificar um valor de **Correlação entre pares correspondidos**. O valor deve ser um valor único entre -1 e 1.
7. Selecione um método para estimar a potência.

Aproximação normal

Ativa a aproximação normal. Esta é a definição padrão.

Enumeração binomial

Ativa o método de enumeração binomial. Opcionalmente, use o campo **Limite de tempo** para especificar o número máximo de minutos permitidos para estimar o tamanho da amostra. Quando o limite de tempo é atingido, a análise é finalizada e uma mensagem de aviso é exibida. Quando especificado, o valor deve ser um único inteiro positivo para denotar o número de minutos. A configuração padrão é 5 minutos.

8. Selecione se o teste é unilateral ou bilateral.

Análise não direcional (bilateral)

Quando selecionada, é usado um teste bilateral. Esta é a definição padrão.

Análise direcional (unilateral)

Quando selecionada, a potência é calculada para um teste unilateral.

9. Opcionalmente, especifique o nível de significância da taxa de erro Tipo I para o teste no campo **Nível de significância**. O valor deve ser um valor duplo único entre 0 e 1. O valor padrão é 0,05.
10. Opcionalmente, clique em **Criar gráfico** para especificar as configurações de “Análise de potência de teste binomial de amostra relacionada” na página 19 (saída do gráfico, configurações de plotagem bidimensional e configurações de plotagem tridimensional).

Nota: Criar gráfico está disponível somente quando **Potência** é selecionada como a suposição de teste **Estimativa** e **Enumeração binomial** não é selecionada.

11. Opcionalmente, clique em **Precisão** para estimar o tamanho da amostra com base em intervalos de confiança, especificando os valores médios do intervalo de confiança. Para obter mais informações, consulte “Análise de energia: precisão” na página 37.

Nota: A **precisão** está disponível somente quando o **tamanho da amostra** é selecionado como a suposição de teste Método de **estimativa** e a análise **não direcional (frente e verso)** é selecionada como a **direção do teste**.

Análise de potência de binômio de amostra relacionada: Gráfico

A caixa de diálogo **Gráfico** controla os gráficos que são gerados para ilustrar os gráficos de estimativa de potência bi e tridimensionais. A caixa de diálogo também controla os graus de rotação vertical e horizontal para gráficos tridimensionais.

Gráfico bidimensional

Fornecer opções para controlar a estimação de potência bidimensional versus gráficos. Esta configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus número total de pares

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de número total de pares. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Intervalo de gráfico do número total de pares

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para estimação de potência bidimensional versus gráfico de número total de pares. O valor deve ser maior que 1 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para estimação de potência bidimensional versus gráfico de número total de pares. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 2500.

Estimação de potência versus diferença de risco

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de diferença de risco. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus razão de risco

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de razão de risco. A configuração é desativada por padrão.

Intervalo de gráfico de razão de risco

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência bidimensional versus gráfico de razão de risco. O valor não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência bidimensional versus gráfico de razão de risco. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 10.

Estimação de potência versus razão de chances

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de razão de chances. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Intervalo de gráfico de razão de chances

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência bidimensional versus gráfico de razão de chances. O valor não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência bidimensional versus gráfico de razão de chances. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 10.

Estimativa de potência versus correlação entre pares correspondidos

Controla a potência estimada Ω versus a correlação entre o gráfico de pares combinados. O gráfico é criado apenas quando as proporções marginais ou contagens são especificadas (em vez das proporções discordantes).

Gráfico tridimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência tridimensional versus gráficos. Esta configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus proporções discordantes

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de proporções discordantes. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus proporções marginais

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de proporções marginais. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Nota: Esta configuração está disponível somente quando **Os valores de teste são marginais** é selecionado.

Rotação vertical

A configuração opcional define os graus de rotação vertical (sentido horário da esquerda) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico verticalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 10.

Rotação horizontal

A configuração opcional define os graus de rotação horizontal (sentido horário da parte frontal) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico horizontalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 325.

Análise de potência de teste binomial de amostra independente

Este recurso requer o IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

A análise de potência desempenha uma função essencial em um plano de estudo, design e condução. O cálculo da potência geralmente é feito antes da coleta de quaisquer dados de amostra, exceto possivelmente um pequeno estudo piloto. A estimação precisa da potência pode informar os investigadores sobre a probabilidade de que uma diferença estatisticamente significativa seja detectada com base em um tamanho da amostra finito em uma hipótese alternativa real. Se a potência for muito baixa, haverá pouca chance de ser detectada uma diferença significativa, e os resultados não significativos são prováveis, mesmo que de fato existam diferenças reais.

A distribuição binomial é baseada em uma sequência de avaliações de Bernoulli. Ela pode ser usada para modelar esses experimentos, incluindo um número fixo de total de avaliações que são consideradas independentes umas das outras. Cada avaliação leva a um resultado dicotômico, com a mesma probabilidade para um resultado "bem-sucedido". O teste binomial de amostra independente compara dois parâmetros de proporções independentes.

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de potência > Proporções > Teste binomial de amostras independentes

2. Selecione uma configuração de suposição de teste **Estimativa (Tamanho da amostra ou Potência)**.
3. Quando **Tamanho da amostra** é selecionado, insira um **Valor único de potência** para o valor de estimativa de tamanho de amostra (o valor deve ser um valor único entre 0 e 1) ou selecione

Valores de potência da grade e, em seguida, clique em **Grade** para visualizar tamanhos de amostra projetados para uma gama de valores de potência específicos.

Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: valores de grade”](#) na página 38.

Opcionalmente, especifique um valor de **Proporção do tamanho do grupo**. O valor padrão é 1.

4. Quando a **Potência** for selecionada como a configuração **Estimativa** da suposição de teste, insira valores para especificar o **Número total de tentativas para o grupo 1 e o grupo 2**. Os valores devem ser números inteiros maiores que 1.
5. Especifique os parâmetros de proporção para os dois grupos. Ambos os valores devem estar no intervalo de 0 a 1.

Nota: Os dois valores não podem ser iguais quando um valor de **Potência** é especificado.

6. Opcionalmente, especifique o nível de significância da taxa de erro Tipo I para o teste no campo **Nível de significância**. O valor deve ser um valor duplo único entre 0 e 1. O valor padrão é 0,05.
7. Selecione o método de teste desejado:

Teste qui-quadrado

Estima a potência com base no teste qui-quadrado de Pearson. Esta é a definição padrão.

O desvio padrão é agrupado

Esta configuração opcional controla se a estimação do desvio padrão é agrupada ou não agrupada. A configuração é ativada por padrão.

Aplicar correção de continuidade

Esta configuração opcional controla se a correção de continuidade será ou não usada. A configuração é desativada por padrão.

Teste T

Estima a potência com base no teste t de Student.

O desvio padrão é agrupado

Esta configuração opcional controla se a estimação do desvio padrão é agrupada ou não agrupada. A configuração é ativada por padrão.

Teste de razão de verossimilhança

Estima a potência com base no teste de razão de verossimilhança.

teste exato de Fisher

Estima a potência com base no teste exato de Fisher.

Notas:

- Em alguns casos, o teste exato de Fisher pode levar uma quantidade de tempo maior para concluir.
- Todos os plots são bloqueados quando o teste exato de Fisher é selecionado.

8. Selecione um método para estimar a potência.

Aproximação normal

Ativa a aproximação normal. Esta é a definição padrão.

Enumeração binomial

Ativa o método de enumeração binomial. Opcionalmente, use o campo **Limite de tempo** para especificar o número máximo de minutos permitidos para estimar o tamanho da amostra. Quando o limite de tempo é atingido, a análise é finalizada e uma mensagem de aviso é exibida. Quando especificado, o valor deve ser um único inteiro positivo para denotar o número de minutos. A configuração padrão é 5 minutos.

9. Selecione se o teste é unilateral ou bilateral.

Análise não direcional (bilateral)

Quando selecionada, é usado um teste bilateral. Esta é a definição padrão.

Análise direcional (unilateral)

Quando selecionada, a potência é calculada para um teste unilateral.

10. Opcionalmente, você pode clicar em **Criar gráfico** para especificar as configurações de “Análise de potência de teste binomial de amostras independentes: Gráfico” na página 24 (saída do gráfico, configurações de plotagem bidimensional e configurações de plotagem tridimensional).

Nota: **Criar gráfico** está disponível somente quando **Potência** é selecionada como a suposição de teste **Estimativa** e **Enumeração binomial** não é selecionada.

11. Opcionalmente, clique em **Precisão** para estimar o tamanho da amostra com base em intervalos de confiança, especificando os valores médios do intervalo de confiança. Para obter mais informações, consulte “Análise de energia: precisão” na página 37.

Nota: A **precisão** está disponível somente quando o **tamanho da amostra** é selecionado como a suposição de teste Método de **estimativa** e a análise **não direcional (frente e verso)** é selecionada como a **direção do teste**.

Análise de potência de teste binomial de amostras independentes: Gráfico

A caixa de diálogo **Criar gráfico** fornece opções para controlar os gráficos que são produzidos para ilustrar os gráficos de estimativa de potência bi e tridimensionais. A caixa de diálogo também controla os graus de rotação vertical e horizontal para gráficos tridimensionais.

Gráfico bidimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência bidimensional versus gráficos. Esta configuração é desativada por padrão.

Estimação de energia versus razão de tamanho do grupo/Estimação de energia versus tamanho do grupo

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de razão de tamanho do grupo. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico. As configurações adicionais não estarão disponíveis quando vários valores de energia forem especificados (**Estimação de energia versus tamanho do grupo**). A configuração é desativada por padrão.

Intervalo de gráfico de razão de tamanho do grupo

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para estimação de potência bidimensional versus gráfico de número total de pares. O valor deve ser maior que ,01 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para estimação de potência bidimensional versus gráfico de número total de pares. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 100.

Estimação de potência versus diferença de risco

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de diferença de risco. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus razão de risco

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de razão de risco. A configuração é desativada por padrão.

Intervalo de gráfico de razão de risco

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência bidimensional versus gráfico de razão de risco. O valor não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência bidimensional versus gráfico de razão de risco. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 10.

Estimação de potência versus razão de chances

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de razão de chances. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Intervalo de gráfico de razão de chances

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência bidimensional versus gráfico de razão de chances. O valor não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência bidimensional versus gráfico de razão de chances. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 10.

Gráfico tridimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência tridimensional versus gráficos. Esta configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus proporções

Quando selecionada, esta configuração opcional fornece as seguintes opções de potência por proporção:

proporção de grupo 1 no eixo X e proporção de grupo 2 no eixo Y

Controla a potência tridimensional por gráfico de proporção de Grupo 1 (eixo X) e proporção de Grupo 2 (eixo Y). A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

proporção de grupo 1 no eixo Y e proporção de grupo 2 no eixo X

Controla a potência tridimensional por gráfico de proporção de Grupo 2 (eixo X) e proporção de Grupo 1 (eixo Y). A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus tamanhos de grupos

Quando selecionada, esta configuração opcional fornece as seguintes opções de potência por tamanhos de grupos:

tamanho de grupo 1 no eixo X e tamanho de grupo 2 no eixo Y

Controla a potência tridimensional por gráfico de número de avaliações no Grupo 1 (eixo X) e número de avaliações no Grupo 2 (eixo Y). A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

tamanho de grupo 1 no eixo Y e tamanho de grupo 2 no eixo X

Controla a potência tridimensional por gráfico de número de avaliações no Grupo 2 (eixo X) e número de avaliações no Grupo 1 (eixo Y). A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Intervalo de gráfico do tamanho do grupo 1

Quando selecionada, as opções de limites inferior e superior para o intervalo de gráfico do grupo 1 estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência bidimensional versus gráfico de razão de chances. O valor deve ser maior ou igual a 2 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência bidimensional versus gráfico de razão de chances. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 2500.

Intervalo de gráfico do tamanho do grupo 2

Quando selecionada, as opções de limites inferior e superior para o intervalo de gráfico do grupo 2 estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência bidimensional versus gráfico de razão de chances. O valor deve ser maior ou igual a 2 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência bidimensional versus gráfico de razão de chances. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 2500.

Rotação vertical

A configuração opcional define os graus de rotação vertical (sentido horário da esquerda) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico verticalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 10.

Rotação horizontal

A configuração opcional define os graus de rotação horizontal (sentido horário da parte frontal) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico horizontalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 325.

Correlações

Os seguintes recursos estatísticos estão incluídos no IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

Análise de potência de teste de correlação de Pearson de uma amostra

Este recurso requer o IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

A análise de potência desempenha uma função essencial em um plano de estudo, design e condução. O cálculo da potência geralmente é feito antes da coleta de quaisquer dados de amostra, exceto possivelmente um pequeno estudo piloto. A estimação precisa da potência pode informar os investigadores sobre a probabilidade de que uma diferença estatisticamente significativa seja detectada com base em um tamanho da amostra finito em uma hipótese alternativa real. Se a potência for muito baixa, haverá pouca chance de ser detectada uma diferença significativa, e os resultados não significativos são prováveis, mesmo que de fato existam diferenças reais.

O coeficiente de correlação de produto-momento de Pearson mede a força da associação linear entre duas variáveis aleatórias de escala, que supõe-se que sigam uma distribuição normal bivariada. Por conveniência, é uma quantidade sem dimensão e obtida pela padronização da covariância entre duas variáveis contínuas, portanto, variando entre -1 e 1.

O teste usa o método assintótico de Fisher para estimar a potência para a correlação de Pearson de uma amostra.

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de potência > Correlações > Momento do Produto Pearson

2. Selecione uma configuração de suposição de teste **Estimativa (Tamanho da amostra ou Potência)**.
3. Quando **Tamanho da amostra** é selecionado, insira um **Valor único de potência** para o valor de estimativa de tamanho de amostra (o valor deve ser um valor único entre 0 e 1) ou selecione

Valores de potência da grade e, em seguida, clique em **Grade** para visualizar tamanhos de amostra projetados para uma gama de valores de potência específicos.

Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: valores de grade”](#) na página 38.

4. Quando **Potência** for selecionada como a configuração **Estimativa** da suposição de teste, insira o **Valor apropriado do tamanho da amostra em pares**. O valor deve ser um número inteiro único maior que 3.
5. Insira um valor que especifica o valor de hipótese alternativa do parâmetro de correlação no campo **Parâmetro de correlação de Pearson**. O valor deve ser um valor numérico único entre -1 e 1.

Nota: Quando **Potência** é especificada, o valor do **Parâmetro de correlação de Pearson** não pode ser -1 ou 1 e não pode ser igual ao **valor nulo**.

6. Opcionalmente, insira um valor que especifica o valor de hipótese nula do parâmetro de correlação a ser testado no campo **Valor nulo**. O valor deve ser um valor numérico único entre -1 e 1. O valor padrão é 0.

Nota: Quando **Potência** é especificada, o **Valor nulo** não pode ser -1 ou 1.

7. Opcionalmente, selecione **Usar fórmula de correção de propensão na estimação de potência** para especificar se o ajuste de propensão será envolvido ou ignorado. A configuração é ativada por padrão, o que inclui o termo de ajuste de propensão na estimação de potência. Quando a configuração não é selecionada, o termo de ajuste de propensão é ignorado.
8. Selecione se o teste é unilateral ou bilateral.

Análise não direcional (bilateral)

Quando selecionada, é usado um teste bilateral. Esta é a definição padrão.

Análise direcional (unilateral)

Quando selecionada, a potência é calculada para um teste unilateral.

9. Opcionalmente, especifique o nível de significância da taxa de erro Tipo I para o teste no campo **Nível de significância**. O valor deve ser um valor duplo único entre 0 e 1. O valor padrão é 0,05.
10. Opcionalmente, você pode clicar em **Criar gráfico** para especificar as configurações de [“Análise de potência de correlação de Pearson de uma amostra: Gráfico”](#) na página 27 (saída do gráfico, configurações de plotagem bidimensional e configurações de plotagem tridimensional).

Nota: O **Criar gráfico** está disponível somente quando **Potência** é selecionada como a suposição de teste.

11. Opcionalmente, clique em **Precisão** para estimar o tamanho da amostra com base em intervalos de confiança, especificando os valores médios do intervalo de confiança. Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: precisão”](#) na página 37.

Nota: A **precisão** está disponível somente quando o **tamanho da amostra** é selecionado como a suposição de teste Método de **estimativa** e a análise **não direcional (frente e verso)** é selecionada como a **direção do teste**.

Análise de potência de correlação de Pearson de uma amostra: Gráfico

A caixa de diálogo **Gráfico** oferece opções para controlar os gráficos que são produzidos para ilustrar o poder bidimensional e tridimensional dos gráficos. A caixa de diálogo também controla os graus de rotação vertical e horizontal para gráficos tridimensionais.

Gráfico bidimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência bidimensional versus gráficos. As configurações são desativadas por padrão.

Estimação de potência versus valor de hipótese nula

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de valor nulo. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus valor de hipótese alternativa

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de valor alternativo. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus a diferença entre valores hipotéticos

Quando ativada, essa configuração opcional controla a potência bidimensional pela diferença entre o gráfico de valores hipotéticos. A configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus tamanho da amostra (em pares)

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Intervalo de gráfico de tamanho da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior ou igual a 4 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Gráfico tridimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência tridimensional versus gráficos. Esta configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus tamanho da amostra

Quando selecionada, esta configuração ativa as seguintes opções.

no eixo X e a diferença entre valores hipotéticos no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo X) e de diferença entre valores hipotéticos (eixo Y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

no eixo Y e a diferença entre valores hipotéticos no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo Y) e de diferença entre valores hipotéticos (eixo X). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Intervalo de gráfico de tamanho da amostra (em pares)

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior ou igual a 4 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Estimação de potência versus valor de hipótese nula

Quando selecionada, esta configuração ativa as seguintes opções.

no eixo X e valor de hipótese alternativa no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de valor nulo (eixo X) e alternativo (eixo Y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

no eixo Y e valor de hipótese alternativa no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de valor nulo (eixo Y) e alternativo (eixo X). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Rotação vertical

A configuração opcional define os graus de rotação vertical (sentido horário da esquerda) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico verticalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 10.

Rotação horizontal

A configuração opcional define os graus de rotação horizontal (sentido horário da parte frontal) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico horizontalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 325.

Análise de potência de teste de correlação de Spearman de uma amostra

Este recurso requer o IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

A análise de potência desempenha uma função essencial em um plano de estudo, design e condução. O cálculo da potência geralmente é feito antes da coleta de quaisquer dados de amostra, exceto possivelmente um pequeno estudo piloto. A estimação precisa da potência pode informar os investigadores sobre a probabilidade de que uma diferença estatisticamente significativa seja detectada com base em um tamanho da amostra finito em uma hipótese alternativa real. Se a potência for muito baixa, haverá pouca chance de ser detectada uma diferença significativa, e os resultados não significativos são prováveis, mesmo que de fato existam diferenças reais.

O coeficiente de correlação de ordem de posto de Spearman é uma estatística não paramétrica baseada em posto para medir o relacionamento monotônico entre duas variáveis que geralmente são censuradas e normalmente não distribuídas. A correlação de ordem de classificação de Spearman é igual à correlação de Pearson entre os valores de classificação das duas variáveis, portanto, também variando entre -1 e 1. Detectar o poder do teste de correlação de postos de Spearman é um tópico importante na análise de dados de séries temporais hidrológicas.

O teste usa o método assintótico de Fisher para estimar a potência para a correlação de ordem de posto de Spearman de uma amostra.

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de Potência > Correlações > Ordem de classificação de Spearman

2. Selecione uma configuração de suposição de teste **Estimativa (Tamanho da amostra ou Potência)**.
3. Quando **Tamanho da amostra** é selecionado, insira um **Valor único de potência** para o valor de estimativa de tamanho de amostra (o valor deve ser um valor único entre 0 e 1) ou selecione **Valores de potência da grade** e, em seguida, clique em **Grade** para visualizar tamanhos de amostra projetados para uma gama de valores de potência específicos.

Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: valores de grade”](#) na página 38.

4. Quando **Potência** for selecionada como a configuração **Estimativa** da suposição de teste, insira o **Valor apropriado do tamanho da amostra em pares**. O valor deve ser um número inteiro único maior que 3.
5. Insira um valor que especifica o valor de hipótese alternativa do parâmetro de correlação no campo **Parâmetro de correlação de Spearman**. O valor deve ser um valor numérico único entre -1 e 1.

Nota: Quando **Potência** é especificado, o valor do **parâmetro de correlação de Spearman** não pode ser -1 ou 1 e não pode ser igual ao **valor nulo**.

6. Opcionalmente, insira um valor que especifica o valor de hipótese nula do parâmetro de correlação a ser testado no campo **Valor nulo**. O valor deve ser um valor numérico único entre -1 e 1. O valor padrão é 0.

Nota: Quando **Potência** é especificada, o **Valor nulo** não pode ser -1 ou 1.

7. Opcionalmente, selecione uma opção que determina como a variância assintótica é estimada para a análise de potência.

Bonett e Wright

Estima a variância sugerida por Bonett e Wright. Esta é a definição padrão.

Fieller, Hartley e Pearson

Estima a variância sugerida por Fieller, Hartley e Pearson.

Caruso e Cliff

Estima a variância sugerida por Caruso e Cliff.

8. Selecione se o teste é unilateral ou bilateral.

Análise não direcional (bilateral)

Quando selecionada, é usado um teste bilateral. Esta é a definição padrão.

Análise direcional (unilateral)

Quando selecionada, a potência é calculada para um teste unilateral.

9. Opcionalmente, especifique o nível de significância da taxa de erro Tipo I para o teste no campo **Nível de significância**. O valor deve ser um valor duplo único entre 0 e 1. O valor padrão é 0,05.
10. Opcionalmente, clique em **Criar gráfico** para especificar as configurações de “Análise de potência de correlação de Spearman de uma amostra: Gráfico” na página 30 (saída do gráfico, configurações de plotagem bidimensional e configurações de plotagem tridimensional).

Nota: O **Criar gráfico** está disponível somente quando **Potência** é selecionada como a suposição de teste.

11. Opcionalmente, clique em **Precisão** para estimar o tamanho da amostra com base em intervalos de confiança, especificando os valores médios do intervalo de confiança. Para obter mais informações, consulte “Análise de energia: precisão” na página 37.

Nota: A **precisão** está disponível somente quando o **tamanho da amostra** é selecionado como a suposição de teste Método de **estimativa** e a análise **não direcional (frente e verso)** é selecionada como a **direção do teste**.

Análise de potência de correlação de Spearman de uma amostra: Gráfico

A caixa de diálogo **Gráfico** oferece opções para controlar os gráficos que são produzidos para ilustrar o poder bidimensional e tridimensional dos gráficos. A caixa de diálogo também controla os graus de rotação vertical e horizontal para gráficos tridimensionais.

Gráfico bidimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência bidimensional versus gráficos. As configurações são desativadas por padrão.

Estimação de potência versus valor de hipótese nula

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de valor nulo. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus valor de hipótese alternativa

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de valor alternativo. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus a diferença entre valores hipotéticos

Quando ativada, essa configuração opcional controla a potência bidimensional pela diferença entre o gráfico de valores hipotéticos. A configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus tamanho da amostra (em pares)

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Intervalo de gráfico de tamanho da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior ou igual a 4 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Gráfico tridimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência tridimensional versus gráficos. Esta configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus tamanho da amostra

Quando selecionada, esta configuração ativa as seguintes opções.

no eixo X e a diferença entre valores hipotéticos no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo X) e de diferença entre valores hipotéticos (eixo Y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

no eixo Y e a diferença entre valores hipotéticos no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo Y) e de diferença entre valores hipotéticos (eixo X). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Intervalo de gráfico de tamanho da amostra (em pares)

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior ou igual a 4 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Estimação de potência versus valor de hipótese nula

Quando selecionada, esta configuração ativa as seguintes opções.

no eixo X e valor de hipótese alternativa no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de valor nulo (eixo X) e alternativo (eixo Y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

no eixo Y e valor de hipótese alternativa no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de valor nulo (eixo Y) e alternativo (eixo X). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Rotação vertical

A configuração opcional define os graus de rotação vertical (sentido horário da esquerda) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico verticalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 10.

Rotação horizontal

A configuração opcional define os graus de rotação horizontal (sentido horário da parte frontal) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico horizontalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 325.

Análise de potência de teste de correlação de Pearson parcial

Este recurso requer o IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

A análise de potência desempenha uma função essencial em um plano de estudo, design e condução. O cálculo da potência geralmente é feito antes da coleta de quaisquer dados de amostra, exceto possivelmente um pequeno estudo piloto. A estimativa precisa da potência pode informar os investigadores sobre a probabilidade de que uma diferença estatisticamente significativa seja detectada com base em um tamanho da amostra finito em uma hipótese alternativa real. Se a potência for muito baixa, haverá pouca chance de ser detectada uma diferença significativa, e os resultados não significativos são prováveis, mesmo que de fato existam diferenças reais.

A correlação parcial pode ser explicada como a associação entre duas variáveis aleatórias após a eliminação do efeito de outra ou várias outras variáveis. É uma medida útil quando há confusão. Semelhante ao coeficiente de correlação de Pearson, o coeficiente de correlação parcial também é uma quantidade sem dimensão que varia entre -1 e 1.

O teste usa o método assintótico de Fisher para estimar a potência para a correlação de Pearson de uma amostra.

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de potência > Correlações > Parcial

2. Selecione uma configuração de suposição de teste **Estimativa (Tamanho da amostra ou Potência)**.
3. Quando **Tamanho da amostra** é selecionado, insira um **Valor único de potência** para o valor de estimativa de tamanho de amostra (o valor deve ser um valor único entre 0 e 1) ou selecione **Valores de potência da grade** e, em seguida, clique em **Grade** para visualizar tamanhos de amostra projetados para uma gama de valores de potência específicos.

Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: valores de grade”](#) na página 38.

4. Quando **Potência** é selecionado como a configuração de suposição de teste **Estimativa**, insira o valor do **Tamanho da amostra** apropriado. O valor deve ser um número inteiro único maior que 1.
5. Insira um valor que especifique o **Número das variáveis que se supõe que sejam parcialmente desfeitas**. O valor deve ser um número inteiro único maior ou igual a 0.
6. Insira um valor que especifique o valor da hipótese alternativa do **parâmetro Correlação parcial**. O valor deve ser um valor numérico único entre -1 e 1.

Nota: Quando **Potência** é especificado, o valor de **Parâmetro de correlação parcial** não pode ser -1 ou 1 e não pode ser igual ao **Valor nulo**.

7. Opcionalmente, insira um valor que especifica o valor de hipótese nula do parâmetro de correlação parcial a ser testado no campo **Valor nulo**. O valor deve ser um valor numérico único entre -1 e 1. O valor padrão é 0.

Nota: Quando **Potência** é especificada, o **Valor nulo** não pode ser -1 ou 1.

8. Selecione se o teste é unilateral ou bilateral.

Análise não direcional (bilateral)

Quando selecionada, é usado um teste bilateral. Esta é a definição padrão.

Análise direcional (unilateral)

Quando selecionada, a potência é calculada para um teste unilateral.

9. Opcionalmente, especifique o nível de significância da taxa de erro Tipo I para o teste no campo **Nível de significância**. O valor deve ser um valor duplo único entre 0 e 1. O valor padrão é 0,05.
10. Opcionalmente, clique em **Criar gráfico** para especificar as configurações de “Análise de potência de correlação de Pearson parcial: Gráfico” na página 33 (saída do gráfico, configurações de plotagem bidimensional e configurações de plotagem tridimensional).

Nota: O **Criar gráfico** está disponível somente quando **Potência** é selecionada como a suposição de teste.

11. Opcionalmente, clique em **Precisão** para estimar o tamanho da amostra com base em intervalos de confiança, especificando os valores médios do intervalo de confiança. Para obter mais informações, consulte “Análise de energia: precisão” na página 37.

Nota: A **precisão** está disponível somente quando o **tamanho da amostra** é selecionado como a suposição de teste Método de **estimativa** e a análise **não direcional (frente e verso)** é selecionada como a **direção do teste**.

Análise de potência de correlação de Pearson parcial: Gráfico

A caixa de diálogo **Gráfico** oferece opções para controlar os gráficos que são produzidos para ilustrar o poder bidimensional e tridimensional dos gráficos. A caixa de diálogo também controla os graus de rotação vertical e horizontal para gráficos tridimensionais.

Gráfico bidimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência bidimensional versus gráficos. As configurações são desativadas por padrão.

Estimação de potência versus valor de hipótese nula

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de valor nulo. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus valor de hipótese alternativa

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de valor alternativo. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimativa de potência versus o número de variáveis parcializadas

Quando habilitada, esta configuração opcional controla o gráfico de potência bidimensional pelo número de variáveis descontinuas. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus a diferença entre valores hipotéticos

Quando ativada, essa configuração opcional controla a potência bidimensional pela diferença entre o gráfico de valores hipotéticos. A configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus tamanho da amostra

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Intervalo de gráfico de tamanho da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior ou igual a 4 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Gráfico tridimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência tridimensional versus gráficos. Esta configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus tamanho da amostra

Quando selecionada, esta configuração ativa as seguintes opções.

no eixo X e a diferença entre valores hipotéticos no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo X) e de diferença entre valores hipotéticos (eixo Y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

no eixo Y e a diferença entre valores hipotéticos no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo Y) e de diferença entre valores hipotéticos (eixo X). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Intervalo de gráfico de tamanho da amostra (em pares)

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior ou igual a 4 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Estimação de potência versus valor de hipótese nula

Quando selecionada, esta configuração ativa as seguintes opções.

no eixo X e valor de hipótese alternativa no eixo Y

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de valor nulo (eixo X) e alternativo (eixo Y). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

no eixo Y e valor de hipótese alternativa no eixo X

A configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de valor nulo (eixo Y) e alternativo (eixo X). Por padrão, o gráfico é suprimido. Quando especificada, o gráfico é exibido.

Rotação vertical

A configuração opcional define os graus de rotação vertical (sentido horário da esquerda) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico verticalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 10.

Rotação horizontal

A configuração opcional define os graus de rotação horizontal (sentido horário da parte frontal) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico horizontalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 325.

Regressão

Os seguintes recursos estatísticos estão incluídos no IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

Análise de potência de teste de regressão linear univariado

Este recurso requer o IBM SPSS Estatísticas Base Edition.

A análise de potência desempenha uma função essencial em um plano de estudo, design e condução. O cálculo da potência geralmente é feito antes da coleta de quaisquer dados de amostra, exceto possivelmente um pequeno estudo piloto. A estimação precisa da potência pode informar os investigadores sobre a probabilidade de que uma diferença estatisticamente significativa seja detectada com base em um tamanho da amostra finito em uma hipótese alternativa real. Se a potência for muito baixa, haverá pouca chance de ser detectada uma diferença significativa, e os resultados não significativos são prováveis, mesmo que de fato existam diferenças reais.

A regressão linear univariada é uma abordagem estatística básica e padrão na qual os pesquisadores usam os valores de diversas variáveis para explicar ou prever valores de um resultado de escala.

A Análise de potência de teste de regressão linear univariada estima a potência do teste F de tipo III em vários modelos de regressão linear univariada. Com o tamanho do efeito representado por várias correlações (parciais), são fornecidas abordagens para preditores fixos e aleatórios. Para preditores fixos, a estimação de potência é baseada na distribuição F não central. Para preditores aleatórios, considera-se que a variável de destino e os preditores seguem juntos uma distribuição normal multivariada. Nesse caso, a estimação de potência é baseada na distribuição do coeficiente de correlação múltipla de amostra.

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de potência > Regressão > Linear Univariado

2. Selecione uma configuração de suposição de teste **Estimativa (Tamanho da amostra ou Potência)**.
3. Quando **Tamanho da amostra** é selecionado, insira um **Valor único de potência** para o valor de estimativa de tamanho de amostra (o valor deve ser um valor único entre 0 e 1) ou selecione **Valores de potência da grade** e, em seguida, clique em **Grade** para visualizar tamanhos de amostra projetados para uma gama de valores de potência específicos.

Para obter mais informações, consulte [“Análise de energia: valores de grade”](#) na página 38.

4. Quando **Fazer Estimativa de Potência** for selecionada, insira um **Tamanho de Amostra** apropriado para o valor da estimativa de potência. O valor deve ser um número inteiro único maior ou igual ao número total de preditores de modelo +2 (quando **Incluir o termo de intercepto no modelo** está ativado). Caso contrário, o valor deve ser um número inteiro único maior ou igual ao número total de preditores de modelo +1.
5. Especifique o valor do coeficiente de correlação parcial múltipla no campo **Correlação parcial múltipla de população**. O valor deve ser um valor único entre -1 e 1.

Nota: Quando um valor de **Potência** é especificado, o valor de **Correlação parcial múltipla de população** não pode ser 0.

As seguintes configurações são ativadas quando **Correlação parcial múltipla de população** é selecionado:

Número total de preditores no modelo

Especifique o número do total de preditores ou os preditores no modelo completo (não incluindo o intercepto, se aplicável). O valor deve ser um número inteiro único maior ou igual a 1.

Número de preditores de teste

Especifique o número de preditores de teste ou os preditores no modelo agrupado (não incluindo o intercepto, se aplicável). O valor deve ser maior ou igual a 1, mas não maior que o valor de

Número total de preditores no modelo.

6. Especifique **Valores de R quadrado para** coeficientes de correlação múltipla para **Modelo completo** e **Modelo agrupado**. Os valores devem ser valores únicos entre 0 e 1.

Nota: Quando um valor de **Potência** é especificado, o valor de **Modelo completo** deve ser maior que o valor de **Modelo agrupado**.

As configurações a seguir são ativadas quando **Valores de R quadrado para** é selecionado:

Número total de preditores - Modelo completo

Especifique o número de preditores totais para o modelo completo (não incluindo a interceptação, se aplicável). O valor deve ser um número inteiro único maior ou igual a 1.

Número total de preditores - Modelo aninhado

Especifique o número de preditores totais para o modelo aninhado (sem incluir a interceptação, se aplicável). O valor deve ser maior ou igual a 1, mas menor que o número **Total de preditores - valor do modelo completo**.

7. Opcionalmente, especifique o nível de significância da taxa de erro Tipo I para o teste no campo **Nível de significância**. O valor deve ser um valor duplo único entre 0 e 1. O valor padrão é 0,05.
8. Opcionalmente, é possível selecionar a configuração **Incluir o termo de intercepto no modelo**. A configuração é ativada por padrão. Quando não selecionado, o termo de intercepto é excluído da análise de potência.
9. Opcionalmente, é possível selecionar se os preditores de modelo são **Fixos** ou **Aleatórios**. **Fixo** é a configuração padrão.
10. Opcionalmente, você pode clicar em **Criar gráfico** para especificar as configurações de “Análise de potência de regressão linear univariada: Gráfico” na página 36 (saída do gráfico, configurações de plotagem bidimensional e configurações de plotagem tridimensional).

Nota: O **Criar gráfico** está disponível somente quando **Potência** é selecionada como a suposição de teste.

Análise de potência de regressão linear univariada: Gráfico

É possível controlar os gráficos que são exibidos na saída para ilustrar a potência bidimensional e tridimensional por gráficos. Também é possível controlar a exibição de dicas de ferramentas e os graus de rotação vertical/horizontal para gráficos tridimensionais.

Gráfico bidimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência bidimensional versus gráficos. As configurações são desativadas por padrão.

Estimação de potência versus a correlação parcial múltipla

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de coeficiente de correlação parcial múltipla. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Estimação de potência versus tamanho da amostra

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Intervalo de gráfico de tamanho da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior ou igual a 4 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Gráfico tridimensional

Fornece opções para controlar a estimação de potência tridimensional versus gráficos, as configurações de rotação vertical/horizontal e o intervalo de gráfico de tamanho da amostra especificado pelo usuário. Esta configuração é desativada por padrão.

Estimação de potência versus tamanho da amostra

Quando ativada, esta configuração opcional controla a potência tridimensional por gráficos de tamanho da amostra. A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

no eixo X e a correlação parcial múltipla no eixo Y

Esta configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo X) e de coeficiente de correlação parcial múltipla (eixo Y). A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

no eixo Y e a correlação parcial múltipla no eixo X

Esta configuração opcional controla a potência tridimensional por gráfico de tamanho da amostra (eixo Y) e de coeficiente de correlação parcial múltipla (eixo X). A configuração é desativada por padrão. Quando selecionada, esta configuração exibe o gráfico.

Intervalo de gráfico de tamanho da amostra

Quando selecionada, as opções de limite inferior e superior estão disponíveis. Quando nenhum valor de número inteiro for especificado para os campos **Limite inferior** ou **Limite superior**, o intervalo de gráfico padrão será usado.

Limite inferior

Controla o limite inferior para a estimação de potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior ou igual a 4 e não pode ser maior que o valor de **Limite superior**.

Limite superior

Controla o limite superior para a estimação de potência bidimensional por gráfico de tamanho da amostra. O valor deve ser maior que o valor de **Limite inferior** e não pode ser maior que 5000.

Rotação vertical

A configuração opcional define os graus de rotação vertical (sentido horário da esquerda) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico verticalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 10.

Rotação horizontal

A configuração opcional define os graus de rotação horizontal (sentido horário da parte frontal) para o gráfico tridimensional. É possível usar o mouse para girar o gráfico horizontalmente. A configuração entra em vigor quando o gráfico tridimensional é solicitado. O valor deve ser um valor de número inteiro único menor ou igual a 359. O valor padrão é 325.

Análise de energia: precisão

A caixa de diálogo **Precisão** está disponível para todos os procedimentos de Análise de Energia (exceto para Regressão Linear Univariada) e fornece opções para estimar o tamanho da amostra com base nas meias larguras do intervalo de confiança especificado. A caixa de diálogo está disponível quando **Valor de potência única** ou **Valores de potência de grade** são especificados para a estimativa do **tamanho da amostra** e quando a configuração de **Direção do teste** é configurada como **Não direcional (análise de dois lados)**.

Nota: A configuração de **Direção do teste** não se aplica ao ANOVA de uma via.

quando as opções **Estimar o tamanho da amostra** e **valores de potência da grade** são selecionadas (clique no controle **Grade** para exibir a caixa de diálogo).

Tipo(s) de intervalo(s) de confiança

Selecione os tipos de intervalos de confiança apropriados e se a correção de continuidade é aplicada.

Nota: **Tipo(s) de intervalo de confiança** estão disponíveis apenas para os procedimentos de proporção de Análise de Potência (Proporção de Uma Amostra, Teste Binomial de Amostras Relacionadas e Teste Binomial de Amostras Independentes).

Especificar a metade da largura do intervalo de confiança

Estima o tamanho da amostra com base no valor de meia largura do intervalo de confiança. Insira um valor no intervalo de 0 a 1. Para o teste Binomial de Uma Amostra, o valor deve estar no intervalo de 0 a 0,5.

Nota: Valores duplicados são ignorados.

- Clique em **Incluir** para incluir o valor de meia largura especificado na lista.
- Realce um valor de meia largura existente e clique em **Mudar** para atualizar o valor.
- Destaque um valor de meia largura existente e clique em **Remover** para remover o valor da lista.

Análise de energia: valores de grade

O diálogo **Valores de grade** fornece opções para especificar um intervalo de valores **POWER** com o propósito de visualizar tamanhos da amostra projetados em um formato de grade para cada valor de intervalo **POWER** especificado.

O diálogo **Valores de grade** está disponível para cada procedimento de Análise de energia quando as opções **Estimar tamanho da amostra** e **Valores de grade de energia** são selecionadas (clique no controle **Grade** para exibir o diálogo).

Especificar potência única

Quando selecionada, pelo menos um valor é necessário para executar a análise. São permitidos diversos valores e cada valor deve pertencer a $[0, 1]$. É possível especificar diversos valores com cada valor separado por um espaço em branco (ou espaços em branco). Use os controles **Incluir**, **Mudar** e **Remover** para trabalhar com os valores na lista de valores de energia.

Todos os valores devem ser exclusivos (não são permitidos valores duplicados).

Especificar intervalo de potência

Quando selecionado, um intervalo de valores de potência pode ser especificado de um valor **inicial** (value1) a um valor **final** (value2) com o incremento de **By** (value3). Se especificado, somente um conjunto válido de $[\text{value1 } T0 \text{ value2 } BY \text{ value3}]$ é permitido. Ele deve satisfazer esse $0 \leq \text{value1} \leq \text{value2} \leq 1$. Nos casos em que $\text{value1} = \text{value2}$, é equivalente a especificar um único value1, independentemente de value3.

Nota: As opções **Especificar energia única** e **Especificar intervalo de energia** são independentes; é possível selecionar uma única opção ou ambas as opções.

Metanálise

Metanálise é a análise dos dados obtidos de uma coleção de estudos que respondem perguntas de pesquisa semelhantes. Esses estudos são conhecidos como estudos primários. A metanálise usa métodos estatísticos para produzir uma estimativa geral de um efeito, explorar a heterogeneidade entre estudos e investigar o impacto do viés de publicação ou, de forma mais geral, efeitos de pequenos estudos sobre os resultados finais.

O IBM SPSS Estatísticas suporta tamanhos de efeito padrão e tamanhos de efeito genéricos (pré-calculados) para dados binários (como a razão de chances de log) e para dados contínuos (como g de Hedges). Informações de metanálise (como os tamanhos do efeito específicos do estudo, os seus erros padrão correspondentes, o modelo e o método de metanálise) são especificadas durante a etapa de declaração de metanálise. As informações são automaticamente usadas por todas as metanálises subsequentes.

Efeitos aleatórios, efeito comum e modelos de metanálise de efeitos fixos são suportados. Dependendo do modelo de metanálise escolhido, os vários métodos de estimação (por exemplo, variação inversa e Mantel-Haenszel) estão disponíveis para os modelos de efeito comum e de efeitos fixos. Vários estimadores diferentes também estão disponíveis para o parâmetro de variação entre estudos para o modelo de efeitos aleatórios.

Metanálise Contínua

O procedimento de Metanálise contínua executa a metanálise com resultados contínuos em dados brutos que são fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Exemplo:

Vários estudos de pesquisa foram realizados no passado para investigar um medicamento da moda, porém questionável, para ajudar no tratamento de diabetes tipo II. O medicamento oral foi reconhecido como capaz de reduzir o nível de glicose no sangue após as refeições. Foram coletados dados de diferentes sites de pesquisa de 1979 a 1986.

A investigadora principal gostaria de traçar uma inferência estatística sobre o efeito do medicamento oral. Pelo fato de os dados terem sido produzidos por meio de diferentes estudos, ela propôs a ideia de sintetizar os resultados dos estudos para ter um entendimento geral do efeito e para identificar as fontes de variação subjacentes nos resultados.

Estatísticas

Nível de confiança, método iterativo, redução de etapa pela metade, tolerância de convergência, médias da amostra, variância da amostra, desvio padrão, tamanho do efeito estimado, d do Cohen, g do Hedges, Delta do Glass, diferença média, análise acumulativa, método de estimação, trim-and-fill, teste baseado em regressão, modelo de efeitos aleatórios, modelo de efeitos fixos, estimador de máxima verossimilhança restrita, estimador de Bayes empírico, estimador de Hedges, estimador de Hunter-Schmidt, estimador de DerSimonian-Laird, estimador de Sidik-Jonkman, ajuste de erro padrão de Knapp-Hartung, ajuste de erro padrão de Knapp-Hartung truncado, coeficientes, teste baseado em regressão da EGGER, intercepto, modelo multiplicativo, parâmetro de dispersão multiplicativo, estimador quadrático, teste de homogeneidade, medidas de heterogeneidade, intervalo de predição, erro padrão estimado, valor p estimado, tamanho do efeito geral acumulativo, peso de estudo estimado.

Obtendo uma análise de Metanálise contínua

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Dados Brutos...

2. Sob a seção **Grupo de tratamento**, selecione uma variável de **Tamanho do estudo** para representar o tamanho da amostra para o grupo de tratamento. A variável selecionada deve ser numérica (variáveis de sequência de caracteres não são suportadas).
3. Selecione uma variável de **Média** para representar as médias da amostra para o grupo de tratamento. A variável selecionada deve ser numérica (variáveis de sequência de caracteres não são suportadas).
4. Selecione **Desvio padrão** para especificar o desvio padrão de amostra ou **Variação** para especificar a variância da amostra e, em seguida, selecione uma variável para representar o desvio/a variação padrão para o grupo de tratamento.
5. Sob a seção **Grupo de controle**, selecione uma variável de **Tamanho do estudo** para representar o tamanho da amostra para o grupo de controle. A variável selecionada deve ser numérica (variáveis de sequência de caracteres não são suportadas).
6. Selecione uma variável de **Média** para representar as médias da amostra para o grupo de controle. A variável selecionada deve ser numérica (variáveis de sequência de caracteres não são suportadas).
7. Selecione **Desvio padrão** para especificar o desvio padrão de amostra ou **Variação** para especificar a variância da amostra e, em seguida, selecione uma variável para representar o desvio/a variação padrão para o grupo de controle.
8. Opcionalmente, selecione as variáveis **ID do Estudo** e/ou **Rótulo do Estudo**. A variável **ID do Estudo** selecionada não pode ser igual à variável **Rótulo do Estudo** selecionada.
9. Opcionalmente, selecione a configuração **Tamanho do Efeito**.

d de Cohen

A configuração padrão estima o d de Cohen. Quando o **erro padrão ajustado** é selecionado, a configuração estima o d de Cohen e sua variância usando uma fórmula alternativa dividida por $2(N_{\text{treatment}} + N_{\text{control}} - 2)$.

G do Hedges

Estima o g do Hedges. Quando **o erro padrão ajustado** é selecionado, a configuração estima o g de Hedges e sua variância usando uma fórmula alternativa dividida por $2(N_{\text{treatment}} + N_{\text{control}} - 3.94)$.

Delta de Glass

Estima o Delta do Glass com base no grupo de controle. Quando **Padronizado baseado em grupo de tratamento** é selecionado, o Delta do Glass é padronizado com base no desvio padrão do grupo de tratamento.

Diferença média não padronizada

Estima a diferença média assumindo que os dois desvios padrão de preenchimento são iguais. Quando **Variâncias de grupos desiguais** são selecionadas, a diferença média é estimada assumindo que os dois desvios padrão de preenchimento não são iguais.

10. Opcionalmente, selecione uma configuração **Modelo**. Quando as configurações **Aparar e Preencher** são ativadas, elas também controlam o modelo usado, agrupando a análise aparar e preencher. Quando as configurações **Viés** são ativadas, elas também controlam o modelo usado pelo teste baseado em regressão.

Efeitos aleatórios

A configuração padrão desenvolve o modelo de efeitos aleatórios.

Efeitos fixos

Desenvolve o modelo de efeitos fixos.

11. Como opção, você pode:

- Clique em **Critérios...** para especificar os critérios gerais.
- Clique em **Análise** para especificar o subgrupo e a análise acumulativa.
- Clique em **Inferência** para especificar os métodos de estimação.
- Clique em **Contraste** para controlar o teste de contraste.
- Clique em **Viés** para acessar o viés de publicação, realizando o teste baseado em regressão da EGGER.
- Clique em **Aparar e Preencher** para implementar a análise aparar e preencher do viés da publicação.
- Clique em **Imprimir** para controlar as saídas de tabela.
- Clique em **Salvar** para salvar as estatísticas estimadas para o conjunto de dados ativo.
- Clique em **Gráfico** para especificar quais gráficos incluir na saída.

12. Clique em **OK**.

Metanálise contínua: critérios

O diálogo **Critérios** fornece configurações para especificar critérios para metanálise com resultados contínuos em dados brutos que são fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Intervalo de confiança

A configuração opcional especifica o nível de confiança. O valor deve ser um valor numérico entre 0 e 100. A configuração padrão é 95.

Escopo de dados ausentes

As configurações opcionais controlam como o procedimento manipula dados ausentes.

Excluir casos análise por análise

A configuração padrão inclui todos os casos com dados suficientes sobre as variáveis utilizadas em cada análise específica.

Excluir casos pelo método listwise

Inclui todos os casos com dados suficientes sobre todas as variáveis utilizadas em todas as análises especificadas pelo procedimento.

Valores Omissos de Usuário

As configurações opcionais controlam como os valores ausentes do usuário são tratados.

Excluir

A configuração padrão trata os valores ausentes do usuário como válidos.

Incluir

Ignora as designações de valor ausente do usuário e trata os valores ausentes do usuário como válidos.

Iterações

Máximo de iterações

A configuração opcional especifica o número máximo de iterações nos métodos iterativos. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor deve ser um único número inteiro positivo. O valor padrão é 100. Um valor 0 significa que não são realizadas iterações.

Divisão máxima da etapa pela metade

A configuração opcional especifica a redução máxima pela metade da etapa nos métodos iterativos. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor deve ser um único número inteiro positivo. O valor padrão é 5 segundos. Um valor de 0 significa que a redução da etapa pela metade não é aplicada.

Convergência

A configuração opcional especifica a tolerância de convergência. O valor deve ser um valor positivo único. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor padrão é 1E-6.

Definindo critérios de Metanálise contínua

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Dados Brutos...

2. No diálogo **Metanálise contínua**, clique em **Critérios**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de critérios.

4. Clique em **Continuar**.

Metanálise contínua: análise

O diálogo **Análise** fornece configurações para especificar análise de subgrupo e acumulativa para metanálise com resultados contínuos em dados brutos que são fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Análise de subgrupo

Selecione uma variável que evoque a análise de subgrupo. A variável não pode ser a mesma que a variável definida para **Análise acumulativa**.

Análise cumulativa

Selecione uma variável que evoque a análise acumulativa e sobre a qual a metanálise acumulativa é conduzida. A variável não pode ser a mesma que a variável definida para **Análise de subgrupo**. Quando **Crescente** é selecionado, a análise acumulativa é baseada na variável especificada em ordem crescente. Quando **Decrescente** é selecionado, a análise acumulativa é baseada na variável especificada em ordem decrescente.

Estatísticas acumulativas

Fornece opções para salvar o tamanho do efeito geral acumulativo estimado. As configurações estão disponíveis apenas quando uma variável de **Análise acumulativa** é selecionada.

Tamanho do efeito acumulativo

Salva o tamanho do efeito geral acumulativo estimado.

Erro padrão

Salva o erro padrão estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Limite inferior de intervalo de confiança

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Limite superior de intervalo de confiança

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

P-valor

Salva o valor p estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Destino

Fornece opções para especificar um conjunto de dados ou arquivo de dados salvo. Ao selecionar **Conjunto de dados**, é possível especificar um novo nome de conjunto de dados ou manter o nome padrão. Quando **o arquivo de dados** for selecionado, clique em **Procurar...** para selecionar um nome e um local para salvar o arquivo.

Definindo configurações de análise de Metanálise contínua

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Dados Brutos...

2. No diálogo **Metanálise contínua**, clique em **Análise**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de análise.

4. Clique em **Continuar**.

Metanálise contínua: inferência

O diálogo **Inferência** fornece configurações para especificar os métodos de estimação para a metanálise com resultados contínuos em dados brutos fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Nota: O diálogo **Inferência** está disponível somente quando um modelo **Efeitos Aleatórios** é selecionado.

Estimador

Fornece configurações para especificar o estimador.

Notas:

- Quando as configurações de Trim e Fill são especificadas, também controla o estimador que é usado por agrupamento na análise de trim-and-fill.
- Quando configurações de Viés são especificadas, também controla o estimador que é usado pelo teste baseado em regressão.

Máxima verossimilhança restrita (REML)

A configuração padrão aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança restrita.

Máxima verossimilhança (ML)

Aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança.

Bayes empírico

Aplica o método iterativo e calcula o estimador bayesiano empírico.

Hedges

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador de Hedges.

Hunter-Schmidt

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Hunter-Schmidt.

DerSimonian-Laird

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador DerSimonian-Laird.

Sidik-Jonkman

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Sidik-Jonkman.

Ajuste de erro padrão

Fornece configurações que controlam a aplicação de ajustamento de erro padrão Knapp-Hartung.

Notas:

- Quando as configurações de Trim e Fill são especificadas, também controla o ajuste de erro padrão que é usado por agrupamento na análise de trim-and-fill.
- Quando configurações de Viés são especificadas, também controla o ajuste de erro padrão que é usado pelo teste baseado em regressão.

Nenhum ajuste

A configuração padrão não aplica o ajustamento.

Aplicar o ajuste de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung.

Aplicar o ajuste truncado de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung e trunca o valor se ele for menor que 1 ao fazer a estimativa da matriz de variância-covariância.

Definindo configurações de Inferência contínua de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Dados Brutos...

2. No diálogo **Metanálise contínua**, clique em **Inferência**.
3. Selecione e defina as configurações apropriadas de inferência.
4. Clique em **Continuar**.

Metanálise contínua: contraste

O diálogo **Contraste** fornece configurações para controlar o teste de contraste para metanálise, com resultados contínuos em dados brutos que são fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Variáveis

A lista exibe todas as variáveis de conjunto de dados disponíveis. Selecione variáveis na lista e mova-as para a lista de **Contrastes**.

Contrastes

A lista identifica coeficientes que são armazenados como variáveis no conjunto de dados ativo. Várias variáveis são permitidas. Variáveis de sequência de caracteres não são suportadas.

Valores de coeficientes de entrada do usuário

Fornece configurações para especificar coeficientes de um contraste fornecido pelo usuário. Apenas valores numéricos são permitidos. Para formular um teste de contraste válido, o número de valores especificados deve corresponder ao de estudos válidos.

Definindo configurações de contraste de Metanálise contínua

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Dados Brutos...

2. No diálogo **Metanálise contínua**, clique em **Contraste**.
3. Selecione e defina as configurações apropriadas de contraste.
4. Clique em **Continuar**.

Metanálise contínua: viés

A caixa de diálogo **Propensão** fornece configurações para ativar a propensão de publicação realizando o teste baseado em regressão de Eggers para metanálise, com resultados contínuos de dados brutos fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Teste baseado em regressão de Egger

A seleção dessa configuração ativa a propensão de publicação realizando o teste baseado em regressão de Eggers.

Variáveis

A lista fornece todas as variáveis de conjunto de dados disponíveis.

Covariável(is)

Variáveis selecionadas na lista de **Variáveis** são tratadas como covariáveis. Várias covariáveis são permitidas.

Fatores

Variáveis selecionadas na lista de **Variáveis** são tratadas como fatores. Vários fatores são permitidos.

Incluir interceptação na regressão

Controla o termo de intercepto no teste baseado em regressão.

Incluir parâmetro de dispersão em modelo de efeitos fixos

Controla a configuração de modelo multiplicativo e apresenta o parâmetro de dispersão multiplicativa para a análise. A configuração está disponível apenas quando um modelo de efeitos fixos é selecionado.

Estimar estatísticas com base em t-distribution

Controla a distribuição usada nos testes baseados em regressão. A configuração é ativada por padrão e estima as estatísticas com base em *t*-distribution. Se a configuração não for selecionada, as estatísticas serão estimadas com base na distribuição normal.

Definindo configurações de viés de Metanálise contínua

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Dados Brutos...

2. No diálogo **Metanálise contínua**, clique em **Viés**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de viés.

4. Clique em **Continuar**.

Metanálise contínua: trim-and-fill

O diálogo **Trim-and-Fill** fornece configurações para implementar a análise de trim-and-fill de viés de publicação para metanálise com resultados contínuos em dados brutos que são fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Estimar número de estudos ausentes

Controla a análise de trim-and-fill de viés de publicação. A seleção desta configuração ativa as outras configurações de diálogo.

Estudos colaterais para imputação

Fornece opções para especificar o lado do gráfico de funil no qual os estudos ausentes são imputados.

Determinado pelas inclinações do teste de Egger

A configuração padrão determina o lado com base na inclinação estimada do teste da Egger.

Esquerda

Imputa o lado esquerdo do gráfico de funil.

Direita

Imputa o lado direito do gráfico de funil.

Método

Especifica o método para estimar o número de estudos ausentes.

Linear

A configuração padrão calcula o estimador linear.

Executar o

Calcula o estimador de execução.

Quadrático

Calcula o estimador quadrático.

Processo de iteração

Fornece configurações para especificar o estimador de iteração e o ajuste de erro padrão.

Modelo de efeitos fixos

Quando selecionado, um modelo de efeitos fixos é empregado e a estimação de iteração e as opções de ajuste de erro padrão não estão disponíveis.

Modelo de efeitos aleatórios

Quando selecionado, um modelo de efeitos aleatórios é empregado e as configurações a seguir estão disponíveis.

Estimador

Fornece configurações para especificar o estimador de iteração

Máxima verossimilhança restrita (REML)

A configuração padrão aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança restrita.

Máxima verossimilhança (ML)

Aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança.

Bayes empírico

Aplica o método iterativo e calcula o estimador bayesiano empírico.

Hedges

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador de Hedges

Hunter-Schmidt

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Hunter-Schmidt.

DerSimonian-Laird

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador DerSimonian-Laird.

Sidik-Jonkman

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Sidik-Jonkman.

Ajuste de erro padrão

Fornece configurações para controlar se deve-se aplicar o ajuste de erro padrão de Knapp-Hartung nas iterações do algoritmo de trim-and-fill.

Nenhum ajuste

A configuração padrão não aplica o ajustamento.

Aplicar o ajuste de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung.

Aplicar o ajuste truncado de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung e trunca o valor se ele for menor que 1 ao fazer a estimativa da matriz de variância-covariância.

Definindo configurações de trim-and-fill de Metanálise contínua

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Dados Brutos...

2. No diálogo **Metanálise contínua**, clique em **Trim-and-Fill**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de aparar e preencher.

4. Clique em **Continuar**.

Metanálise contínua: imprimir

O diálogo **Imprimir** fornece configurações para controlar saídas de tabela para metanálise com resultados contínuos em dados brutos que são fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Homogeneidade/Heterogeneidade

Fornece configurações para controlar os testes de homogeneidade e heterogeneidade.

Teste de homogeneidade

Quando selecionado, o teste correspondente de homogeneidade é fornecido na saída.

Medidas de heterogeneidade

Quando selecionadas, as medidas de heterogeneidade são fornecidas na saída.

Tamanhos do efeito

Fornece as configurações de tamanho do efeito a seguir.

Estudos individuais

Controla a exibição de estudos individuais. Quando selecionada, a saída correspondente é fornecida.

Tamanhos de efeito acumulativo

Controla a exibição de análise acumulativa. Quando selecionada, a saída correspondente é fornecida. A configuração está disponível apenas quando uma variável de **Análise acumulativa** é selecionada no diálogo **Análise**.

Intervalo de predição sob o modelo de efeitos aleatórios

Controla a exibição do intervalo de predição. Quando selecionada, a saída correspondente é fornecida. A configuração está disponível apenas quando um modelo de efeitos aleatórios é especificado.

Definindo configurações de impressão de Metanálise contínua

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Dados Brutos...

2. No diálogo **Metanálise contínua**, clique em **Imprimir**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de impressão.

4. Clique em **Continuar**.

Metanálise contínua: salvar

O diálogo **Salvar** fornece configurações para salvar as estatísticas estimadas no conjunto de dados ativo para metanálise, com resultados contínuos em dados brutos fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Estudos individuais

Fornece opções para salvar o tamanho do efeito estimado.

Tamanho do efeito individual

Salva o tamanho do efeito estimado.

Erro padrão

Salva o erro padrão estimado do tamanho do efeito.

Limite inferior de intervalo de confiança

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito.

Limite superior de intervalo de confiança

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito.

P-valor

Salva o valor p estimado do tamanho do efeito.

Ponderação de estudo

Salva o peso do estudo estimado.

Porcentagem de peso do estudo

Salva o peso do estudo normalizado como uma porcentagem.

Definindo configurações de salvamento de Metanálise contínua

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Dados Brutos...

2. No diálogo **Metanálise contínua**, clique em **Salvar**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de salvamento das estatísticas estimadas.

4. Clique em **Continuar**.

Metanálise Contínua: Gráfico

O diálogo **Gráfico** fornece configurações para os tipos de gráfico a seguir:

- “Gráfico de floresta” na página 77
- “Gráfico de floresta acumulativo” na página 78
- “Diagrama em bolha” na página 79
- “Gráfico de funil” na página 80
- “Gráfico de Galbraith” na página 81

Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise

O procedimento de Tamanho do efeito contínuo de metanálise executa a metanálise com resultados contínuos quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Exemplo:

Vários estudos de pesquisa foram realizados no passado para investigar um medicamento da moda, porém questionável, para ajudar no tratamento de diabetes tipo II. O medicamento oral foi reconhecido como capaz de reduzir o nível de glicose no sangue após as refeições. Foram coletados dados de diferentes sites de pesquisa de 1979 a 1986.

A investigadora principal gostaria de traçar uma inferência estatística sobre o efeito do medicamento oral. Pelo fato de os dados terem sido produzidos por meio de diferentes estudos, ela propôs a ideia de sintetizar os resultados dos estudos para ter um entendimento geral do efeito e para identificar as fontes de variação subjacentes nos resultados.

Estatísticas

Nível de confiança, método iterativo, redução de etapa pela metade, tolerância de convergência, médias da amostra, variância da amostra, desvio padrão, tamanho do efeito estimado, d do Cohen, g do Hedges, Delta do Glass, diferença média, análise acumulativa, método de estimação, trim-and-fill, teste baseado em regressão, modelo de efeitos aleatórios, modelo de efeitos fixos, estimador de máxima verossimilhança restrita, estimador de Bayes empírico, estimador de Hedges, estimador de Hunter-Schmidt, estimador de DerSimonian-Laird, estimador de Sidik-Jonkman, ajuste de erro padrão de Knapp-Hartung, ajuste de erro padrão de Knapp-Hartung truncado, coeficientes, teste baseado em regressão da EGGER, intercepto, modelo multiplicativo, parâmetro de dispersão multiplicativo, estimador quadrático, teste de homogeneidade, medidas de heterogeneidade, intervalo de predição, erro padrão estimado, valor p estimado, tamanho do efeito geral acumulativo, peso de estudo estimado,

Obtendo uma análise de Tamanho do efeito contínuo de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Tamanho do Efeito Pré-calculado

2. Selecione uma variável de **Tamanho do efeito** que denote o tamanho do efeito. A variável selecionada deve ser numérica (variáveis de sequência de caracteres não são suportadas).
3. Selecione **Desvio padrão** para especificar o desvio padrão de tamanho do efeito ou **Variação** para especificar a variação de tamanho do efeito e, em seguida, selecione uma variável para representar o desvio/a variação padrão para o tamanho do efeito.
4. Opcionalmente, selecione as variáveis **ID do Estudo** e/ou **Rótulo do Estudo**. A variável **ID do Estudo** selecionada não pode ser igual à variável **Rótulo do Estudo** selecionada.
5. Opcionalmente, selecione uma configuração **Modelo**. Quando as configurações **Aparar e Preencher** são ativadas, elas também controlam o modelo usado, agrupando a análise aparar e preencher. Quando as configurações **Viés** são ativadas, elas também controlam o modelo usado pelo teste baseado em regressão.

Efeitos aleatórios

A configuração padrão desenvolve o modelo de efeitos aleatórios.

Efeitos fixos

Desenvolve o modelo de efeitos fixos.

6. Como opção, você pode:

- Clique em **Critérios...** para especificar os critérios gerais.
- Clique em **Análise** para especificar o subgrupo e a análise acumulativa.
- Clique em **Inferência** para especificar os métodos de estimação.
- Clique em **Contraste** para controlar o teste de contraste.
- Clique em **Viés** para acessar o viés de publicação, realizando o teste baseado em regressão da EGGER.
- Clique em **Aparar e Preencher** para implementar a análise aparar e preencher do viés da publicação.
- Clique em **Imprimir** para controlar as saídas de tabela.
- Clique em **Salvar** para salvar as estatísticas estimadas para o conjunto de dados ativo.
- Clique em **Gráfico** para especificar quais gráficos incluir na saída.

7. Clique em **OK**.

Tamanho do efeito contínuo de metanálise: critérios

O diálogo **Critérios** fornece configurações para especificar critérios para metanálise com resultados contínuos quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Intervalo de confiança

A configuração opcional especifica o nível de confiança. O valor deve ser um valor numérico entre 0 e 100. A configuração padrão é 95.

Escopo de dados ausentes

As configurações opcionais controlam como o procedimento manipula dados ausentes.

Excluir casos análise por análise

A configuração padrão inclui todos os casos com dados suficientes sobre as variáveis utilizadas em cada análise específica.

Excluir casos pelo método listwise

Inclui todos os casos com dados suficientes sobre todas as variáveis utilizadas em todas as análises especificadas pelo procedimento.

Valores Omissos de Usuário

As configurações opcionais controlam como os valores ausentes do usuário são tratados.

Excluir

A configuração padrão trata os valores ausentes do usuário como válidos.

Incluir

Ignora as designações de valor ausente do usuário e trata os valores ausentes do usuário como válidos.

Iterações

Máximo de iterações

A configuração opcional especifica o número máximo de iterações nos métodos iterativos. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor deve ser um único número inteiro positivo. O valor padrão é 100. Um valor 0 significa que não são realizadas iterações.

Divisão máxima da etapa pela metade

A configuração opcional especifica a redução máxima pela metade da etapa nos métodos iterativos. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor deve ser um único número inteiro positivo. O valor padrão é 5 segundos. Um valor de 0 significa que a redução da etapa pela metade não é aplicada.

Convergência

A configuração opcional especifica a tolerância de convergência. O valor deve ser um valor positivo único. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor padrão é 1E-6.

Definindo critérios de Tamanho do efeito contínuo de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Tamanho do Efeito Pré-calculado

2. No diálogo **Tamanho do efeito contínuo de metanálise**, clique em **Critérios**.
3. Selecione e defina as configurações apropriadas de critérios.
4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito contínuo de metanálise: análise

O diálogo **Análise** fornece configurações para especificar análise de subgrupo e acumulativa para metanálise com resultados contínuos quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Análise de subgrupo

Selecione uma variável que evoque a análise de subgrupo. A variável não pode ser a mesma que a variável definida para **Análise acumulativa**.

Análise cumulativa

Selecione uma variável que evoque a análise acumulativa e sobre a qual a metanálise acumulativa é conduzida. A variável não pode ser a mesma que a variável definida para **Análise de subgrupo**. Quando **Crescente** é selecionado, a análise acumulativa é baseada na variável especificada em ordem crescente. Quando **Decrescente** é selecionado, a análise acumulativa é baseada na variável especificada em ordem decrescente.

Estatísticas acumulativas

Fornece opções para salvar o tamanho do efeito geral acumulativo estimado. As configurações estão disponíveis apenas quando uma variável de **Análise acumulativa** é selecionada.

Tamanho do efeito acumulativo

Salva o tamanho do efeito geral acumulativo estimado.

Erro padrão

Salva o erro padrão estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Limite inferior de intervalo de confiança

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Limite superior de intervalo de confiança

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

P-valor

Salva o valor p estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Destino

Fornece opções para especificar um conjunto de dados ou arquivo de dados salvo. Ao selecionar **Conjunto de dados**, é possível especificar um novo nome de conjunto de dados ou manter o nome padrão. Quando **o arquivo de dados** for selecionado, clique em **Procurar...** para selecionar um nome e um local para salvar o arquivo.

Definindo configurações de análise de Tamanho do efeito contínuo de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Tamanho do Efeito Pré-calculado

2. No diálogo **Tamanho do efeito contínuo de metanálise**, clique em **Análise**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de análise.

4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito contínuo de metanálise: inferência

O diálogo **Inferência** fornece configurações para especificar os métodos de estimação para metanálise com resultados contínuos quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Nota: O diálogo **Inferência** está disponível somente quando um modelo **Efeitos Aleatórios** é selecionado.

Estimador

Fornece configurações para especificar o estimador.

Notas:

- Quando as configurações de Trim e Fill são especificadas, também controla o estimador que é usado por agrupamento na análise de trim-and-fill.
- Quando configurações de Viés são especificadas, também controla o estimador que é usado pelo teste baseado em regressão.

Máxima verossimilhança restrita (REML)

A configuração padrão aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança restrita.

Máxima verossimilhança (ML)

Aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança.

Bayes empírico

Aplica o método iterativo e calcula o estimador bayesiano empírico.

Hedges

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador de Hedges.

Hunter-Schmidt

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Hunter-Schmidt.

DerSimonian-Laird

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador DerSimonian-Laird.

Sidik-Jonkman

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Sidik-Jonkman.

Ajuste de erro padrão

Fornece configurações que controlam a aplicação de ajustamento de erro padrão Knapp-Hartung.

Notas:

- Quando as configurações de Trim e Fill são especificadas, também controla o ajuste de erro padrão que é usado por agrupamento na análise de trim-and-fill.
- Quando configurações de Viés são especificadas, também controla o ajuste de erro padrão que é usado pelo teste baseado em regressão.

Nenhum ajuste

A configuração padrão não aplica o ajustamento.

Aplicar o ajuste de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung.

Aplicar o ajuste truncado de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung e trunca o valor se ele for menor que 1 ao fazer a estimativa da matriz de variância-covariância.

Definindo configurações de inferência do Tamanho do efeito contínuo de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Tamanho do Efeito Pré-calculado

2. No diálogo **Tamanho do efeito contínuo de metanálise**, clique em **Inferência**.
3. Selecione e defina as configurações apropriadas de inferência.
4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito contínuo de metanálise: contraste

O diálogo **Contraste** fornece configurações para controlar o teste de contraste para metanálise com resultados contínuos quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Variáveis

A lista exibe todas as variáveis de conjunto de dados disponíveis. Selecione variáveis na lista e mova-as para a lista de **Contrastes**.

Contrastes

A lista identifica coeficientes que são armazenados como variáveis no conjunto de dados ativo. Várias variáveis são permitidas. Variáveis de sequência de caracteres não são suportadas.

Valores de coeficientes de entrada do usuário

Fornece configurações para especificar coeficientes de um contraste fornecido pelo usuário. Apenas valores numéricos são permitidos. Para formular um teste de contraste válido, o número de valores especificados deve corresponder ao de estudos válidos.

Definindo configurações de contraste de Tamanho do efeito contínuo de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Tamanho do Efeito Pré-calculado

2. No diálogo **Tamanho do efeito contínuo de metanálise**, clique em **Contraste**.
3. Selecione e defina as configurações apropriadas de contraste.
4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito contínuo de metanálise: viés

A caixa de diálogo **Propensão** fornece configurações para ativar a propensão de publicação realizando o teste baseado em regressão de Eggers para metanálise, com resultados contínuos quando os dados pré-calculados de tamanho do efeito são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Teste baseado em regressão de Egger

A seleção dessa configuração ativa a propensão de publicação realizando o teste baseado em regressão de Eggers.

Variáveis

A lista fornece todas as variáveis de conjunto de dados disponíveis.

Covariável(is)

Variáveis selecionadas na lista de **Variáveis** são tratadas como covariáveis. Várias covariáveis são permitidas.

Fatores

Variáveis selecionadas na lista de **Variáveis** são tratadas como fatores. Vários fatores são permitidos.

Incluir interceptação na regressão

Controla o termo de intercepto no teste baseado em regressão.

Incluir parâmetro de dispersão em modelo de efeitos fixos

Controla a configuração de modelo multiplicativo e apresenta o parâmetro de dispersão multiplicativa para a análise. A configuração está disponível apenas quando um modelo de efeitos fixos é selecionado.

Estimar estatísticas com base em t-distribution

Controla a distribuição usada nos testes baseados em regressão. A configuração é ativada por padrão e estima as estatísticas com base em *t*-distribution. Se a configuração não for selecionada, as estatísticas serão estimadas com base na distribuição normal.

Definindo configurações de viés de Tamanho do efeito contínuo de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Tamanho do Efeito Pré-calculado

2. No diálogo **Tamanho do efeito contínuo de metanálise**, clique em **Viés**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de viés.

4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito contínuo de metanálise: Trim-and-Fill

O diálogo **Trim-and-Fill** fornece configurações para implementar a análise de trim-and-fill de viés de publicação para metanálise com resultados contínuos quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Estimar número de estudos ausentes

Controla a análise de trim-and-fill de viés de publicação. A seleção desta configuração ativa as outras configurações de diálogo.

Estudos colaterais para imputação

Fornece opções para especificar o lado do gráfico de funil no qual os estudos ausentes são imputados.

Determinado pelas inclinações do teste de Egger

A configuração padrão determina o lado com base na inclinação estimada do teste da Egger.

Esquerda

Imputa o lado esquerdo do gráfico de funil.

Direita

Imputa o lado direito do gráfico de funil.

Método

Especifica o método para estimar o número de estudos ausentes.

Linear

A configuração padrão calcula o estimador linear.

Executar o

Calcula o estimador de execução.

Quadrático

Calcula o estimador quadrático.

Processo de iteração

Fornece configurações para especificar o estimador de iteração e o ajuste de erro padrão.

Modelo de efeitos fixos

Quando selecionado, um modelo de efeitos fixos é empregado e a estimação de iteração e as opções de ajuste de erro padrão não estão disponíveis.

Modelo de efeitos aleatórios

Quando selecionado, um modelo de efeitos aleatórios é empregado e as configurações a seguir estão disponíveis.

Estimador

Fornece configurações para especificar o estimador de iteração

Máxima verossimilhança restrita (REML)

A configuração padrão aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança restrita.

Máxima verossimilhança (ML)

Aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança.

Bayes empírico

Aplica o método iterativo e calcula o estimador bayesiano empírico.

Hedges

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador de Hedges

Hunter-Schmidt

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Hunter-Schmidt.

DerSimonian-Laird

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador DerSimonian-Laird.

Sidik-Jonkman

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Sidik-Jonkman.

Ajuste de erro padrão

Fornece configurações para controlar se deve-se aplicar o ajuste de erro padrão de Knapp-Hartung nas iterações do algoritmo de trim-and-fill.

Nenhum ajuste

A configuração padrão não aplica o ajustamento.

Aplicar o ajuste de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung.

Aplicar o ajuste truncado de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung e trunca o valor se ele for menor que 1 ao fazer a estimativa da matriz de variância-covariância.

Definindo configurações de trim-and-fill de Tamanho do efeito contínuo de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Tamanho do Efeito Pré-calculado

2. No diálogo **Tamanho do efeito contínuo de metanálise**, clique em **Trim-and-Fill**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de aparar e preencher.
4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito contínuo de metanálise: imprimir

O diálogo **Imprimir** fornece configurações para controlar saídas de tabela para metanálise com resultados contínuos quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Homogeneidade/Heterogeneidade

Fornece configurações para controlar os testes de homogeneidade e heterogeneidade.

Teste de homogeneidade

Quando selecionado, o teste correspondente de homogeneidade é fornecido na saída.

Medidas de heterogeneidade

Quando selecionadas, as medidas de heterogeneidade são fornecidas na saída.

Tamanhos do efeito

Fornece as configurações de tamanho do efeito a seguir.

Estudos individuais

Controla a exibição de estudos individuais. Quando selecionada, a saída correspondente é fornecida.

Tamanhos de efeito acumulativo

Controla a exibição de análise acumulativa. Quando selecionada, a saída correspondente é fornecida. A configuração está disponível apenas quando uma variável de **Análise acumulativa** é selecionada no diálogo **Análise**.

Intervalo de predição sob o modelo de efeitos aleatórios

Controla a exibição do intervalo de predição. Quando selecionada, a saída correspondente é fornecida. A configuração está disponível apenas quando um modelo de efeitos aleatórios é especificado.

Definindo configurações de impressão de Tamanho do efeito contínuo de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Tamanho do Efeito Pré-calculado

2. No diálogo **Tamanho do efeito contínuo de metanálise**, clique em **Imprimir**.
3. Selecione e defina as configurações apropriadas de impressão.
4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito contínuo de metanálise: salvar

O diálogo **Salvar** fornece configurações para salvar as estatísticas estimadas para o conjunto de dados ativo para a metanálise, com resultados contínuos quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Estudos individuais

Fornece opções para salvar o tamanho do efeito estimado.

Erro padrão

Salva o erro padrão estimado do tamanho do efeito. A configuração está disponível apenas quando uma variável de **Tamanho do efeito** não é especificada.

Limite inferior de intervalo de confiança

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito.

Limite superior de intervalo de confiança

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito.

P-valor

Salva o valor p estimado do tamanho do efeito.

Ponderação de estudo

Salva o peso do estudo estimado.

Porcentagem de peso do estudo

Salva o peso do estudo normalizado como uma porcentagem.

Definindo configurações de salvamento do Tamanho do efeito contínuo de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Contínuos > Tamanho do Efeito Pré-calculado

2. No diálogo **Tamanho do efeito contínuo de metanálise**, clique em **Salvar**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de salvamento das estatísticas estimadas.

4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito contínuo de metanálise: criar gráfico

O diálogo **Gráfico** fornece configurações para os tipos de gráfico a seguir:

- “Gráfico de floresta” na página 77
- “Gráfico de floresta acumulativo” na página 78
- “Diagrama em bolha” na página 79
- “Gráfico de funil” na página 80
- “Gráfico de Galbraith” na página 81

Binário de Metanálise

O procedimento de Binário de metanálise executa a metanálise com resultados binários em dados brutos que são fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Exemplo:

Vários estudos de pesquisa foram realizados no passado para investigar um medicamento da moda, porém questionável, para ajudar no tratamento de diabetes tipo II. O medicamento oral foi reconhecido como capaz de reduzir o nível de glicose no sangue após as refeições. Foram coletados dados de diferentes sites de pesquisa de 1979 a 1986.

A investigadora principal gostaria de traçar uma inferência estatística sobre o efeito do medicamento oral. Pelo fato de os dados terem sido produzidos por meio de diferentes estudos, ela propôs a ideia de sintetizar os resultados dos estudos para ter um entendimento geral do efeito e para identificar as fontes de variação subjacentes nos resultados.

Estatísticas

Intervalo de confiança, Razão de Chances de Log, Razão de Chances de Log de Peto, Razão de Risco de Log, diferença de risco, efeitos aleatórios, efeitos fixos, variância inversa, Mantel-Haenszel, iterações, fracionamento de passos, convergência, estatísticas acumulativas, tamanho do efeito acumulativo, máxima verossimilhança restrita, REML, máxima verossimilhança, ML, Bayes Empírico, Hedges, Hunter-Schmidt, DerSimonian-Laird, Sidik-Jonkman, Knapp-Hartung, Teste de Egger, Teste de Harbord, Teste de Peters, interceptação na regressão, parâmetro de dispersão, homogeneidade, heterogeneidade, estatística exponencial, erro padrão, valor p , ponderação de estudo.

Obtendo uma análise de Binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Dados Brutos...

2. Sob a seção **Grupo de tratamento**, selecione uma variável de **Sucesso** para representar as contagens de “sucesso” para o grupo de tratamento. A variável selecionada deve ser numérica (variáveis de sequência de caracteres não são suportadas).
3. Selecione uma variável de **Falha** para representar as contagens de “falha” para o grupo de tratamento. A variável selecionada deve ser numérica (variáveis de sequência de caracteres não são suportadas).
4. Sob a seção **Grupo de controle**, selecione uma variável de **Sucesso** para representar as contagens de “sucesso” para o grupo de controle. A variável selecionada deve ser numérica (variáveis de sequência de caracteres não são suportadas).
5. Selecione uma variável de **Falha** para representar as contagens de “falha” para o grupo de controle. A variável selecionada deve ser numérica (variáveis de sequência de caracteres não são suportadas).
6. Opcionalmente, selecione as variáveis **ID do Estudo** e/ou **Rótulo do Estudo**. A variável **ID do Estudo** selecionada não pode ser igual à variável **Rótulo do Estudo** selecionada.
7. Opcionalmente, selecione a configuração **Tamanho do Efeito**. As opções disponíveis são **Razão de chances de log**, **Razão de chances de log de Peto**, **Razão de risco de log** e **Diferença de risco**.
8. Opcionalmente, selecione uma configuração **Modelo**. Quando as configurações **Aparar e Preencher** são ativadas, elas também controlam o modelo usado, agrupando a análise aparar e preencher. Quando as configurações **Viés** são ativadas, elas também controlam o modelo usado pelo teste baseado em regressão.

Efeitos aleatórios

A configuração padrão desenvolve o modelo de efeitos aleatórios.

Efeitos fixos

Desenvolve o modelo de efeitos fixos. **Variância inversa** estima o peso da variância inversa.

Mantel-Haenszel estima o peso de Mantel-Haenszel.

9. Como opção, você pode:
 - Clique em **Critérios...** para especificar os critérios gerais.
 - Clique em **Análise** para especificar o subgrupo e a análise acumulativa.
 - Clique em **Inferência** para especificar os métodos de estimação.
 - Clique em **Contraste** para controlar o teste de contraste.
 - Clique em **Viés** para acessar o viés de publicação, realizando o teste baseado em regressão da EGGER.
 - Clique em **Aparar e Preencher** para implementar a análise aparar e preencher do viés da publicação.
 - Clique em **Imprimir** para controlar as saídas de tabela.
 - Clique em **Salvar** para salvar as estatísticas estimadas para o conjunto de dados ativo.
 - Clique em **Gráfico** para especificar quais gráficos incluir na saída.
10. Clique em **OK**.

Binário de Metanálise: critérios

O diálogo **Critérios** fornece configurações para especificar critérios para metanálise com resultados binários em dados brutos que são fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Intervalo de confiança

A configuração opcional especifica o nível de confiança. O valor deve ser um valor numérico entre 0 e 100. A configuração padrão é 95.

Escopo de dados ausentes

As configurações opcionais controlam como o procedimento manipula dados ausentes.

Excluir casos análise por análise

A configuração padrão inclui todos os casos com dados suficientes sobre as variáveis utilizadas em cada análise específica.

Excluir casos pelo método listwise

Inclui todos os casos com dados suficientes sobre todas as variáveis utilizadas em todas as análises especificadas pelo procedimento.

Valores Omissos de Usuário

As configurações opcionais controlam como os valores ausentes do usuário são tratados.

Excluir

A configuração padrão trata os valores ausentes do usuário como válidos.

Incluir

Ignora as designações de valor ausente do usuário e trata os valores ausentes do usuário como válidos.

Iterações**Máximo de iterações**

A configuração opcional especifica o número máximo de iterações nos métodos iterativos. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor deve ser um único número inteiro positivo. O valor padrão é 100. Um valor 0 significa que não são realizadas iterações.

Divisão máxima da etapa pela metade

A configuração opcional especifica a redução máxima pela metade da etapa nos métodos iterativos. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor deve ser um único número inteiro positivo. O valor padrão é 5 segundos. Um valor de 0 significa que a redução da etapa pela metade não é aplicada.

Convergência

A configuração opcional especifica a tolerância de convergência. O valor deve ser um valor positivo único. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor padrão é 1E-6.

Ajustar contagens zero

As configurações opcionais controlam como ajustar dados de contagem zero, se aplicável, na estimação de tamanho do efeito.

Ajustar todos os valores apenas dos estudos que contêm pelo menos um zero

A configuração padrão ajusta apenas dados de contagem zero.

Ajustar todos os valores de todos os estudos apenas quando houver pelo menos um estudo com um valor zero

Ajusta todas as frequências quando pelo menos uma contagem zero existe em um estudo.

Ajustar todos os valores de todos os estudos

Ajusta todos os dados, independentemente da existência de contagens zero.

Não fazer ajustes e manter os zeros

Não faz ajustes de dados.

Valor incluído

A configuração opcional especifica o valor incluído nos dados de contagem zero. O valor padrão é 0,5. O valor especificado deve ser um valor numérico único maior que 0 e menor ou igual a 1.

Definindo critérios de Binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Dados Brutos...

2. No diálogo **Binário de metanálise**, clique em **Critérios**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de critérios.

4. Clique em **Continuar**.

Binário de metanálise: análise

O diálogo **Análise** fornece configurações para especificar a análise de subgrupo e acumulativa para a metanálise, com resultados binários em dados brutos fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Análise de subgrupo

Selecione uma variável que evoque a análise de subgrupo. A variável não pode ser a mesma que a variável definida para **Análise acumulativa**.

Análise acumulativa

Selecione uma variável que evoque a análise acumulativa e sobre a qual a metanálise acumulativa é conduzida. A variável não pode ser a mesma que a variável definida para **Análise de subgrupo**. Quando **Crescente** é selecionado, a análise acumulativa é baseada na variável especificada em ordem crescente. Quando **Decrescente** é selecionado, a análise acumulativa é baseada na variável especificada em ordem decrescente.

Estatísticas acumulativas

Fornece opções para salvar o tamanho do efeito geral acumulativo estimado. As configurações estão disponíveis apenas quando uma variável de **Análise acumulativa** é selecionada.

Tamanho do efeito acumulativo

Salva o tamanho do efeito geral acumulativo estimado.

Tamanho do efeito acumulativo (forma exponenciada)

Salva o tamanho do efeito geral acumulativo estimado na forma exponencial.

Erro padrão

Salva o erro padrão estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Limite inferior de intervalo de confiança

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Limite superior de intervalo de confiança

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Limite inferior do intervalo de confiança (forma exponencial)

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito geral acumulativo na forma exponencial.

Limite superior do intervalo de confiança (forma exponencial)

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito geral acumulativo na forma exponencial.

P-valor

Salva o valor p estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Destino

Fornece opções para especificar um conjunto de dados ou arquivo de dados salvo. Ao selecionar **Conjunto de dados**, é possível especificar um novo nome de conjunto de dados ou manter o nome padrão. Quando **o arquivo de dados** for selecionado, clique em **Procurar...** para selecionar um nome e um local para salvar o arquivo.

Definindo configurações de análise de Binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Dados Brutos...

2. No diálogo **Binário de metanálise**, clique em **Análise**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de análise.

4. Clique em **Continuar**.

Binário de metanálise: inferência

O diálogo **Inferência** fornece configurações para especificar os métodos de estimação para a metanálise com resultados binários em dados brutos fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Nota: O diálogo **Inferência** está disponível somente quando um modelo **Efeitos Aleatórios** é selecionado.

Estimador

Fornecer configurações para especificar o estimador.

Notas:

- Quando as configurações de Trim e Fill são especificadas, também controla o estimador que é usado por agrupamento na análise de trim-and-fill.
- Quando configurações de Viés são especificadas, também controla o estimador que é usado pelo teste baseado em regressão.

Máxima verossimilhança restrita (REML)

A configuração padrão aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança restrita.

Máxima verossimilhança (ML)

Aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança.

Bayes empírico

Aplica o método iterativo e calcula o estimador bayesiano empírico.

Hedges

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador de Hedges.

Hunter-Schmidt

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Hunter-Schmidt.

DerSimonian-Laird

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador DerSimonian-Laird.

Sidik-Jonkman

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Sidik-Jonkman.

Ajuste de erro padrão

Fornecer configurações que controlam a aplicação de ajustamento de erro padrão Knapp-Hartung.

Notas:

- Quando as configurações de Trim e Fill são especificadas, também controla o ajuste de erro padrão que é usado por agrupamento na análise de trim-and-fill.
- Quando configurações de Viés são especificadas, também controla o ajuste de erro padrão que é usado pelo teste baseado em regressão.

Nenhum ajuste

A configuração padrão não aplica o ajustamento.

Aplicar o ajuste de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung.

Aplicar o ajuste truncado de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung e trunca o valor se ele for menor que 1 ao fazer a estimativa da matriz de variância-covariância.

Definindo configurações de inferência de Binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Dados Brutos...

2. No diálogo **Binário de metanálise**, clique em **Inferência**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de inferência.
4. Clique em **Continuar**.

Binário de Metanálise: contraste

O diálogo **Contraste** fornece configurações para controlar o teste de contraste para metanálise, com resultados binários em dados brutos fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Variáveis

A lista exibe todas as variáveis de conjunto de dados disponíveis. Selecione variáveis na lista e mova-as para a lista de **Contrastes**.

Contrastes

A lista identifica coeficientes que são armazenados como variáveis no conjunto de dados ativo. Várias variáveis são permitidas. Variáveis de sequência de caracteres não são suportadas.

Valores de coeficientes de entrada do usuário

Fornece configurações para especificar coeficientes de um contraste fornecido pelo usuário. Apenas valores numéricos são permitidos. Para formular um teste de contraste válido, o número de valores especificados deve corresponder ao de estudos válidos.

Exibir estatísticas exponenciadas

Controla a inclusão das estatísticas de forma exponencial. Quando a configuração é selecionada, a saída inclui as estatísticas de forma exponencial, incluindo o tamanho do efeito exponencial e os limites de intervalo de confiança. A configuração está disponível quando o **Tamanho do Efeito** é especificado como **Razão de Chances de Logs**, **Razão de Chances de Logs de Peto** ou **Razão de Risco de Log**.

Definindo configurações de contraste de Binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:
Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Dados Brutos...
2. No diálogo **Binário de metanálise**, clique em **Contraste**.
3. Selecione e defina as configurações apropriadas de contraste.
4. Clique em **Continuar**.

Binário de metanálise: Viés

O diálogo **Viés** fornece configurações para ativar o viés de publicação realizando testes baseados em regressão para metanálise, com resultados binários em dados brutos que são fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Testes baseados em regressão

Fornece opções para especificar os testes baseados em regressão. Mais de um teste pode ser selecionado.

Teste de Egger

Quando selecionado, realiza o teste da Egger.

Teste de Harbord

Quando selecionado, realiza o teste do Harbord. O teste está disponível quando o **Tamanho do efeito** é especificado como **Razão de chances de log** ou **Razão de risco de log**.

Teste de Peters

Quando selecionado, realiza o teste de Peters. O teste está disponível quando o **Tamanho do efeito** é especificado como **Razão de chances de logs**.

Variáveis

A lista fornece todas as variáveis de conjunto de dados disponíveis.

Covariável(is)

Variáveis selecionadas na lista de **Variáveis** são tratadas como covariáveis. Várias covariáveis são permitidas.

Fatores

Variáveis selecionadas na lista de **Variáveis** são tratadas como fatores. Vários fatores são permitidos.

Incluir interceptação na regressão

Controla o termo de intercepto no teste baseado em regressão.

Incluir parâmetro de dispersão em modelo de efeitos fixos

Controla a configuração de modelo multiplicativo e apresenta o parâmetro de dispersão multiplicativa para a análise. A configuração está disponível apenas quando um modelo de efeitos fixos é selecionado.

Estimar estatísticas com base em t-distribution

Controla a distribuição usada nos testes baseados em regressão. A configuração é ativada por padrão e estima as estatísticas com base em *t*-distribution. Se a configuração não for selecionada, as estatísticas serão estimadas com base na distribuição normal.

Definindo configurações de viés de Binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Dados Brutos...

2. No diálogo **Binário de metanálise**, clique em **Viés**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de viés.

4. Clique em **Continuar**.

Binário de metanálise: Trim-and-Fill

O diálogo **Trim-and-Fill** fornece configurações para a implementação da análise de trim-and-fill de viés de publicação para a metanálise, com resultados binários em dados brutos fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Estimar número de estudos ausentes

Controla a análise de trim-and-fill de viés de publicação. A seleção desta configuração ativa as outras configurações de diálogo.

Estudos colaterais para imputação

Fornece opções para especificar o lado do gráfico de funil no qual os estudos ausentes são imputados.

Determinado pelas inclinações do teste de Egger

A configuração padrão determina o lado com base na inclinação estimada do teste da Egger.

Esquerda

Imputa o lado esquerdo do gráfico de funil.

Direita

Imputa o lado direito do gráfico de funil.

Método

Especifica o método para estimar o número de estudos ausentes.

Linear

A configuração padrão calcula o estimador linear.

Executar o

Calcula o estimador de execução.

Quadrático

Calcula o estimador quadrático.

Processo de iteração

Fornece configurações para especificar o estimador de iteração e o ajuste de erro padrão.

Modelo de efeitos fixos

Quando selecionado, um modelo de efeitos fixos é empregado e a estimação de iteração e as opções de ajuste de erro padrão não estão disponíveis.

Modelo de efeitos aleatórios

Quando selecionado, um modelo de efeitos aleatórios é empregado e as configurações a seguir estão disponíveis.

Estimador

Fornecer configurações para especificar o estimador de iteração

Máxima verossimilhança restrita (REML)

A configuração padrão aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança restrita.

Máxima verossimilhança (ML)

Aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança.

Bayes empírico

Aplica o método iterativo e calcula o estimador bayesiano empírico.

Hedges

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador de Hedges

Hunter-Schmidt

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Hunter-Schmidt.

DerSimonian-Laird

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador DerSimonian-Laird.

Sidik-Jonkman

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Sidik-Jonkman.

Ajuste de erro padrão

Fornecer configurações para controlar se deve-se aplicar o ajuste de erro padrão de Knapp-Hartung nas iterações do algoritmo de trim-and-fill.

Nenhum ajuste

A configuração padrão não aplica o ajustamento.

Aplicar o ajuste de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung.

Aplicar o ajuste truncado de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung e trunca o valor se ele for menor que 1 ao fazer a estimativa da matriz de variância-covariância.

Definindo configurações de trim-and-fill de Binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Dados Brutos...

2. No diálogo **Binário de metanálise**, clique em **Trim-and-Fill**.
3. Selecione e defina as configurações apropriadas de aparar e preencher.
4. Clique em **Continuar**.

Binário de metanálise: imprimir

O diálogo **Imprimir** fornece configurações para controlar saídas de tabela para metanálise com resultados binários em dados brutos que são fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Homogeneidade/Heterogeneidade

Fornecer configurações para controlar os testes de homogeneidade e heterogeneidade.

Teste de homogeneidade

Quando selecionado, o teste correspondente de homogeneidade é fornecido na saída.

Medidas de heterogeneidade

Quando selecionadas, as medidas de heterogeneidade são fornecidas na saída.

Tamanhos do efeito

Fornece as configurações de tamanho do efeito a seguir.

Estudos individuais

Controla a exibição de estudos individuais. Quando selecionada, a saída correspondente é fornecida.

Tamanhos de efeito acumulativo

Controla a exibição de análise acumulativa. Quando selecionada, a saída correspondente é fornecida. A configuração está disponível apenas quando uma variável de **Análise acumulativa** é selecionada no diálogo **Análise**.

Intervalo de predição sob o modelo de efeitos aleatórios

Controla a exibição do intervalo de predição. Quando selecionada, a saída correspondente é fornecida. A configuração está disponível apenas quando um modelo de efeitos aleatórios é especificado.

Exibir estatísticas exponenciadas

Controla a inclusão das estatísticas de forma exponencial. Quando a configuração é selecionada, as estatísticas de forma exponencial, incluindo o tamanho do efeito exponencial e os limites de intervalo de confiança são de saída. O processo aplica-se a ambas as tabelas de estimação e predição de tamanho do efeito necessário e opcional. A configuração está disponível quando o **Tamanho do Efeito** é especificado como **Razão de Chances de Logs**, **Razão de Chances de Logs de Peto** ou **Razão de Risco de Log**.

Definindo configurações de impressão de Binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Dados Brutos...

2. No diálogo **Binário de metanálise**, clique em **Imprimir**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de impressão.

4. Clique em **Continuar**.

Binário de metanálise: salvar

O diálogo **Salvar** fornece configurações para salvar as estatísticas estimadas no conjunto de dados ativo para metanálise com resultados binários em dados brutos fornecidos no conjunto de dados ativo para a estimação do tamanho do efeito.

Estudos individuais

Fornece opções para salvar o tamanho do efeito estimado.

Tamanho do efeito individual

Salva o tamanho do efeito estimado.

Tamanho do efeito individual (forma exponenciada)

Salva o tamanho do efeito estimado na forma exponencial.

Erro padrão

Salva o erro padrão estimado do tamanho do efeito.

Limite inferior de intervalo de confiança

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito.

Limite superior de intervalo de confiança

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito.

Limite inferior do intervalo de confiança (forma exponencial)

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito na forma exponencial.

Limite superior do intervalo de confiança (forma exponencial)

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito na forma exponencial.

P-valor

Salva o valor p estimado do tamanho do efeito.

Ponderação de estudo

Salva o peso do estudo estimado.

Porcentagem de peso do estudo

Salva o peso do estudo normalizado como uma porcentagem.

Definindo configurações de salvamento de Binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Dados Brutos...

2. No diálogo **Binário de metanálise**, clique em **Salvar**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de salvamento das estatísticas estimadas.

4. Clique em **Continuar**.

Binário de metanálise: gráfico

O diálogo **Gráfico** fornece configurações para os tipos de gráfico a seguir:

- “Gráfico de floresta” na página 77
- “Gráfico de floresta acumulativo” na página 78
- “Diagrama em bolha” na página 79
- “Gráfico de funil” na página 80
- “Gráfico de Galbraith” na página 81
- “Gráfico de L'Abbé” na página 82

Tamanho do Efeito Binário de Metanálise

O procedimento de Tamanho do efeito binário de metanálise executa a metanálise, com resultados binários quando os dados pré-calculados de tamanho do efeito são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Exemplo:

Vários estudos de pesquisa foram realizados no passado para investigar um medicamento da moda, porém questionável, para ajudar no tratamento de diabetes tipo II. O medicamento oral foi reconhecido como capaz de reduzir o nível de glicose no sangue após as refeições. Foram coletados dados de diferentes sites de pesquisa de 1979 a 1986.

A investigadora principal gostaria de traçar uma inferência estatística sobre o efeito do medicamento oral. Pelo fato de os dados terem sido produzidos por meio de diferentes estudos, ela propôs a ideia de sintetizar os resultados dos estudos para ter um entendimento geral do efeito e para identificar as fontes de variação subjacentes nos resultados.

Estatísticas

Intervalo de confiança, Razão de Chances de Log, Razão de Chances de Log de Peto, Razão de Risco de Log, diferença de risco, efeitos aleatórios, efeitos fixos, variância inversa, Mantel-Haenszel, iterações, fracionamento de passos, convergência, estatísticas acumulativas, tamanho do efeito acumulativo, máxima verossimilhança restrita, REML, máxima verossimilhança, ML, Bayes Empírico, Hedges, Hunter-Schmidt, DerSimonian-Laird, Sidik-Jonkman, Knapp-Hartung, Teste de Egger, Teste de Harbord, Teste de Peters, interceptação na regressão, parâmetro de dispersão, homogeneidade, heterogeneidade, estatística exponencial, erro padrão, valor p , ponderação de estudo.

Obtendo uma análise de Tamanho do efeito binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Tamanho do Efeito Pré-calculado...

2. Selecione uma variável de **Tamanho do efeito** que denote o tamanho do efeito. A variável selecionada deve ser numérica (variáveis de sequência de caracteres não são suportadas).
3. Selecione **Desvio padrão** para especificar o desvio padrão de tamanho do efeito ou **Variação** para especificar a variação de tamanho do efeito e, em seguida, selecione uma variável para representar o desvio/a variação padrão para o tamanho do efeito.
4. Opcionalmente, selecione as variáveis **ID do Estudo** e/ou **Rótulo do Estudo**. A variável **ID do Estudo** selecionada não pode ser igual à variável **Rótulo do Estudo** selecionada.
5. Opcionalmente, selecione a configuração **Tamanho do Efeito**. As opções disponíveis são **Razão de chances de log**, **Razão de chances de log de Peto**, **Razão de risco de log** e **Diferença de risco**.
6. Opcionalmente, selecione uma configuração **Modelo**. Quando as configurações **Aparar e Preencher** são ativadas, elas também controlam o modelo usado, agrupando a análise aparar e preencher. Quando as configurações **Viés** são ativadas, elas também controlam o modelo usado pelo teste baseado em regressão.

Efeitos aleatórios

A configuração padrão desenvolve o modelo de efeitos aleatórios.

Efeitos fixos

Desenvolve o modelo de efeitos fixos.

7. Como opção, você pode:

- Clique em **Critérios...** para especificar os critérios gerais.
- Clique em **Análise** para especificar o subgrupo e a análise acumulativa.
- Clique em **Inferência** para especificar os métodos de estimação.
- Clique em **Contraste** para controlar o teste de contraste.
- Clique em **Viés** para acessar o viés de publicação, realizando o teste baseado em regressão da EGGER.
- Clique em **Aparar e Preencher** para implementar a análise aparar e preencher do viés da publicação.
- Clique em **Imprimir** para controlar as saídas de tabela.
- Clique em **Salvar** para salvar as estatísticas estimadas para o conjunto de dados ativo.
- Clique em **Gráfico** para especificar quais gráficos incluir na saída.

8. Clique em **OK**.

Tamanho do efeito binário de metanálise: critérios

O diálogo **Critérios** fornece configurações para especificar critérios para metanálise com resultados binários quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Intervalo de confiança

A configuração opcional especifica o nível de confiança. O valor deve ser um valor numérico entre 0 e 100. A configuração padrão é 95.

Escopo de dados ausentes

As configurações opcionais controlam como o procedimento manipula dados ausentes.

Excluir casos análise por análise

A configuração padrão inclui todos os casos com dados suficientes sobre as variáveis utilizadas em cada análise específica.

Excluir casos pelo método listwise

Inclui todos os casos com dados suficientes sobre todas as variáveis utilizadas em todas as análises especificadas pelo procedimento.

Valores Omissos de Usuário

As configurações opcionais controlam como os valores ausentes do usuário são tratados.

Excluir

A configuração padrão trata os valores ausentes do usuário como válidos.

Incluir

Ignora as designações de valor ausente do usuário e trata os valores ausentes do usuário como válidos.

Iterações**Máximo de iterações**

A configuração opcional especifica o número máximo de iterações nos métodos iterativos. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor deve ser um único número inteiro positivo. O valor padrão é 100. Um valor 0 significa que não são realizadas iterações.

Divisão máxima da etapa pela metade

A configuração opcional especifica a redução máxima pela metade da etapa nos métodos iterativos. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor deve ser um único número inteiro positivo. O valor padrão é 5 segundos. Um valor de 0 significa que a redução da etapa pela metade não é aplicada.

Convergência

A configuração opcional especifica a tolerância de convergência. O valor deve ser um valor positivo único. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor padrão é 1E-6.

Definindo critérios de Tamanho do efeito binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Tamanho do Efeito Pré-calculado...

2. No diálogo **Tamanho do efeito binário de metanálise**, clique em **Critérios**.
3. Selecione e defina as configurações apropriadas de critérios.
4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito binário de metanálise: análise

O diálogo **Análise** fornece configurações para especificar análise de subgrupo e acumulativa para metanálise com resultados binários quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Análise de subgrupo

Selecione uma variável que evoque a análise de subgrupo. A variável não pode ser a mesma que a variável definida para **Análise acumulativa**.

Análise cumulativa

Selecione uma variável que evoque a análise acumulativa e sobre a qual a metanálise acumulativa é conduzida. A variável não pode ser a mesma que a variável definida para **Análise de subgrupo**. Quando **Crescente** é selecionado, a análise acumulativa é baseada na variável especificada em ordem crescente. Quando **Decrescente** é selecionado, a análise acumulativa é baseada na variável especificada em ordem decrescente.

Estatísticas acumulativas

Fornece opções para salvar o tamanho do efeito geral acumulativo estimado. As configurações estão disponíveis apenas quando uma variável de **Análise acumulativa** é selecionada.

Tamanho do efeito acumulativo

Salva o tamanho do efeito geral acumulativo estimado.

Tamanho do efeito acumulativo (forma exponenciada)

Salva o tamanho do efeito geral acumulativo estimado na forma exponencial.

Erro padrão

Salva o erro padrão estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Limite inferior de intervalo de confiança

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Limite superior de intervalo de confiança

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Limite inferior do intervalo de confiança (forma exponencial)

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito geral acumulativo na forma exponencial.

Limite superior do intervalo de confiança (forma exponencial)

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito geral acumulativo na forma exponencial.

P-valor

Salva o valor p estimado do tamanho do efeito geral acumulativo.

Destino

Fornece opções para especificar um conjunto de dados ou arquivo de dados salvo. Ao selecionar **Conjunto de dados**, é possível especificar um novo nome de conjunto de dados ou manter o nome padrão. Quando o **arquivo de dados** for selecionado, clique em **Procurar...** para selecionar um nome e um local para salvar o arquivo.

Definindo configurações de análise de Tamanho do efeito binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Tamanho do Efeito Pré-calculado...

2. No diálogo **Tamanho do efeito binário de metanálise**, clique em **Análise**.
3. Selecione e defina as configurações apropriadas de análise.
4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito binário de metanálise: inferência

O diálogo **Inferência** fornece configurações para especificar os métodos de estimação para metanálise com resultados binários quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Estimador

Fornece configurações para especificar o estimador.

Notas:

- Quando as configurações de Trim e Fill são especificadas, também controla o estimador que é usado por agrupamento na análise de trim-and-fill.
- Quando configurações de Viés são especificadas, também controla o estimador que é usado pelo teste baseado em regressão.

Máxima verossimilhança restrita (REML)

A configuração padrão aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança restrita.

Máxima verossimilhança (ML)

Aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança.

Bayes empírico

Aplica o método iterativo e calcula o estimador bayesiano empírico.

Hedges

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador de Hedges.

Hunter-Schmidt

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Hunter-Schmidt.

DerSimonian-Laird

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador DerSimonian-Laird.

Sidik-Jonkman

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Sidik-Jonkman.

Ajuste de erro padrão

Fornece configurações que controlam a aplicação de ajustamento de erro padrão Knapp-Hartung.

Notas:

- Quando as configurações de Trim e Fill são especificadas, também controla o ajuste de erro padrão que é usado por agrupamento na análise de trim-and-fill.
- Quando configurações de Viés são especificadas, também controla o ajuste de erro padrão que é usado pelo teste baseado em regressão.

Nenhum ajuste

A configuração padrão não aplica o ajustamento.

Aplicar o ajuste de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung.

Aplicar o ajuste truncado de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung e trunca o valor se ele for menor que 1 ao fazer a estimativa da matriz de variância-covariância.

Definindo configurações de inferência de Tamanho do efeito binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Tamanho do Efeito Pré-calculado...

2. No diálogo **Tamanho do efeito binário de metanálise**, clique em **Inferência**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de inferência.

4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito binário de metanálise: contraste

O diálogo **Contraste** fornece configurações para controlar o teste de contraste para metanálise com resultados binários quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Variáveis

A lista exibe todas as variáveis de conjunto de dados disponíveis. Selecione variáveis na lista e mova-as para a lista de **Contrastes**.

Contrastes

A lista identifica coeficientes que são armazenados como variáveis no conjunto de dados ativo. Várias variáveis são permitidas. Variáveis de sequência de caracteres não são suportadas.

Valores de coeficientes de entrada do usuário

Fornece configurações para especificar coeficientes de um contraste fornecido pelo usuário. Apenas valores numéricos são permitidos. Para formular um teste de contraste válido, o número de valores especificados deve corresponder ao de estudos válidos.

Exibir estatísticas exponenciadas

Controla a inclusão das estatísticas de forma exponencial. Quando a configuração é selecionada, a saída inclui as estatísticas de forma exponencial, incluindo o tamanho do efeito exponencial e os

limites de intervalo de confiança. A configuração está disponível quando o **Tamanho do Efeito** é especificado como **Razão de Chances de Logs**, **Razão de Chances de Logs de Peto** ou **Razão de Risco de Log**.

Definindo configurações de contraste de Tamanho do efeito binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Tamanho do Efeito Pré-calculado...

2. No diálogo **Tamanho do efeito binário de metanálise**, clique em **Contraste**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de contraste.

4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito binário de metanálise: viés

O diálogo **Viés** fornece configurações para ativar o viés de publicação realizando testes baseados em regressão para metanálise, com resultados binários quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Teste baseado em regressão de Egger

A seleção dessa configuração ativa a propensão de publicação realizando o teste baseado em regressão de Eggers.

Variáveis

A lista fornece todas as variáveis de conjunto de dados disponíveis.

Covariável(is)

Variáveis selecionadas na lista de **Variáveis** são tratadas como covariáveis. Várias covariáveis são permitidas.

Fatores

Variáveis selecionadas na lista de **Variáveis** são tratadas como fatores. Vários fatores são permitidos.

Incluir interceptação na regressão

Controla o termo de intercepto no teste baseado em regressão.

Incluir parâmetro de dispersão em modelo de efeitos fixos

Controla a configuração de modelo multiplicativo e apresenta o parâmetro de dispersão multiplicativa para a análise. A configuração está disponível apenas quando um modelo de efeitos fixos é selecionado.

Estimar estatísticas com base em t-distribution

Controla a distribuição usada nos testes baseados em regressão. A configuração é ativada por padrão e estima as estatísticas com base em *t*-distribution. Se a configuração não for selecionada, as estatísticas serão estimadas com base na distribuição normal.

Definindo configurações de viés de Tamanho do efeito binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Tamanho do Efeito Pré-calculado...

2. No diálogo **Tamanho do efeito binário de metanálise**, clique em **Viés**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de viés.

4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito binário de metanálise: trim-and-fill

O diálogo **Trim-and-Fill** fornece configurações para implementar a análise de trim-and-fill de viés de publicação para metanálise com resultados binários quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Estimar número de estudos ausentes

Controla a análise de trim-and-fill de viés de publicação. A seleção desta configuração ativa as outras configurações de diálogo.

Estudos colaterais para imputação

Fornece opções para especificar o lado do gráfico de funil no qual os estudos ausentes são imputados.

Determinado pelas inclinações do teste de Egger

A configuração padrão determina o lado com base na inclinação estimada do teste da Egger.

Esquerda

Imputa o lado esquerdo do gráfico de funil.

Direita

Imputa o lado direito do gráfico de funil.

Método

Especifica o método para estimar o número de estudos ausentes.

Linear

A configuração padrão calcula o estimador linear.

Executar o

Calcula o estimador de execução.

Quadrático

Calcula o estimador quadrático.

Processo de iteração

Fornece configurações para especificar o estimador de iteração e o ajuste de erro padrão.

Modelo de efeitos fixos

Quando selecionado, um modelo de efeitos fixos é empregado e a estimação de iteração e as opções de ajuste de erro padrão não estão disponíveis.

Modelo de efeitos aleatórios

Quando selecionado, um modelo de efeitos aleatórios é empregado e as configurações a seguir estão disponíveis.

Estimador

Fornece configurações para especificar o estimador de iteração

Máxima verossimilhança restrita (REML)

A configuração padrão aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança restrita.

Máxima verossimilhança (ML)

Aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança.

Bayes empírico

Aplica o método iterativo e calcula o estimador bayesiano empírico.

Hedges

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador de Hedges

Hunter-Schmidt

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Hunter-Schmidt.

DerSimonian-Laird

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador DerSimonian-Laird.

Sidik-Jonkman

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Sidik-Jonkman.

Ajuste de erro padrão

Fornece configurações para controlar se deve-se aplicar o ajuste de erro padrão de Knapp-Hartung nas iterações do algoritmo de trim-and-fill.

Nenhum ajuste

A configuração padrão não aplica o ajustamento.

Aplicar o ajuste de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung.

Aplicar o ajuste truncado de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung e trunca o valor se ele for menor que 1 ao fazer a estimativa da matriz de variância-covariância.

Definindo configurações de trim-and-fill de Tamanho do efeito binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Tamanho do Efeito Pré-calculado...

2. No diálogo **Tamanho do efeito binário de metanálise**, clique em **Trim-and-Fill**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de aparar e preencher.

4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito binário de metanálise: imprimir

O diálogo **Imprimir** fornece configurações para controlar saídas de tabela para metanálise com resultados binários quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Homogeneidade/Heterogeneidade

Fornece configurações para controlar os testes de homogeneidade e heterogeneidade.

Teste de homogeneidade

Quando selecionado, o teste correspondente de homogeneidade é fornecido na saída.

Medidas de heterogeneidade

Quando selecionadas, as medidas de heterogeneidade são fornecidas na saída.

Tamanhos do efeito

Fornece as configurações de tamanho do efeito a seguir.

Estudos individuais

Controla a exibição de estudos individuais. Quando selecionada, a saída correspondente é fornecida.

Tamanhos de efeito acumulativo

Controla a exibição de análise acumulativa. Quando selecionada, a saída correspondente é fornecida. A configuração está disponível apenas quando uma variável de **Análise acumulativa** é selecionada no diálogo **Análise**.

Intervalo de predição sob o modelo de efeitos aleatórios

Controla a exibição do intervalo de predição. Quando selecionada, a saída correspondente é fornecida. A configuração está disponível apenas quando um modelo de efeitos aleatórios é especificado.

Exibir estatísticas exponenciadas

Controla a inclusão das estatísticas de forma exponencial. Quando a configuração é selecionada, as estatísticas de forma exponencial, incluindo o tamanho do efeito exponencial e os limites de intervalo de confiança são de saída. O processo aplica-se a ambas as tabelas de estimação e predição de tamanho do efeito necessário e opcional. A configuração está disponível quando o **Tamanho do Efeito** é especificado como **Razão de Chances de Logs**, **Razão de Chances de Logs de Peto** ou **Razão de Risco de Log**.

Definindo configurações de impressão de Tamanho do efeito binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Tamanho do Efeito Pré-calculado...

2. No diálogo **Tamanho do efeito binário de metanálise**, clique em **Imprimir**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de impressão.
4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito binário de metanálise: salvar

O diálogo **Salvar** fornece configurações para salvar as estatísticas estimadas no conjunto de dados ativo para metanálise com resultados binários quando os dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Estudos individuais

Fornece opções para salvar o tamanho do efeito estimado.

Tamanho do efeito individual (forma exponenciada)

Salva o tamanho do efeito estimado na forma exponencial.

Erro padrão

Salva o erro padrão estimado do tamanho do efeito.

Limite inferior de intervalo de confiança

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito.

Limite superior de intervalo de confiança

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito.

Limite inferior do intervalo de confiança (forma exponencial)

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito na forma exponencial.

Limite superior do intervalo de confiança (forma exponencial)

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado do tamanho do efeito na forma exponencial.

P-valor

Salva o valor p estimado do tamanho do efeito.

Ponderação de estudo

Salva o peso do estudo estimado.

Porcentagem de peso do estudo

Salva o peso do estudo normalizado como uma porcentagem.

Definindo configurações de salvamento do Tamanho do efeito binário de metanálise

1. Nos menus, escolha:
Analisar > Metanálise > Resultados Binários > Tamanho do Efeito Pré-calculado...
2. No diálogo **Tamanho do efeito binário de metanálise**, clique em **Salvar**.
3. Selecione e defina as configurações apropriadas de salvamento das estatísticas estimadas.
4. Clique em **Continuar**.

Tamanho do efeito binário de metanálise: criar gráfico

O diálogo **Gráfico** fornece configurações para os tipos de gráfico a seguir:

- “Gráfico de floresta” na página 77
- “Gráfico de floresta acumulativo” na página 78
- “Diagrama em bolha” na página 79
- “Gráfico de funil” na página 80
- “Gráfico de Galbraith” na página 81
- “Gráfico de L'Abbé” na página 82

Regressão de Metanálise

O procedimento de Regressão de metanálise executa a análise de metarregressão.

Exemplo:

Vários estudos de pesquisa foram realizados no passado para investigar um medicamento da moda, porém questionável, para ajudar no tratamento de diabetes tipo II. O medicamento oral foi reconhecido como capaz de reduzir o nível de glicose no sangue após as refeições. Foram coletados dados de diferentes sites de pesquisa de 1979 a 1986.

A investigadora principal gostaria de traçar uma inferência estatística sobre o efeito do medicamento oral. Pelo fato de os dados terem sido produzidos por meio de diferentes estudos, ela propôs a ideia de sintetizar os resultados dos estudos para ter um entendimento geral do efeito e para identificar as fontes de variação subjacentes nos resultados.

Estatísticas

Nível de confiança, método iterativo, redução de etapa pela metade, tolerância de convergência, médias da amostra, variância da amostra, desvio padrão, tamanho do efeito estimado, método de estimação, teste baseado em regressão, modelo de efeitos aleatórios, modelo de efeitos fixos, parâmetro de dispersão, estimador de máxima verossimilhança restrita, estimador de Bayes empírico, estimador de Hedges, estimador de Hunter-Schmidt, estimador de DerSimonian-Laird, estimador de Sidik-Jonkman, ajuste de erro padrão de Knapp-Hartung, ajuste de erro padrão de Knapp-Hartung truncado, coeficientes, teste de coeficiente de modelo, estatísticas exponenciadas.

Obtendo uma análise de Regressão de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Metarregressão

2. Selecione uma única variável de **Tamanho do efeito** que denote o tamanho do efeito. A variável selecionada deve ser numérica (variáveis de sequência de caracteres não são suportadas).
3. Selecione uma das configurações a seguir e, em seguida, selecione uma variável numérica única correspondente:

Erro padrão

Selecione uma variável que especifique o erro padrão que é convertido para a ponderação. Esta é a definição padrão.

Variância

Selecione uma variável que especifique a variação que é convertida para a ponderação.

Ponderação

Selecione uma variável que especifique a ponderação.

4. Opcionalmente, inclua variáveis fator na lista de **Fatores**. Para cada variável fator selecionada um valor opcional pode ser especificado para designar **Últimas categorias** customizadas. É possível clicar em **Reconfigurar** para restaurar os valores de **Últimas categorias** para as suas configurações padrão.

Nota: Quando não houver casos que correspondam aos valores de **Últimas categorias** especificados, os últimos valores ocorridos serão tratados como as últimas categorias.

5. Opcionalmente, selecione variáveis covariáveis numéricas.
6. Opcionalmente, selecione uma configuração **Modelo**.

Efeitos aleatórios

A configuração padrão desenvolve o modelo de efeitos aleatórios.

Efeitos fixos

Desenvolve o modelo de efeitos fixos. É possível selecionar, opcionalmente, a configuração **Incluir parâmetro de dispersão**.

7. Como opção, você pode:

- Clique em **Critérios...** para especificar os critérios gerais.
- Clique em **Inferência** para especificar os métodos de estimação.

- Clique em **Imprimir** para controlar as saídas de tabela.
 - Clique em **Salvar** para prever e salvar as estatísticas estimadas para o conjunto de dados ativo.
 - Clique em **Gráfico** para especificar quais gráficos incluir na saída.
8. Clique em **OK**.

Regressão de metanálise: critérios

O diálogo **Críticos** fornece configurações para especificar critérios para regressão de metanálise.

Intervalo de confiança

A configuração opcional especifica o nível de confiança. O valor deve ser um valor numérico entre 0 e 100. A configuração padrão é 95.

Valores Omissos de Usuário

As configurações opcionais controlam como os valores ausentes do usuário são tratados.

Excluir

A configuração padrão trata os valores ausentes do usuário como válidos.

Incluir

Ignora as designações de valor ausente do usuário e trata os valores ausentes do usuário como válidos.

Iterações

Máximo de iterações

A configuração opcional especifica o número máximo de iterações nos métodos iterativos. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor deve ser um único número inteiro positivo. O valor padrão é 100. Um valor 0 significa que não são realizadas iterações.

Divisão máxima da etapa pela metade

A configuração opcional especifica a redução máxima pela metade da etapa nos métodos iterativos. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor deve ser um único número inteiro positivo. O valor padrão é 5 segundos. Um valor de 0 significa que a redução da etapa pela metade não é aplicada.

Convergência

A configuração opcional especifica a tolerância de convergência. O valor deve ser um valor positivo único. A configuração está disponível quando métodos iterativos são usados. O valor padrão é 1E -6.

Definindo critérios de Regressão de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Metarregressão

2. No diálogo **Regressão de metanálise**, clique em **Críticos**.
3. Selecione e defina as configurações apropriadas de critérios.
4. Clique em **Continuar**.

Regressão de metanálise: inferência

O diálogo **Inferência** fornece configurações para especificar os métodos de estimação para regressão de metanálise.

Incluir interceptação na regressão

A configuração é ativada por padrão.

Estimar estatísticas com base em t-distribution

Controla a distribuição usada nos testes baseados em regressão. A configuração é ativada por padrão e estima as estatísticas com base em *t*-distribution. Se a configuração não for selecionada, as estatísticas serão estimadas com base na distribuição normal.

Estimador

Fornecer configurações para especificar o estimador.

Máxima verossimilhança restrita (REML)

A configuração padrão aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança restrita.

Máxima verossimilhança (ML)

Aplica o método iterativo e calcula o estimador de máxima verossimilhança.

Bayes empírico

Aplica o método iterativo e calcula o estimador bayesiano empírico.

Hedges

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador de Hedges.

Hunter-Schmidt

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Hunter-Schmidt.

DerSimonian-Laird

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador DerSimonian-Laird.

Sidik-Jonkman

Aplica o método não iterativo e calcula o estimador Sidik-Jonkman.

Ajuste de erro padrão

Fornecer configurações que controlam a aplicação de ajustamento de erro padrão Knapp-Hartung.

Nenhum ajuste

A configuração padrão não aplica o ajustamento.

Aplicar o ajuste de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung.

Aplicar o ajuste truncado de Knapp-Hartung

Aplica o método de ajustamento Knapp-Hartung e trunca o valor se ele for menor que 1 ao fazer a estimativa da matriz de variância-covariância.

Definindo configurações de inferência de Regressão de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Metarregressão

2. No diálogo **Regressão de metanálise**, clique em **Inferência**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de inferência.

4. Clique em **Continuar**.

Regressão de metanálise: imprimir

O diálogo **Imprimir** fornece configurações para controlar saídas de tabela para regressão de metanálise.

Teste de coeficientes do modelo

Controla o teste de coeficientes do modelo. A configuração não é especificada por padrão, o que suprime o teste. Quando a configuração é especificada, o teste é fornecido na saída.

Exibir estatísticas exponenciadas

Controla as estimativas de parâmetro. A configuração não é especificada por padrão, o que suprime as estimativas de parâmetro. Quando a configuração é especificada, as estimativas de parâmetro são fornecidas na saída.

Definindo configurações de impressão de Regressão de metanálise

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Metanálise > Metarregressão

2. No diálogo **Regressão de metanálise**, clique em **Imprimir**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de impressão.
4. Clique em **Continuar**.

Regressão de metanálise: salvar

O diálogo **Salvar** fornece configurações para salvar as estatísticas estimadas no conjunto de dados ativo para regressão de metanálise.

Estudos individuais

Fornece opções para salvar o tamanho do efeito estimado.

Valores preditos

Prediz e salva os valores ajustados.

Erro padrão de valores preditos

Prediz e salva o erro padrão de valores ajustados.

Limite inferior de intervalo de confiança

Salva o limite inferior de intervalo de confiança estimado dos valores ajustados.

Limite superior de intervalo de confiança

Salva o limite superior de intervalo de confiança estimado dos valores ajustados.

Resíduos

Prediz e salva os resíduos.

Erro padrão de resíduos

Prediz e salva o erro padrão dos resíduos.

Alavancagens

Prediz e salva as alavancagens.

Estatísticas acumulativas

Fornece opções para salvar previsões lineares.

Nota: As configurações de estatísticas acumulativas são ignoradas quando **Efeitos fixos** são selecionados como a configuração **Modelo**.

Predições lineares fixas

Prediz e salva a predição linear.

Erro padrão de predições lineares fixas

Prediz e salva o erro padrão da predição linear.

Melhores previsões lineares imparciais

Prediz e salva a melhor predição linear imparcial dos efeitos aleatórios.

Erro padrão de BLUPs

Prediz e salva o erro padrão da melhor predição linear imparcial dos efeitos aleatórios.

Definindo configurações de salvamento de Regressão de metanálise

1. Nos menus, escolha:
Analisar > Metanálise > Metarregressão
2. No diálogo **Regressão de metanálise**, clique em **Salvar**.
3. Selecione e defina as configurações de salvamento apropriadas.
4. Clique em **Continuar**.

Regressão de metanálise: criar gráfico

O diálogo **Criar gráfico** fornece configurações para definir gráficos de bolhas. Para obter mais informações, consulte [“Diagrama em bolha” na página 79](#).

Opções de plotagem de metanálise

As opções de gráfico a seguir estão disponíveis para os procedimentos de Metanálise e são acessíveis nos diálogos **Criar gráfico**.

Gráfico de floresta

A guia **Gráfico de floresta** fornece configurações para controlar gráficos de plot de floresta que são exibidos na saída para metanálise com resultados contínuos e binários quando dados brutos e dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Gráfico de floresta

A configuração opcional ativa e desativa a saída do gráfico de floresta. A configuração é desativada por padrão.

Exibir Colunas

As configurações opcionais especificam as estatísticas estimadas que são tabuladas.

Tamanho do efeito

Inclui o tamanho de efeito estimado.

Erro padrão

Inclui o erro padrão do tamanho do efeito estimado.

Limites de intervalo de confiança

Inclui os limites inferior e superior de intervalo de confiança do tamanho do efeito estimado.

P-valor

Inclui o valor p do tamanho do efeito estimado para cada estudo individual.

Ponderação

Inclui a ponderação dos estudos primários.

Exibir forma exponenciada

Nota: Essa configuração se aplica apenas à metanálise com resultados binários.

Controla a coluna do gráfico e a exibição do tamanho do efeito e intervalo de confiança. Quando a configuração é selecionada, cria o gráfico de razão de chances, de razão de chances do Peto ou de razão de risco e tabula as estatísticas de forma exponencial. Quando a configuração não é selecionada, cria a razão de chances de log, a razão de chances do Peto ou a razão de risco e tabula as estatísticas transformadas em log.

Variáveis

Lista as variáveis de conjunto de dados disponíveis.

Colunas adicionais

Opcionalmente, selecione variáveis para exibir como colunas adicionais. A ordem da variável determina a ordem de exibição da coluna.

Classificar

Opcionalmente, especifique uma variável sobre a qual o gráfico de floresta é classificado. Quando uma variável é especificada, o gráfico de floresta é classificado em ordem **Crescente** (a configuração padrão). Quando **decrescente** é selecionado, o gráfico de floresta é classificado em ordem decrescente.

Posição da coluna do gráfico

Controla o posicionamento da coluna de gráfico.

Direita

A configuração padrão coloca a coluna de gráfico à direita das outras colunas da tabela.

Esquerda

Coloca a coluna de gráfico à esquerda das outras colunas da tabela.

Linhas de referência

Controla as linhas de referência que são incluídas no gráfico de floresta. **Tamanho do efeito geral** inclui a linha para denotar o tamanho do efeito geral estimado. **Tamanho do efeito nulo** inclui a linha para denotar o tamanho do efeito nulo.

Anotações

Controla a exibição das anotações.

Homogeneidade

Imprime as estatísticas de teste de homogeneidade.

Heterogeneidade

Imprime as estatísticas de teste de heterogeneidade.

Testar

Imprime o teste do tamanho do efeito geral e o teste de homogeneidade entre subgrupos na presença da análise de subgrupo.

Intervalo de safra

Especifica a faixa de corte. Quando a configuração é selecionada, dois valores numéricos devem ser especificados e satisfazer $\text{Upper bound} > \text{Lower bound}$.

Para metanálises com resultados binários, quando a configuração de **Tamanho do efeito** for definida como **Diferença de risco**, ela também deverá satisfazer $\text{Upper bound} \leq 1$ e $\text{Lower bound} \geq -1$. Quando a configuração **Exibir forma exponenciada** for selecionada, ela também deverá atender a $\text{Lower bound} \geq 0$.

Definindo configurações de gráfico de floresta

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de meta > Resultados contínuos ou resultados binários > Dados brutos... ou Tamanho do efeito pré-calculado...

2. No diálogo **Metanálise**, clique em **Criar gráfico** e, em seguida, clique na guia **Gráfico de floresta**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de gráfico de floresta.

4. Clique em **Continuar**.

Gráfico de floresta acumulativo

A guia **Gráfico de floresta acumulativo** fornece configurações para controlar gráficos de plot de floresta acumulativos, que são exibidos na saída para metanálise, com resultados contínuos e binários quando dados brutos e dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Gráfico de floresta acumulativo

A configuração opcional ativa e desativa a saída do gráfico de floresta. A configuração é desativada por padrão.

Exibir Colunas

As configurações opcionais especificam as estatísticas estimadas que são tabuladas.

Tamanho do efeito acumulativo

Inclui o tamanho do efeito geral acumulativo.

Erro padrão

Inclui o erro padrão do tamanho do efeito geral acumulativo.

Limites de intervalo de confiança

Inclui o intervalo de confiança inferior e os limites superiores do tamanho do efeito geral acumulativo.

P-valor

Inclui o valor p do tamanho do efeito geral acumulativo para cada estudo individual.

Exibir forma exponenciada

Nota: Essa configuração se aplica apenas à metanálise com resultados binários.

Controla a coluna do gráfico e a exibição do tamanho do efeito e intervalo de confiança. Quando a configuração é selecionada, ele cria gráfico da razão de chances, da razão de chances de Peto ou da razão de risco e tabula as estatísticas de forma exponencial. Quando a configuração não é ativada, ele cria gráfico da razão de chances de log, da razão de chances de log de Peto ou da razão de risco de log e tabula as estatísticas transformadas por log.

Variáveis

Lista as variáveis de conjunto de dados disponíveis.

Colunas adicionais

Opcionalmente, selecione variáveis para exibir como colunas adicionais. A ordem da variável determina a ordem de exibição da coluna.

Posição da coluna do gráfico

Controla o posicionamento da coluna de gráfico.

Direita

A configuração padrão coloca a coluna de gráfico à direita das outras colunas da tabela.

Esquerda

Coloca a coluna de gráfico à esquerda das outras colunas da tabela.

Intervalo de safra

Especifica a faixa de corte. Quando a configuração é selecionada, dois valores numéricos devem ser especificados e satisfazer $\text{Upper bound} > \text{Lower bound}$.

Para metanálises com resultados binários, quando a configuração de **Tamanho do efeito** for definida como **Diferença de risco**, ela também deverá satisfazer $\text{Upper bound} \leq 1$ e $\text{Lower bound} \geq -1$. Quando a configuração **Exibir forma exponenciada** for selecionada, ela também deverá atender a $\text{Lower bound} \geq 0$.

Definindo configurações de gráfico de floresta acumulativo

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de meta > Resultados contínuos ou resultados binários > Dados brutos... ou Tamanho do efeito pré-calculado...

2. No diálogo **Metanálise**, clique em **Criar gráfico** e em seguida, clique na guia **Gráfico de floresta acumulativo**.

3. Selecione e defina as configurações de gráfico de floresta acumulativo apropriadas.

4. Clique em **Continuar**.

Diagrama em bolha

A guia **Gráfico de bolhas** fornece configurações para controlar gráficos de plot de bolhas que são exibidos na saída para metanálise com resultados contínuos e binários, quando dados brutos e dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Nota: O Gráfico de bolhas é o único tipo de gráfico disponível para análise de regressão de metanálise.

Gráfico de bolhas

A configuração opcional ativa e desativa a saída do gráfico de bolhas. A configuração é desativada por padrão.

Nota: Esta configuração não está disponível para análise de regressão de metanálise.

Variáveis

Lista as variáveis de conjunto de dados disponíveis.

Preditores

Especificar variáveis que são tratadas como preditores contínuos no eixo X. Várias variáveis são permitidas com cada uma criando um gráfico de bolhas separado.

Nota: Para análise de regressão de metanálise, esta configuração é rotulada como **Preditores de gráfico de bolhas** e permite selecionar covariáveis para as quais criar gráficos de bolhas.

Preditores centralizados na média

A configuração opcional controla o preditor contínuo no eixo X. A configuração é desativada por padrão, o que não centraliza o preditor. Quando a configuração é ativada, o preditor é centralizado na média.

Rótulo

Opcionalmente, especifique uma variável sobre a qual o gráfico de bolhas é rotulado. A lista **Colocação** fornece opções de colocação automática de rótulo (**Automático**) ou de colocação **À direita, À esquerda, Na parte superior e Na parte inferior**.

Desenhar bolhas proporcionais a ponderações

Controla como as bolhas são desenhadas em relação às ponderações. A configuração é ativada por padrão, o que desenha as bolhas proporcionais às ponderações. Quando a configuração é desativada, todas as bolhas são desenhadas para o mesmo tamanho.

Exibir linha ajustada

Controla a exibição da linha de regressão ajustada. A configuração é ativada por padrão, o que inclui a linha de regressão ajustada no gráfico de bolhas. Quando a configuração é desativada, a linha de regressão ajustada não é incluída no gráfico de bolhas.

Exibir limites de intervalo de confiança

Controla a exibição de limites de intervalo de confiança. A configuração é ativada por padrão, o que inclui os limites de intervalo de confiança no gráfico de bolhas. Quando a configuração é desativada, os limites de intervalo de confiança não são incluídos no gráfico de bolhas.

Intervalo de eixo X

Especifica a amplitude do gráfico do eixo X. Quando a configuração estiver ativada, dois valores numéricos deverão ser especificados e atender a $\text{Upper bound} > \text{Lower bound}$. Observe que os valores especificados se aplicam a todos os gráficos de bolhas.

Intervalo de eixo Y

Especifica a amplitude do gráfico do eixo Y. Quando a configuração estiver ativada, dois valores numéricos deverão ser especificados e atender a $\text{Upper bound} > \text{Lower bound}$. Observe que os valores especificados se aplicam a todos os gráficos de bolhas.

Para metanálises com resultados binários, quando a configuração de **Tamanho do efeito** for definida como **Diferença de risco**, ela também deverá satisfazer $\text{Upper bound} \leq 1$ e $\text{Lower bound} \geq -1$.

Definindo configurações de gráfico de bolhas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de meta > Resultados contínuos ou resultados binários > Dados brutos... ou Tamanho do efeito pré-calculado...

ou

Analisar > Metanálise > Metarregressão

2. No diálogo **Metanálise**, clique em **Criar gráfico** e em seguida, clique na guia **Gráfico de bolhas**.
3. Selecione e defina as configurações de gráfico de bolhas apropriadas.
4. Clique em **Continuar**.

Gráfico de funil

A guia **Gráfico de funil** fornece configurações para controlar gráficos de plot de funil que são exibidos na saída para metanálise, com resultados contínuos e binários quando dados brutos e dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Gráfico de funil

A configuração opcional ativa e desativa a saída de gráfico de funil. A configuração é desativada por padrão.

Valores de eixo Y

Controla os valores de eixo Y.

Erro padrão

Cria um gráfico do erro padrão.

Erro padrão inverso

Cria um gráfico do erro padrão inverso.

Variância

Cria gráfico da variação.

Variância inversa

Cria gráfico da variação inversa.

Intervalo de eixo X

Especifica a amplitude do gráfico do eixo X. Quando a configuração estiver ativada, dois valores numéricos deverão ser especificados e atender a $\text{Upper bound} > \text{Lower bound}$. Observe que os valores especificados se aplicam a todos os gráficos de funil.

Para metanálises com resultados binários, quando a configuração de **Tamanho do efeito** for definida como **Diferença de risco**, ela também deverá satisfazer $\text{Upper bound} \leq 1$ e $\text{Lower bound} \geq -1$.

Intervalo de eixo Y

Especifica a amplitude do gráfico do eixo Y. Quando a configuração estiver ativada, dois valores numéricos deverão ser especificados e atender a $\text{Upper bound} > \text{Lower bound} \geq 0$. Observe que os valores especificados se aplicam a todos os gráficos de funil.

Incluir estudos imputados com Cortar e preencher

Controla se os estudos imputados são incluídos no gráfico de funil quando a configuração **Estimar número de estudos ausentes** está ativada na caixa de diálogo **Cortar e preencher**. As configurações são desativadas por padrão, o que exclui os estudos imputados. Quando **Exibir tamanho do efeito geral dos estudos observados** é selecionado, uma linha de referência vertical que indica o tamanho do efeito geral estimado é adicionada. A configuração leva em conta os estudos observados e imputados.

Variáveis

Lista as variáveis de conjunto de dados disponíveis.

Rótulo

Opcionalmente, especifique uma variável sobre a qual o gráfico de funil é rotulado. A lista **Colocação** fornece opções de colocação automática de rótulo (**Automático**) ou de colocação **À direita, À esquerda, Na parte superior e Na parte inferior**.

Definindo configurações de gráfico de funil

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de meta > Resultados contínuos ou resultados binários > Dados brutos... ou Tamanho do efeito pré-calculado...

2. No diálogo **Metanálise**, clique em **Criar gráfico** e, em seguida, clique na guia **Gráfico de funil**.

3. Selecione e defina as configurações apropriadas de gráfico de funil.

4. Clique em **Continuar**.

Gráfico de Galbraith

A guia **Gráfico de Galbraith** fornece configurações para controlar gráficos de plot de Galbraith, que são exibidos na saída para metanálise, com resultados contínuos e binários quando dados brutos e dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

Gráfico de Galbraith

A configuração opcional ativa e desativa a saída do gráfico de bolhas. A configuração é desativada por padrão.

Exibir limites de intervalo de confiança

Controla a exibição de limites de intervalo de confiança. A configuração é ativada por padrão, o que inclui os limites de intervalo de confiança no gráfico de bolhas. Quando a configuração é desativada, os limites de intervalo de confiança não são incluídos no gráfico de bolhas.

Intervalo de eixo X

Especifica a amplitude do gráfico do eixo X. Quando a configuração estiver ativada, dois valores numéricos deverão ser especificados e atender a $\text{Upper bound} > \text{Lower bound} \geq 0$. Observe que os valores especificados se aplicam a todos os gráficos Galbraith.

Intervalo de eixo Y

Especifica a amplitude do gráfico do eixo Y. Quando a configuração estiver ativada, dois valores numéricos deverão ser especificados e atender a $\text{Upper bound} > \text{Lower bound}$. Observe que os valores especificados se aplicam a todos os gráficos Galbraith.

Variáveis

Lista as variáveis de conjunto de dados disponíveis.

Rótulo

Opcionalmente, especifique uma variável sobre a qual o gráfico de bolhas é rotulado. A lista **Colocação** fornece opções de colocação automática de rótulo (**Automático**) ou de colocação **À direita**, **À esquerda**, **Na parte superior** e **Na parte inferior**.

Definindo configurações de gráfico de Galbraith

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de meta > Resultados contínuos ou resultados binários > Dados brutos... ou Tamanho do efeito pré-calculado...

2. No diálogo **Metanálise**, clique em **Criar gráfico** e, em seguida, clique na guia **Gráfico de Galbraith**.

3. Selecione e defina as configurações de gráfico de Galbraith apropriadas.

4. Clique em **Continuar**.

Gráfico de L'Abbé

A guia **E plot de L'Abbé** fornece configurações para controlar os gráficos de e plot de L'Abbé, que são exibidos na saída para metanálise, com resultados contínuos e binários quando dados brutos e dados de tamanho do efeito pré-calculados são fornecidos no conjunto de dados ativo.

E plot de L'Abbé

A configuração opcional ativa e desativa a saída de e plot de L'Abbé. A configuração é desativada por padrão.

Desenhar pontos proporcionais às ponderações

Controla como os pontos são desenhados em relação às ponderações. A configuração é ativada por padrão, o que desenha os pontos proporcionais às ponderações. Quando a configuração é desativada, todos os pontos são desenhados do mesmo tamanho.

Linhas de referência

Tamanho geral do efeito

Controla a exibição da linha de referência que representa o tamanho geral estimado do efeito. A configuração é desativada por padrão, o que suprime a linha de referência. Essa linha é exibida quando a configuração é ativada.

Tamanho do efeito nulo

Controla a exibição da linha de referência que representa a ausência de efeitos. A configuração é ativada por padrão e exibe a linha de referência. Essa linha é suprimida quando a configuração não está ativada.

Intervalo de eixo X

Especifica a amplitude do gráfico do eixo X. Quando a configuração estiver ativada, dois valores numéricos deverão ser especificados e atender a $\text{Upper bound} > \text{Lower bound}$. Observe que os valores especificados se aplicam a todos os gráficos Galbraith.

Para metanálises com resultados binários, quando a configuração de **Tamanho do efeito** for definida como **Diferença de risco**, ela também deverá satisfazer $\text{Lower bound} \geq 0$ e $\text{Upper bound} \leq 1$. Quando a configuração **do tamanho do efeito** é definida como **Log Risk Ratio**, ela deve satisfazer $\text{Upper bound} \leq 0$.

Intervalo de eixo Y

Especifica a amplitude do gráfico do eixo Y. Quando a configuração estiver ativada, dois valores numéricos deverão ser especificados e atender a $\text{Upper bound} > \text{Lower bound}$. Observe que os valores especificados se aplicam a todos os gráficos Galbraith.

Para metanálises com resultados binários, quando a configuração de **Tamanho do efeito** for definida como **Diferença de risco**, ela também deverá satisfazer $\text{Lower bound} \geq 0$ e $\text{Upper bound} \leq 1$. Quando a configuração **do tamanho do efeito** é definida como **Log Risk Ratio**, ela deve satisfazer $\text{Upper bound} \leq 0$.

Variáveis

Lista as variáveis de conjunto de dados disponíveis.

Rótulo

Opcionalmente, especifique uma variável sobre a qual o gráfico de bolhas é rotulado. A lista **Colocação** fornece opções de colocação automática de rótulo (**Automático**) ou de colocação **À direita**, **À esquerda**, **Na parte superior** e **Na parte inferior**.

Definindo configurações de e plot de L'Abbé

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Análise de meta > Resultados contínuos ou resultados binários > Dados brutos...

2. No diálogo **Metanálise**, clique em **Criar gráfico** e em seguida, clique na guia **e plot de L'Abbé**.

3. Selecione e defina as configurações de e plot de L'Abbé apropriadas.

4. Clique em **Continuar**.

Livro de códigos

Codebook relata as informações de dicionário - como nomes de variáveis, rótulos de variáveis, rótulos de valor, valores omissos - e estatísticas básicas para todas ou somente as variáveis e conjuntos de respostas múltiplas especificados no conjunto de dados ativo. Para variáveis nominais e ordinais e conjuntos de múltiplas respostas, as estatísticas básicas incluem contagens e porcentagens. Para variáveis de escala, estatísticas básicas incluem a média, o desvio padrão e quartis.

Nota: o Codebook ignora o status de arquivo dividido. Isto inclui grupos de arquivo dividido criados para imputação múltipla de valores omissos (disponíveis na opção de complemento de Valores Omissos).

Para Obter um Codebook

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Relatórios > Codebook

2. Clique na guia Variáveis.

3. Selecione uma ou mais variáveis e/ou conjuntos de múltiplas respostas.

Como opção, você pode:

- Controlar as informações de variável que são exibidas.
- Controlar as estatísticas que são exibidas (ou excluir todas as estatísticas básicas).
- Controlar a ordem na qual as variáveis e os conjuntos de múltiplas respostas são exibidos.
- Alterar o nível de medição para qualquer variável na lista de origem para alterar as estatísticas básicas exibidas. Consulte o tópico [“Guia Estatísticas do Codebook” na página 85](#) para obter mais informações

Mudando o nível de medição

É possível alterar temporariamente o nível de medição para variáveis. (Não é possível alterar o nível de medição para conjuntos de múltiplas respostas. Eles são sempre tratados como nominais).

1. Clique com o botão direito em uma variável na lista de origem.
2. Selecione um nível de medição no menu pop-up.

Isso altera o nível de medição temporariamente. Em termos práticos, isso é útil apenas para variáveis numéricas. O nível de medição para variáveis de sequência de caracteres é restrito a nominal ou ordinal, que são tratadas da mesma forma pelo procedimento Codebook.

Guia Saída do Codebook

A guia Saída controla as informações de variáveis incluídas para cada variável e conjunto de múltiplas respostas, a ordem na qual as variáveis e conjuntos de múltiplas respostas são exibidos e o conteúdo da tabela de informações do arquivo opcional.

Informações da variável

Isso controla as informações do dicionário exibidas para cada variável.

Posição. Um número inteiro que representa a posição da variável na ordem do arquivo. Isso não está disponível para conjuntos de múltiplas respostas.

Rótulo. O rótulo descritivo associado à variável ou conjunto de múltiplas respostas.

Tipo. Tipo de dados fundamentais. Este é *Númérico*, *Sequência de Caracteres* ou *Conjunto de Múltiplas Respostas*.

Formato. O formato de exibição para a variável, como *A4*, *F8.2* ou *DATE11*. Isso não está disponível para conjuntos de múltiplas respostas.

Nível de medição. Os valores possíveis são *Nominal*, *Ordinal*, *Escala* e *Desconhecido*. O valor exibido é o nível de medição armazenado no dicionário e não é afetado por nenhuma substituição de nível de medição temporário especificado ao alterar o nível de medição na lista de variáveis de origem na guia Variáveis. Isso não está disponível para conjuntos de múltiplas respostas.

Nota: O nível de medição para variáveis numéricas pode ser "desconhecido" antes da primeira passagem de dados quando o nível de medição não tiver sido configurado explicitamente, como dados lidos a partir de uma origem externa ou variáveis recém-criadas. Veja o tópico para obter mais informações.

Função. Alguns diálogos suportam a capacidade de pré-selecionar variáveis para análise com base em papéis definidos.

Rótulo de valor. Rótulos descritivos associados a valores de dados específicos.

- Se Contagem ou Porcentagem for selecionado na guia Estatísticas, os rótulos de valor definidos serão incluídos na saída mesmo se você não selecionar rótulos de Valor aqui.
- Para conjuntos de múltiplas dicotomias, os "rótulos de valor" são os rótulos de variáveis para as variáveis elementares no conjunto ou os rótulos de valores contados, dependendo de como o conjunto estiver configurado. Consulte o tópico para obter mais informações.

Valores omissos. Valores omissos definidos pelo usuário. Se Contagem ou Porcentagem for selecionado na guia Estatísticas, os rótulos de valor definidos serão incluídos na saída, mesmo se você não selecionar Valores omissos aqui. Isso não está disponível para conjuntos de múltiplas respostas.

Atributos customizados. Atributos variáveis customizados definidos pelo usuário. A saída inclui os nomes e os valores para quaisquer atributos variáveis customizados associados a cada variável. Veja o tópico para obter mais informações. Isso não está disponível para conjuntos de múltiplas respostas.

Atributos reservados. Atributos de variáveis do sistema reservados. É possível exibir atributos de sistema, mas eles não deverão ser alterados. Os nomes dos atributos do sistema começam com um cifrão (\$). Atributos que não são de exibição, com nomes que começam com "@" ou "\$@", não são incluídos. A saída inclui os nomes e os valores para quaisquer atributos do sistema associados a cada variável. Isso não está disponível para conjuntos de múltiplas respostas.

Informações do arquivo

A tabela de informações do arquivo opcional pode incluir qualquer um dos seguintes atributos de arquivo:

Nome do arquivo. Nome do arquivo de dados do IBM SPSS Estatísticas . Se o conjunto de dados nunca tiver sido salvo no formato IBM SPSS Estatísticas , então não há nenhum nome do arquivo de dados. (Se não houver nenhum nome de arquivo exibido na barra de títulos da janela Editor de Dados, então o conjunto de dados ativo não possui um nome de arquivo).

Localização. Localização do diretório (pasta) do arquivo de dados IBM SPSS Estatísticas . Se o conjunto de dados nunca tiver sido salvo no formato IBM SPSS Estatísticas , então não há nenhuma localização.

Número de casos. Número de casos no conjunto de dados ativo. Este é o número total de casos, incluindo todos os casos que podem ser excluídos das estatísticas básicas devido às condições do filtro.

Rótulo. Esse é o rótulo do arquivo (se houver) definido pelo comando FILE LABEL .

Documentos. Texto do documento do arquivo de dados.

Status de ponderação. Se a ponderação estiver ativa, o nome da variável de ponderação será exibido. Consulte o tópico para obter mais informações.

Atributos customizados. Atributos de arquivo de dados customizados definidos pelo usuário. Atributos de arquivo de dados definidos com o comando DATAFILE ATTRIBUTE.

Atributos reservados. Atributos de arquivo de dados do sistema reservados. É possível exibir atributos de sistema, mas eles não deverão ser alterados. Os nomes dos atributos do sistema começam com um cifrão (\$) . Atributos que não são de exibição, com nomes que começam com "@" ou "\$@" , não são incluídos. A saída inclui os nomes e valores de quaisquer atributos de arquivo de dados do sistema.

Ordem de exibição da variável

As alternativas a seguir estão disponíveis para controlar a ordem na qual as variáveis e conjuntos de respostas múltiplas são exibidos.

Alfabética. Ordem alfabética por nome de variável.

Arquivo. A ordem na qual as variáveis aparecem no conjunto de dados (a ordem em que elas são exibidas no Editor de Dados). Na ordem ascendente, conjuntos de múltiplas respostas são exibidos por último, após todas as variáveis selecionadas.

Nível de medição. Ordenar por nível de medição. Isso cria quatro grupos de ordenação: nominais, ordinais, escala e desconhecido. Conjuntos de respostas múltiplas são tratados como nominais.

Nota: O nível de medição para variáveis numéricas pode ser "desconhecido" antes da primeira passagem de dados quando o nível de medição não tiver sido configurado explicitamente, como dados lidos a partir de uma origem externa ou variáveis recém-criadas.

Lista de variáveis. A ordem na qual as variáveis e os conjuntos de múltiplas respostas aparecem na lista de variáveis selecionadas na guia Variáveis.

Nome do atributo customizado. A lista de opções de ordenação também inclui os nomes de quaisquer atributos variáveis customizados definidos pelo usuário. Na ordem crescente, as variáveis que não tiverem o atributo são ordenadas para a parte superior, seguido por variáveis que possuem o atributo, mas nenhum valor definido para o atributo, seguido por variáveis com os valores definidos para o atributo em ordem alfabética dos valores.

Número máximo de categorias

Se a saída incluir rótulos de valor, contagens ou porcentagens para cada valor exclusivo, será possível suprimir essas informações da tabela se o número de valores exceder o valor especificado. Por padrão, essas informações são suprimidas se o número de valores exclusivos para a variável exceder 200.

Guia Estatísticas do Codebook

A guia Estatísticas permite controlar as estatísticas básicas que são incluídas na saída, ou suprimir a exibição de estatísticas básicas inteiramente.

Contagens e porcentagens

Para variáveis nominais e ordinais, conjuntos de múltiplas respostas e valores rotulados de variáveis de escala, as estatísticas disponíveis são:

Contagem. A contagem ou o número de casos que possuem cada valor (ou intervalo de valores) de uma variável.

Porcentagem. A porcentagem de casos que possuem um valor específico.

Dispersão e tendência central

Para variáveis de escala, as estatísticas disponíveis são:

Média. Uma medida de tendência central A média aritmética, a soma dividida pelo número de casos.

Desvio padrão. Medida de dispersão em torno da média. Em uma distribuição normal, 68% dos casos estão dentro de um desvio padrão da média e 95% dos casos estão dentro de dois desvios padrão. Por exemplo, se a idade média for 45, com um desvio padrão de 10, 95% dos casos estariam entre 25 e 65 em uma distribuição normal.

Quartis. Exibe os valores correspondentes aos 25°, 50° e 75° percentis.

Nota: É possível alterar temporariamente o nível de medição associado a uma variável (e, portanto, alterar as estatísticas básicas exibidas para essa variável) na lista de variáveis de origem na guia Variáveis.

Frequências

O procedimento Frequências fornece exibições estatísticas e gráficas que são úteis para descrever muitos tipos de variáveis. O procedimento Frequências é um bom lugar para começar a observar seus dados.

Para um relatório de frequência e um gráfico de barras, é possível organizar os valores distintos em ordem crescente ou decrescente, ou ordenar as categorias pelas suas frequências. O relatório de frequências pode ser suprimido quando uma variável possui muitos valores distintos. É possível rotular gráficos com frequências (o padrão) ou porcentagens.

Exemplo:

Qual é a distribuição de clientes de uma empresa por tipo de mercado? Na saída, você pode ver que 37,5% de seus clientes estão em agências do governo, 24,9% estão em empresas, 28,1% estão em instituições acadêmicas e 9,4% estão no segmento de mercado de assistência médica. Para dados quantitativos contínuos, como receita de vendas, você pode ver que a venda média do produto é \$3.576, com um desvio padrão de \$1.078.

Estatísticas e gráficos

Contagens de frequência, porcentagens e porcentagens cumulativas, média, mediana, modo, soma, desvio padrão, variância, intervalo, valores mínimo e máximo, erro padrão da média, assimetria e curtose (ambas com erros padrão), quartis, percentis especificados pelo usuário, gráficos de barras, gráficos de pizza e histogramas.

Considerações de dados

Dados

Utilize códigos ou sequências de caracteres numéricos para codificar variáveis categóricas (níveis de medição nominais ou ordinais).

Suposições

As tabulações e porcentagens fornecem uma descrição útil dos dados a partir de qualquer distribuição, especialmente para as variáveis com categorias ordenadas ou não ordenadas. A maioria das estatísticas básicas opcionais, como a média e o desvio padrão, baseia-se em teoria normal e é apropriada para variáveis quantitativas com distribuições simétricas. Estatísticas robustas, como a mediana, quartis e percentis, são apropriadas para variáveis quantitativas que podem ou não satisfazer a suposição de normalidade.

Obtendo tabelas de frequências

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Estatísticas Descritivas > Frequências...

2. Selecione um ou mais variáveis categóricas ou quantitativas.

3. Opcionalmente, selecione **Criar tabelas de estilo APA** para criar tabelas de saída que seguem as diretrizes de estilo APA.

4. Como opção, você pode:

- Clicar em **Estatísticas** para estatísticas descritivas para variáveis quantitativas.
- Clicar em **Gráficos** para gráficos de barras, gráficos de setores circulares e histogramas.
- Clicar em **Formatar** para a ordem na qual os resultados são exibidos.
- Clique em **Estilo** para especificar condições para mudar automaticamente as propriedades de tabelas dinâmicas com base em condições específicas.
- Clique em **Autoinicialização** para derivar estimativas robustas de erros padrão e intervalos de confiança para estimativas, como a média, mediana, proporção, razão de chances, coeficiente de correlação ou coeficiente de regressão. Ela também pode ser usada para construir testes de hipótese.

Estatísticas de Frequências

Valores de Percentil. Valores de uma variável quantitativa que dividem os dados ordenados em grupos de modo que uma determinada porcentagem esteja acima e outra porcentagem esteja abaixo. Quartis (os 25°, 50° e 75° percentis) dividem as observações em quatro grupos de tamanhos iguais. Se desejar um número igual de grupos diferente de quatro, selecione **Pontos de corte para n grupos iguais**. Também é possível especificar percentis individuais (por exemplo, o 95° percentil, o valor abaixo do qual 95% dos observações caem).

Tendência Central. As estatísticas que descrevem a localização da distribuição incluem a média, a mediana, o modo e a soma de todos os valores.

- *Média.* Uma medida de tendência central A média aritmética, a soma dividida pelo número de casos.
- *Median.* O valor acima e abaixo do qual metade dos casos cai, o 50th percentil. Se houver um número par de casos, a mediana é a média dos dois casos intermediários quando estão classificados em ordem crescente ou decrescente. A mediana é uma medida da tendência central não sensível a valores excessivos (ao contrário da média, que pode ser afetada por alguns valores extremamente altos ou baixos).
- *Modo.* O valor que ocorre com mais frequência. Se vários valores compartilharem a maior frequência da ocorrência, cada um deles será um modo. O procedimento Frequências relata apenas o menor desses diversos modos.
- *Sum.* A soma ou o total dos valores, em todos os casos com valores não omissos.

Dispersão. Estatísticas que medem a quantia de variação ou de dispersão nos dados incluem o desvio padrão, variância, intervalo, mínimo, máximo e o erro padrão da média.

- *Erro desvio.* Medida de dispersão em torno da média. Em uma distribuição normal, 68% dos casos estão dentro de um desvio padrão da média e 95% dos casos estão dentro de dois desvios padrão. Por exemplo, se a idade média for 45, com um desvio padrão de 10, 95% dos casos estariam entre 25 e 65 em uma distribuição normal.
- *Variância.* Uma medida de dispersão ao redor da média, igual à soma dos desvios quadrados da média dividido por um menor que o número de casos. A variância é medida em unidades que são o quadrado daquelas da própria variável.
- *Intervalo.* A diferença entre os valores maior e menor de uma variável numérica, o máximo menos o mínimo.
- *Mínimo.* O menor valor de uma variável numérica.

- *Máximo*. O maior valor de uma variável numérica.
- *S. E. média*. Uma medida de quanto o valor da média pode variar de amostra para amostra obtida da mesma distribuição. Ela pode ser utilizada para comparar aproximadamente a média observada com um valor hipotético (ou seja, é possível concluir que os dois valores serão diferentes se a razão da diferença com o erro padrão for inferior a -2 ou superior a +2).
- *CV*. A razão do desvio padrão com a média. Os valores são expressos como porcentagens.

Distribuição. Assimetria e curtose são estatísticas que descrevem a forma e a simetria da distribuição. Essas estatísticas são exibidas com seus erros padrão.

- *Assimetria*. Uma medida da assimetria de uma distribuição. A distribuição normal é simétrica e tem um valor de assimetria de 0. Uma distribuição com assimetria positiva significativa tem um longo rodapé direito. Uma distribuição com assimetria negativa significativa tem um longo rodapé esquerdo. Como uma orientação, um valor de assimetria mais de duas vezes seu erro padrão é obtido para indicar uma partida de simetria.
- *Curtose*. Uma medida da extensão até a qual há valores discrepantes. Para a uma distribuição normal, o valor da estatística da curtose é zero. A curtose positiva indica que os dados exibem mais valores discrepantes que uma distribuição normal. A curtose negativa indica que os dados exibem menos valores discrepantes extremos do que uma distribuição normal. A definição de curtose que é usada, em que o valor é de 0 para uma distribuição normal, é, às vezes, referida como excesso de curtose. Alguns softwares podem reportar curtose tal que o valor é 3 para uma distribuição normal.

Os valores são pontos médios do grupo. Se os valores em seus dados forem pontos médios de grupos (por exemplo, idades de todas as pessoas com mais de trinta são codificadas como 35), selecione essa opção para estimar a mediana e os percentis para os dados originais não agrupados.

Gráficos de Frequências

Nota: Os gráficos não são produzidos na saída quando **Executar autoinicialização** está ativado no diálogo Autoinicialização.

Tipo de gráfico

Um gráfico de pizza exibe a contribuição de partes para um todo. Cada fatia de um gráfico de pizza corresponde a um grupo que é definido por uma variável de agrupamento única. Um gráfico de barras exibe a contagem para cada valor ou categoria distinta como uma barra separada, permitindo comparar categorias visualmente. Um histograma também possui barras, mas eles são representados ao longo de uma escala de intervalo igual. A altura de cada barra é a contagem de valores de uma variável quantitativa que caem no intervalo. Um histograma mostra a forma, o centro e a dispersão da distribuição. Uma curva normal sobreposta em um histograma ajuda a avaliar se os dados são normalmente distribuídos.

Valores do gráfico

Para gráficos de barras, o eixo de escala pode ser rotulado por contagens ou porcentagens de frequência.

Formato de Frequências

Ordenar por. A tabela de frequências pode ser organizada de acordo com os valores reais nos dados ou de acordo com a contagem (frequência de ocorrência) desses valores, e pode ser organizada em uma ordem crescente ou decrescente. No entanto, se você solicitar um histograma ou percentis, Frequências supõe que a variável é quantitativa e exibe seus valores em ordem crescente.

Diversas Variáveis. Se você produzir tabelas de estatísticas para variáveis múltiplas, será possível exibir todas as variáveis em uma única tabela (**Comparar variáveis**) ou exibir uma tabela de estatísticas separada para cada variável (**Organizar saída por variáveis**).

Suprimir tabelas com muitas categorias. Esta opção impede a exibição de tabelas com mais do que o número especificado de valores.

Descritivas

O procedimento Descritivos exibe estatísticas básicas univariadas de diversas variáveis em uma única tabela e calcula valores padronizados (escores z). As variáveis podem ser classificadas pelo tamanho de suas médias (em ordem crescente ou decrescente), em ordem alfabética ou pela ordem na qual você seleciona as variáveis (o padrão).

Quando escores z são salvos, eles são incluídos nos dados no Editor de Dados e estão disponíveis para gráficos, listagens de dados e análises. Quando as variáveis são gravadas em unidades diferentes (por exemplo, produto interno bruto per capita e em porcentagem), uma transformação de escore z colocará as variáveis em uma escala comum para facilitar a comparação visual.

Exemplo. Se cada caso em seus dados contiver os totais de vendas diários de cada membro da equipe de vendas (por exemplo, uma entrada para Bob, uma entrada para Kim e uma entrada para Brian) coletados diariamente durante vários meses, o procedimento Descritivos poderá calcular a média diária de vendas para cada membro da equipe e ordenar os resultados de vendas médias mais altas para vendas médias mais baixas.

Estatísticas. Tamanho da amostra, média, mínimo, máximo, desvio padrão, variância, intervalo, soma, erro padrão da média e curtose e assimetria com seus erros padrão.

Considerações de Dados Descritivos

Dados. Utilize variáveis numéricas após verificá-las graficamente para registrar erros, valores discrepantes e anomalias de distribuição. O procedimento Descritivos é muito eficiente para arquivos grandes (milhares de casos).

Suposições. A maioria das estatísticas disponíveis (incluindo escores z) baseia-se em teoria normal e é apropriada para variáveis quantitativas (medidas de nível de intervalo ou de razão) com distribuições simétricas. Evite variáveis com categorias não ordenadas ou distribuições defasadas. A distribuição de escores z possui a mesma forma que a dos dados originais, portanto, calcular escores z não é uma correção para dados de problema.

Para Obter Estatísticas Descritivas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Estatísticas Descritivas > Descritivos...

2. Selecione uma ou mais variáveis.

Como opção, você pode:

- Selecionar **Salvar valores padronizados como variáveis** para salvar escores z como novas variáveis.
- Clicar em **Opções** para estatísticas opcionais e a ordem de exibição.

Opções Descritivas

Média e Soma. A média, ou média aritmética, é exibida por padrão.

Dispersão. Estatísticas que medem a dispersão ou a variação nos dados incluem o desvio padrão, variância, intervalo, mínimo, máximo e o erro padrão da média.

- *Erro desvio.* Medida de dispersão em torno da média. Em uma distribuição normal, 68% dos casos estão dentro de um desvio padrão da média e 95% dos casos estão dentro de dois desvios padrão. Por exemplo, se a idade média for 45, com um desvio padrão de 10, 95% dos casos estariam entre 25 e 65 em uma distribuição normal.
- *Variância.* Uma medida de dispersão ao redor da média, igual à soma dos desvios quadrados da média dividido por um menor que o número de casos. A variância é medida em unidades que são o quadrado daquelas da própria variável.
- *Intervalo.* A diferença entre os valores maior e menor de uma variável numérica, o máximo menos o mínimo.
- *Mínimo.* O menor valor de uma variável numérica.

- **Máximo.** O maior valor de uma variável numérica.
- **Média S.E.** Uma medida de quanto o valor da média pode variar de amostra para amostra obtida da mesma distribuição. Ela pode ser utilizada para comparar aproximadamente a média observada com um valor hipotético (ou seja, é possível concluir que os dois valores serão diferentes se a razão da diferença com o erro padrão for inferior a -2 ou superior a +2).
- **CV.** A razão do desvio padrão com a média. Os valores são expressos em porcentagens.

Distribuição. Curtose e assimetria são estatísticas que caracterizam a forma e a simetria da distribuição. Essas estatísticas são exibidas com seus erros padrão.

- **Curtose.** Uma medida da extensão até a qual há valores discrepantes Para a uma distribuição normal, o valor da estatística da curtose é zero. A curtose positiva indica que os dados exibem mais valores discrepantes que uma distribuição normal. A curtose negativa indica que os dados exibem menos valores discrepantes extremos do que uma distribuição normal. A definição de curtose que é usada, em que o valor é de 0 para uma distribuição normal, é, às vezes, referida como excesso de curtose. Alguns softwares podem reportar curtose tal que o valor é 3 para uma distribuição normal.
- **Assimetria.** Uma medida da assimetria de uma distribuição A distribuição normal é simétrica e tem um valor de assimetria de 0. Uma distribuição com assimetria positiva significativa tem um longo rodapé direito. Uma distribuição com assimetria negativa significativa tem um longo rodapé esquerdo. Como uma orientação, um valor de assimetria mais de duas vezes seu erro padrão é obtido para indicar uma partida de simetria.

Ordem de Exibição. Por padrão, as variáveis são exibidas na ordem em que elas forem selecionadas. Opcionalmente, é possível exibir as variáveis em ordem alfabética, por médias crescentes ou por médias decrescentes.

Recursos Adicionais do Comando DESCRIPTIVES

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Salvar escores padronizados (escores z) para algumas, mas não todas as variáveis (com o subcomando VARIABLES).
- Especificar nomes para novas variáveis que contêm os escores padronizados (com o subcomando VARIABLES).
- Excluir da análise casos com valores omissos para qualquer variável (com o subcomando MISSING).
- Ordenar as variáveis na exibição pelo valor de quaisquer estatísticas, não apenas pela média (com o subcomando SORT).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Percentis

O procedimento Percentis exibe tabelas de percentis..

Valores de percentis

Ao selecionar **Valores de Percentil**, por padrão, exibe os valores para os 5th, 10th, 25th, 50th, 75th, 90th e 95th percentis. Valores de uma variável quantitativa que dividem os dados ordenados em grupos de modo que uma determinada porcentagem esteja acima e outra porcentagem esteja abaixo.

Quartis

Quartis (os 25º, 50º e 75º percentis) dividem as observações em quatro grupos de tamanhos iguais.

Customizado

Ao selecionar **Customizado**, insira pelo menos um valor para executar a análise. Os valores de entrada devem ser um número no intervalo de 0 a 100. Use os botões **Incluir**, **Alterar** **Remover** para trabalhar com os valores na lista de valores de percentil.

Método de percentil

Por padrão, o método HAVERAGE é selecionado para calcular percentis.

Obtendo tabelas de percentil

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Estatísticas Descritivas > Percentis ..

2. Selecione uma ou mais variáveis numéricas e mova-as para o campo Variáveis.

3. Selecione **Valores de percentil** para especificar valores para calcular o percentil.

4. Selecione **Método Percentil** para selecionar o método de cálculo de percentual.

5. Como opção, você pode:

- Clique em **Ausente**, para controlar o tratamento de valores omissos.
- Clique em **Bootstrap** para derivar estimativas robustas de erros padrão e intervalos de confiança para estimativas de percentuais.

Valores omissos de percentis

Valores omissos

Controla o tratamento de valores omissos.

Excluir casos de método listwise

Os casos com valores omissos para qualquer variável especificada são excluídos de todas as análises. Esse é o padrão.

Por variável

Excluir casos com valores omissos em uma base variável por variável.

Explorar

O procedimento Explorar produz estatísticas básicas e exibições gráficas, tanto para todos os casos ou separadamente para grupos de casos. Há muito motivos para utilizar o procedimento Explorar - triagem de dados, identificação de valor discrepante, descrição, verificação de suposição e caracterização das diferenças entre as subpopulações (grupos de casos). A triagem de dados pode mostrar presença de valores incomuns, valores extremos e intervalos nos dados, ou outras peculiaridades. Explorar os dados pode ajudar a determinar se as técnicas de estatísticas que estiverem sendo consideradas para análise de dados são apropriadas. A exploração poderá indicar uma necessidade de transformar os dados se a técnica requerer uma distribuição normal. Ou você pode decidir necessidade de testes não paramétricos.

Exemplo, Observe a distribuição dos tempos de aprendizagem em labirinto dos ratos em quatro diferentes planejamentos de reforço de aprendizado. Para cada um dos quatro grupos, é possível ver se a distribuição de tempos é aproximadamente normal e se as quatro variâncias são iguais. Também é possível identificar os casos com os cinco maiores e os cinco menores tempos. Os boxplots e gráficos de ramos e folhas resumem graficamente a distribuição dos tempos de aprendizado para cada um dos grupos.

Estatísticas e gráficos. Média, mediana, 5% da média aparada, erro padrão, variância, desvio padrão, mínimo, máximo, intervalo, amplitude interquartil, assimetria e curtose e seus erros padrão, intervalo de confiança para a média (e o nível de confiança especificado), percentis, estimador M de Huber, estimador de onda de Andrews, estimador M redescendente de Hampel, estimador de bponderação de Tukey, os cinco maiores e os cinco menores valores, estatística de Kolmogorov-Smirnov com um nível de significância de Lilliefors para teste de normalidade, e a estatística de Shapiro-Wilk. Boxplots, gráficos de ramos e folhas, histogramas, gráficos de normalidade e gráficos de dispersão versus nível com testes e transformações de Levene.

Considerações de Explorar Dados

Dados. O procedimento Explorar pode ser utilizado para variáveis quantitativas (medidas de nível de intervalo ou razão). Uma variável de fator (utilizada para dividir os dados em grupos de casos) deve ter um número razoável de valores distintos (categorias). Estes valores podem ser sequência curta ou numéricos. A variável de rótulo case, utilizada para rotular valores discrepantes em boxplots, pode ser uma sequência curta, uma sequência longa (primeiros 15 bytes) ou numérica.

Suposições. A distribuição dos dados não precisa ser simétrica ou normal.

Para Explorar Seus Dados

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Estatísticas Descritivas > Explorar...

2. Selecione uma ou mais variáveis dependentes.

Como opção, você pode:

- Selecionar uma ou mais variáveis de fator, cujos valores definirão grupos de casos.
- Selecionar uma variável de identificação para rotular casos.
- Clicar em **Estatísticas** para estimadores robustos, valores discrepantes, percentis e tabelas de frequência.
- Clicar em **Gráficos** para histogramas, gráficos e testes de probabilidade normal e gráficos de dispersão versus nível com estatísticas de Levene.
- Clicar em **Opções** para o tratamento de valores omissos.

Explorar Estatísticas

Descritivos. Essas medidas de tendência central e de dispersão são exibidas por padrão. As medidas de tendência central indicam a localização da distribuição; elas incluem a média, a mediana e 5% da média aparada. As medidas de dispersão mostram a dissimilaridade dos valores; essas incluem erro padrão, variância, desvio padrão, mínimo, máximo, intervalo e a amplitude interquartil. As estatísticas descritivas também incluem medidas da forma da distribuição; assimetria e curtose são exibidas com seus erros padrão. O intervalo de confiança de nível de 95% para a média também é exibido; é possível especificar um nível de confiança diferente.

Estimadores M. Alternativas robustas para a média e mediana da amostra para estimar a localização. Os estimadores que são calculados diferem nos pesos que eles aplicam aos casos. Estimador M de Huber, o estimador de onda de Andrews, o estimador-M redescendente de Hampel e o estimador de biponderação de Tukey.

Valores Discrepantes. Exibe os cinco maiores e os cinco menores valores com rótulos case.

Percentis

O procedimento Percentis exibe tabelas de percentis.. Ao selecionar **Percentil**, por padrão, exibe os valores para os percentis 5th, 10th, 25th, 50th, 75th, 90th e 95th . Valores de uma variável quantitativa que dividem os dados ordenados em grupos de modo que uma determinada porcentagem esteja acima e outra porcentagem esteja abaixo.

Quartis

Quartis (os 25º, 50º e 75º percentis) dividem as observações em quatro grupos de tamanhos iguais.

Customizado

Ao selecionar **Customizado**, insira pelo menos um valor para executar a análise. Os valores de entrada devem ser um número no intervalo de 0 a 100. Use os botões **Incluir**, **Alterar** **Remover** para trabalhar com os valores na lista de valores de percentil.

Método

Por padrão, o método HAVERAGE é selecionado para calcular percentis.

Explorar Gráficos

Boxplots. Essas alternativas controlam a exibição de boxplots quando tiver mais de uma variável dependente. **Níveis do fator juntos** gera uma exibição separada para cada variável dependente. Em uma exibição, boxplots são mostrados para cada um dos grupos definidos por uma variável de fator.

Dependentes juntos gera uma exibição separada para cada grupo definido por uma variável de fator. Em uma exibição, boxplots são mostrados lado a lado para cada uma das variáveis dependentes. Esta

exibição é particularmente útil quando as diferentes variáveis representam uma única característica medida em momentos diferentes.

Descritivo. O grupo Descritivo permite escolher gráficos de ramos e folhas e histogramas.

Gráficos de normalidade com testes. Exibe gráficos de probabilidade normal e de probabilidade normal de tendência. A estatística de Kolmogorov-Smirnov, com um nível de significância de Lilliefors para teste de normalidade, é exibida. Se ponderações de não número inteiro forem especificadas, a estatística de Shapiro-Wilk será calculada quando o tamanho da amostra ponderada estiver entre 3 e 50. Para nenhuma ponderação ou ponderações de número inteiro, a estatística é calculada quando o tamanho da amostra ponderada estiver entre 3 e 5.000.

Dispersão vs. Nível com Teste de Levene. Controla a transformação de dados para gráficos de dispersão versus nível. Para todos os gráficos de dispersão versus nível, a inclinação da linha de regressão e os testes robustos de Levene para a homogeneidade da variância são exibidos. Se selecionar uma transformação, testes de Levene terão como base os dados transformados. Se nenhuma variável de fator for selecionada, os gráficos de dispersão versus nível não serão produzidos. **Estimação de potência** produz um gráfico dos logs naturais das amplitudes interquartis com relação aos logs naturais das medianas para todas as células, bem como uma estimativa da transformação de potência para alcançar variâncias iguais nas células. Um gráfico de dispersão versus nível ajuda a determinar a potência de uma transformação para estabilizar (tornar mais igual) variâncias entre os grupos. **Transformado** permite selecionar uma das alternativas de potência, talvez seguindo a recomendação da estimativa de potência, e produz gráficos de dados transformados. A amplitude interquartil e a mediana dos dados transformados são representados. **Não transformado** produz gráficos de dados brutos. Isso é equivalente a uma transformação com uma potência de 1.

Explorar Transformações de Potência

Estas são as transformações de potência para gráficos de dispersão versus nível. Para transformar dados, deve-se selecionar uma potência para a transformação. É possível escolher uma das seguintes alternativas:

- **Logarítmica natural.** Transformação de log natural. Este é o padrão.
- **1/raiz quadrada.** Para cada valor de dados, o recíproco da raiz quadrada é calculado.
- **Recíproco.** O recíproco de cada valor de dados é calculado.
- **Raiz quadrada.** A raiz quadrada de cada valor de dados é calculada.
- **Quadrado.** Cada valor de dados é elevado ao quadrado.
- **Cubo.** Cada valor de dados é elevado ao cubo.

Opções de Exploração

Valores omissos. Controla o tratamento de valores omissos.

- **Excluir listwise dos casos.** Casos com valores omissos para qualquer variável dependente ou de fator são excluídos de todas as análises. Esse é o padrão.
- **Excluir casos entre pares.** Casos sem valores omissos para variáveis em um grupo (célula) serão incluídos na análise desse grupo. O caso pode ter valores omissos para variáveis utilizadas em outros grupos.
- **Valores de relatório.** Valores omissos para variáveis de fator são tratados como uma categoria separada. Toda a saída é produzida para esta categoria adicional. Tabelas de frequência incluem categorias de valores omissos. Valores omissos de uma variável de fator são incluídos, mas rotulados como omissos.

Recursos Adicionais do Comando EXAMINE

O procedimento Explorar utiliza a sintaxe de comando do EXAMINE. O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Solicitar saída total e gráficos, além de saída e gráficos para grupos definidos pelas variáveis de fator (com o subcomando TOTAL).
- Especificar uma escala comum para um grupo de boxplots (com o subcomando SCALE).
- Especificar as interações de variáveis de fator (com o subcomando VARIABLES).
- Especificar percentis diferentes dos padrões (com o subcomando PERCENTILES).
- Calcular percentis de acordo com qualquer um dos cinco métodos (com o subcomando PERCENTILES).
- Especificar qualquer transformação de potência para gráficos de dispersão versus nível (com o subcomando PLOT).
- Especificar o número de valores extremos a serem exibidos (com o subcomando STATISTICS).
- Especificar parâmetros para os estimadores M e estimadores robustos de localização (com o subcomando MESTIMATORS).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Tabulações cruzadas

O procedimento Crosstabs forma tabelas de dois fatores e de diversos fatores e fornece uma variedade de testes e medidas de associação para tabelas de dois fatores. A estrutura da tabela e se as categorias são ordenadas determinam qual teste ou medida utilizar.

Com exceção dos coeficientes gama parciais, as estatísticas e medições de associação de guias cruzadas são calculadas separadamente para cada tabela bidirecional. Se você especificar uma linha, uma coluna e um fator de estrato (variável de controle), o procedimento de Crosstabs criará um painel de estatísticas e de medidas associadas para cada valor do fator de estrato (ou uma combinação de valores para duas ou mais variáveis de controle). Por exemplo, se *gender* for um fator de estrato para uma tabela de *married* (sim, não) com relação a *life* (se a vida é excitante, rotineira ou monótona), os resultados de uma tabela de dois fatores para mulheres serão calculados separadamente dos resultados dos homens e impressos como painéis um seguido do outro.

Exemplo. É provável que clientes de pequenas empresas sejam mais rentáveis, em termos de vendas de serviços (por exemplo, treinamento e consultoria), do que clientes de empresas maiores? Em uma tabulação cruzada, é possível ver que a maioria das pequenas empresas (com menos de 500 funcionários) gera altos lucros de serviço, ao passo que a maioria das grandes empresas (com mais de 2.500 funcionários) gera menos lucros de serviço.

Estatísticas e medidas de associação. Qui-quadrado de Pearson, qui-quadrado de razão de verossimilhança, teste de associação linear por linear, teste exato de Fisher, qui-quadrado corrigido de Yates, *r* de Pearson, *r*ô de Spearman, coeficiente de contingência, *fi*, *V* de Cramér, lambdas simétrica e assimétrica, tau de Goodman e Kruskal, coeficiente de incerteza, gama, *d* de Somers, tau-*b* e tau-*c* de Kendall, coeficiente *eta*, kappa de Cohen, estimativa de risco relativa, razão de chances, teste de McNemar, estatísticas de Cochran e Mantel-Haenszel e estatísticas de proporções da coluna.

Considerações de Dados de Crosstabs

Dados. Para definir as categorias de cada variável de tabela, use valores de uma variável numérica ou de string. Por exemplo, para *gender*, é possível codificar os dados como 1 e 2 ou como *male* e *female*.

Suposições. Algumas estatísticas e medidas assumem categorias ordenadas (dados ordinais) ou valores quantitativos (dados de intervalo ou de proporção), conforme discutido na seção sobre estatísticas. Outras são válidas quando as variáveis da tabela possuem categorias não ordenadas (dados nominais). Para as estatísticas baseadas em qui-quadrado (*fi*, *V* de Cramér e o coeficiente de contingência), os dados devem ser uma amostra aleatória de uma distribuição multinomial.

Nota: As variáveis ordinais podem ser códigos numéricos que representam categorias (por exemplo, 1 = *low*, 2 = *medium*, 3 = *high*) ou valores de sequência de caracteres. Entretanto, a ordem alfabética dos valores de sequência de caracteres é assumida para refletir a ordem real das categorias. Por exemplo, para uma variável de sequência de caracteres com os valores *low*, *medium*, *high*, a ordem das categorias é interpretada como *high*, *low*, *medium* - que não é a ordem correta. Em geral, é mais confiável usar códigos numéricos para representar dados ordinais.

Para Obter Tabulações Cruzadas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Estatísticas Descritivas > Crosstabs...

2. Selecione uma ou mais variáveis de linha e de uma ou mais variáveis de coluna.

Como opção, você pode:

- Selecionar uma ou mais variáveis de controle.
- Clicar em **Estatísticas** para os testes e medidas de associação para tabelas ou subtabelas de dois fatores.
- Clicar em **Células** para obter valores observados e esperados, porcentagens e resíduos.
- Clicar em **Formatar** para controlar a ordem das categorias.

Camadas de Crisstabs

Se selecionar uma ou mais variáveis da camada, uma tabulação cruzada separada será produzida para cada categoria de cada variável de camada (variável de controle). Por exemplo, se tiver uma variável de linha, uma variável da coluna e uma variável de camada com duas categorias, você obterá uma tabela de dois fatores para cada categoria da variável de camada. Para criar outra camada de variáveis de controle, clique em **Avançar**. Subtabelas são produzidas para cada combinação de categorias para cada variável de primeira camada, para cada variável segunda camada, e assim por diante. Se estatísticas e medidas de associação forem solicitadas, elas se aplicarão a apenas subtabelas de dois fatores.

Gráfico de barras agrupadas de Crosstabs

Exibir gráficos de barras agrupadas. Um gráfico de barras agrupadas ajuda a sumarizar seus dados para grupos de casos. Há um cluster de barras para cada valor da variável que você especificou em Linhas. A variável que define as barras dentro de cada cluster é a variável que você especificou em Colunas. Há um conjunto de barras coloridas ou padronizadas de forma diferente para cada valor dessa variável. Se você especificar mais de uma variável em Colunas ou Linhas, um gráfico de barras agrupadas será produzido para cada combinação de duas variáveis.

Crosstabs exibindo variáveis de camada em camadas da tabela

Exibir variáveis de camada nas camadas da tabela. É possível optar por exibir as variáveis de camada (variáveis de controle) como camadas da tabela na tabela de tabulação cruzada. Isso permite criar visualizações que mostram as estatísticas gerais das variáveis de linha e da coluna, além de realizar drill down nas categorias das variáveis da camada.

Um exemplo que utiliza o arquivo de dados *demo.sav* (disponível no diretório de Amostras do diretório de instalação) é mostrado abaixo e foi obtido conforme a seguir:

1. Selecione *Categoria de renda em milhares (inccat)* como a variável de linha, *Possui PDA (ownpda)* como a variável de coluna e *Nível de Educação (ed)* como a variável de camada.
2. Selecione **Exibir variáveis de camada em camadas da tabela**.
3. Selecione **Coluna** no subdiálogo Exibição de Célula.
4. Execute o procedimento Crosstabs, clique duas vezes na tabela de tabulação cruzada e selecione **Ensino superior** na lista suspensa Nível de educação.

A visualização selecionada da tabela de tabulação cruzada mostra as estatísticas dos respondentes que tiverem ensino superior.

Estatísticas de Crosstabs

Qui-quadrado. Para tabelas com duas linhas e duas colunas, selecione **Qui-quadrado** para calcular o qui-quadrado de Pearson, o qui-quadrado de razão de verossimilhança, o teste exato de Fisher e o qui-quadrado corrigido de Yates (correção de continuidade). Para tabelas 2×2 , o teste exato de Fisher

é calculado quando uma tabela que não resulta de linhas ou colunas ausentes em uma tabela maior tem uma célula com uma frequência esperada menor que 5. O qui-quadrado corrigido de Yates é calculado para todas as outras tabelas 2×2 . Para tabelas com qualquer número de linhas e colunas, selecione **Qui-quadrado** para calcular o qui-quadrado de Pearson e o qui-quadrado de razão de verossimilhança. Quando ambas as variáveis da tabela são quantitativas, **Qui-quadrado** produz o teste de associação linear por linear.

Correlações. Para tabelas nas quais as linhas e colunas contêm valores ordenados, **Correlações** gera o coeficiente de correlação e o r de Spearman (somente dados numéricos). O r de Spearman é uma medida da associação entre ordens de ranqueamento. Quando as variáveis de tabela (fatores) são quantitativas, **Correlações** gera o coeficiente de correlação de Pearson, r , que é uma medida de associação linear entre as variáveis.

Nominal. Para dados nominais (nenhuma ordem intrínseca, como católica, protestante e judaica), é possível selecionar **Coeficiente de contingência**, **Phi** (coeficiente) e **V de Cramér**, **Lambda** (lambdas simétricos e assimétricos e tau de Goodman e Kruskal, e **Coeficiente de incerteza**.

- *Coeficiente de contingência.* Uma medida de associação com base em qui-quadrado. O valor varia entre 0 e 1, com 0 indicando nenhuma associação entre as variáveis de linha e de coluna e valores próximos de 1 indicando um alto grau de associação entre as variáveis. O valor máximo possível depende do número de linhas e de colunas em uma tabela.
- *Phi e V de Cramer.* Phi é uma medida de associação baseada em qui-quadrado que envolve dividir a estatística qui-quadrado pelo tamanho da amostra e obter a raiz quadrada do resultado. V de Cramer é uma medida de associação baseada em qui-quadrado.
- *Lambda.* Uma medida de associação que reflete a redução proporcional no erro quando valores da variável independente são usados para prever valores da variável dependente. Um valor de 1 significa que a variável independente prediz perfeitamente a variável dependente. Um valor 0 significa que a variável independente não ajuda a prever a variável dependente.
- *Coeficiente de incerteza.* Uma medida de associação que indica a redução proporcional no erro quando valores de uma variável são usados para prever valores da outra variável. Por exemplo, um valor de 0,83 indica que o conhecimento de uma variável reduz em 83% o erro ao prever valores da outra variável. O programa calcula ambas as versões simétrica e assimétrica do coeficiente de incerteza.

Ordinal. Para tabelas nas quais as linhas e colunas contêm valores ordenados, selecione **Gama** (ordem zero para tabelas de dois fatores e condicional para tabelas de 3 a 10 fatores), **Tau-b de Kendall** e **Tau-c de Kendall**. Para categorias de coluna de predição a partir de categorias de linha, selecione **d de Somers**.

- *Gamma.* Uma medida simétrica de associação entre duas variáveis ordinais que varia entre -1 e 1. Valores próximos a um valor absoluto de 1 indicam um relacionamento forte entre as duas variáveis. Valores próximos a 0 indicam pouco ou nenhum relacionamento. Para tabelas de duas vias, gamas de ordem zero são exibidas. Para tabelas de 3 a n vias, gamas condicionais são exibidos.
- *d de Somers.* Uma medida de associação entre duas variáveis ordinais que varia entre -1 e 1. Valores próximos a um valor absoluto de 1 indicam uma relação forte entre as duas variáveis, e valores próximos a 0 indicam pouca ou nenhuma relação entre as variáveis. O d de Somers é uma extensão assimétrica de gama que difere apenas na inclusão do número de pares não relacionados à variável independente. Uma versão simétrica dessa estatística também é calculada.
- *Tau-b de Kendall.* Uma medida não paramétrica de correlação para variáveis ordinais ou classificadas que levam em conta os vínculos.. O sinal do coeficiente indica a direção do relacionamento e seu valor absoluto indica a intensidade, com os valores absolutos maiores indicando os relacionamentos mais fortes. Os valores possíveis variam de -1 a 1, mas um valor de -1 ou +1 pode ser obtido apenas a partir de tabelas quadradas.
- *Tau-c de Kendall.* Uma medida de associação não paramétrica para variáveis ordinais que ignoram laços. O sinal do coeficiente indica a direção do relacionamento e seu valor absoluto indica a intensidade, com os valores absolutos maiores indicando os relacionamentos mais fortes. Os valores possíveis variam de -1 a 1, mas um valor de -1 ou +1 pode ser obtido apenas a partir de tabelas quadradas.

Nominal por Intervalo. Quando uma variável é categórica e a outra é quantitativa, selecione **Eta**. A variável categórica deve ser codificada de forma numérica.

- **Eta.** Uma medida de associação que varia de 0 a 1, com 0 indicando nenhuma associação entre as variáveis de linha e coluna e valores próximos de 1 indicando um alto grau de associação. O Eta é apropriado para uma variável dependente medida em uma escala de intervalo (por exemplo, rendimento) e para uma variável independente com um número limitado de categorias (por exemplo, sexo). Dois valores de eta são calculados: um trata a variável de linha como a variável de intervalo, e o outro trata a variável de coluna como a variável de intervalo.

Kappa. O kappa de Cohen mede a concordância entre as avaliações de dois avaliadores quando ambos classificam o mesmo objeto. Um valor de 1 indica concordância perfeita. Um valor de 0 indica que a concordância não é melhor que a chance. O kappa é baseado em uma tabela quadrada na qual os valores da linha e da coluna representam a mesma escala. Qualquer célula que tenha observado valores para uma variável mas não para outra é atribuída uma contagem de 0. A Kappa não é computada se o tipo de armazenamento de dados (sequência de caracteres ou numérico) não for o mesmo para as duas variáveis. Para a variável de sequência de caracteres, ambas as variáveis devem ter o mesmo comprimento definido.

Risco. Para tabelas 2 x 2, uma medida da intensidade da associação entre a presença de um fator e a ocorrência de um evento. Se o intervalo de confiança para a estatística incluir um valor de 1, não será possível supor que o fator está associado ao evento. A razão de chances pode ser utilizada como uma estimativa ou risco relativo quando a ocorrência do fator for rara.

McNemar. Um teste não paramétrico para duas variáveis dicotômicas relacionadas. Testa as mudanças nas respostas usando a distribuição qui-quadrado. Ele é útil para detectar mudanças nas respostas devido à intervenção experimental em designs de "antes e depois". Para tabelas quadradas maiores, o teste de simetria de McNemar-Bowker é relatado.

Estatísticas de Cochran e Mantel-Haenszel. As estatísticas de Cochran e de Mantel-Haenszel podem ser usadas para testar a independência entre uma variável de fator dicotômica e uma variável de resposta dicotômica, condicional em padrões de covariáveis definidos por uma ou mais variáveis de camada (controle).. Observe que, enquanto outras estatísticas são calculadas camada por camada, as estatísticas de Cochran e Mantel-Haenszel são calculadas uma vez para todas as camadas.

Exibição da célula de Crosstabs

Para ajudar a descobrir padrões nos dados que contribuem com um teste qui-quadrado significativo, o procedimento Crosstabs exibe as frequências esperadas e três tipos de resíduos (desvios) que medem a diferença entre as frequências observadas e esperadas. Cada célula da tabela pode conter qualquer combinação de contagens, porcentagens e resíduos selecionados.

Contagens. O número de casos realmente observados e o número de casos esperados se as variáveis de linha e de coluna forem independentes umas das outras. É possível optar por ocultar contagens que forem menores que um número inteiro especificado. Os valores ocultos serão exibidos como $< N$, onde N é o inteiro especificado. O número inteiro especificado deve ser maior ou igual a 2, embora o valor 0 seja permitido e especifica que nenhuma contagem é ocultada.

Comparar proporções da coluna. Esta opção calcula as comparações entre pares de proporções da coluna e indica quais pares de colunas (para uma determinada linha) são significativamente diferentes. Diferenças significativas são indicadas na tabela de tabulação cruzada com formatação de estilo APA usando letras subscritas e são calculadas no nível de significância de 0,05. *Nota:* Se essa opção for especificada sem selecionar contagens observadas ou porcentagens de coluna, então as contagens observadas serão incluídas na tabela de tabulação cruzada, com as letras subscritas no estilo APA indicando os resultados dos testes de proporções da coluna.

- **Ajustar valores de p (método de Bonferroni).** Comparações entre pares de proporções da coluna utilizam a correção de Bonferroni, que ajusta o nível de significância observado para o fato de que diversas comparações são feitas.

Porcentagens. As porcentagens podem aumentar entre as linhas ou diminuir entre as colunas. As porcentagens do número total de casos representados na tabela (uma estrato) também estão disponíveis.

Nota: Se **Ocultar contagens pequenas** estiver selecionado no grupo Contagens, as porcentagens associadas a contagens ocultas também ficarão ocultas.

Residuais. Resíduos brutos não padronizados fornecem a diferença entre os valores observados e esperados. Resíduos padronizados e padronizados ajustados também estão disponíveis.

- *Não padronizado.* A diferença entre um valor observado e o valor esperado. O valor esperado é o número de casos que você esperaria na célula, se não houvesse nenhum relacionamento entre as duas variáveis. Um resíduo positivo indica que há mais casos na célula do que teria se as variáveis de linha e de coluna fossem independentes.
- *Padronizado.* O resíduo dividido por uma estimativa de seu desvio padrão. Resíduos padronizados, também conhecidos como resíduos de Pearson, possuem uma média de 0 e um desvio padrão de 1.
- *Ajustado padronizado.* O resíduo de uma célula (valor observado menos esperado) dividido por uma estimativa do seu erro padrão. O resíduo padronizado resultante é expresso em unidades de desvio padrão acima ou abaixo da média.

Criar tabela de estilo APA. Cria tabelas de saída que seguem as diretrizes de estilo APA.

Nota: As opções **Observado**, **Esperado**, **Linha**, **Coluna** e **Total** não estão disponíveis quando **Criar tabela de estilo APA** está selecionado.

Ponderações de Não Número Inteiro. As contagens de células são geralmente valores de números inteiros, já que eles representam o número de casos em cada célula. Mas se o arquivo de dados estiver atualmente ponderado por uma variável de ponderação com valores fracionários (por exemplo, 1,25), as contagens de células também poderão ser valores fracionários. É possível truncar ou arredondar antes ou depois de calcular as contagens de células ou utilizar contagens de células fracionárias para exibição de tabela e cálculos estatísticos.

- *Arredondar contagens de células.* As ponderações de caso são utilizadas no estado em que se encontram, e as ponderações acumuladas nas células são arredondadas antes de calcular quaisquer estatísticas.
- *Truncar contagens de células.* As ponderações de caso são utilizadas no estado em que se encontram, e as ponderações acumuladas nas células são truncadas antes de calcular quaisquer estatísticas.
- *Arredondar ponderações de caso.* As ponderações de caso são arredondadas antes do uso.
- *Truncar ponderações de caso.* As ponderações de caso são truncadas antes do uso.
- *Sem ajustes.* As ponderações de caso são usadas como estão e as contagens de células fracionárias são usadas. No entanto, quando Estatísticas exatas (disponíveis somente com Amostragem e teste) são solicitadas, as ponderações acumuladas nas células são truncadas ou arredondadas antes de calcular as estatísticas exatas do teste.

Formato de tabela de Crosstabs

É possível organizar as linhas em ordem crescente ou decrescente dos valores da variável de linha.

Resumir

O procedimento Sumarizar calcula estatísticas de subgrupo para variáveis dentro das categorias de uma ou mais variáveis de agrupamento. Todos os níveis da variável de agrupamento possuem tabulação cruzada efetuada. É possível escolher a ordem em que as estatísticas são exibidas. As estatísticas básicas de cada variável em todas as categorias também são exibidas. Os valores de dados em cada categoria podem ser listados ou suprimidos. Com conjuntos de dados grandes, é possível optar por listar apenas os primeiros *n* casos.

Exemplo, Qual é a quantia média de vendas de produtos por região e segmento de mercado do cliente? Você pode descobrir que a quantia média de vendas é ligeiramente mais elevada na região oeste do que em outras regiões, com clientes corporativos na região oeste produzindo uma quantia média mais alta de vendas.

Estatísticas. Soma, número de casos, média, mediana, mediana agrupada, erro padrão da média, mínimo, máximo, intervalo, valor da variável da primeira categoria da variável de agrupamento, valor da variável da última categoria da variável de agrupamento, desvio padrão, variância, curtose, erro padrão

da curtose, assimetria, erro padrão da assimetria, porcentagem da soma total, porcentagem do total de N , porcentagem da soma em, porcentagem de N em, média geométrica e média harmônica.

Considerações de Dados de Sumarização

Dados. Variáveis de agrupamento são variáveis categóricas cujos valores podem ser numéricos ou de sequência de caracteres. O número de categorias deve ser razoavelmente pequeno. As outras variáveis devem ser capazes de serem ranqueadas.

Suposições. Algumas das estatísticas de subgrupo opcionais, como a média e o desvio padrão, baseiam-se em teoria normal e são apropriadas para variáveis quantitativas com distribuições simétricas. Estatísticas robustas, como a mediana e o intervalo, são apropriadas para variáveis quantitativas que podem ou não satisfazer a suposição de normalidade.

Para Obter Sumarizações de Caso

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Relatórios > Sumarizações de Caso...

2. Selecione uma ou mais variáveis.

Como opção, você pode:

- Selecionar uma ou mais variáveis de agrupamento para dividir os dados em subgrupos.
- Clicar em **Opções** para alterar o título de saída, incluir uma legenda abaixo da saída ou excluir casos com valores omissos.
- Clicar em **Estatísticas** para estatísticas opcionais.
- Selecionar **Exibir casos** para listar os casos em cada subgrupo. Por padrão, o sistema listará somente os primeiros 100 casos em seu arquivo. É possível aumentar ou diminuir o valor para **Limitar casos aos primeiros n** ou cancele a seleção desse item na lista todos os casos.

Opções de Sumarização

A sumarização permite alterar o título de sua saída ou incluir uma legenda que aparecerá abaixo da tabela de saída. É possível controlar a quebra de linha em títulos e legendas digitando \n onde desejar inserir uma quebra de linha no texto.

Também é possível optar por exibir ou suprimir subtítulos para totais e incluir ou excluir casos com valores omissos para qualquer uma das variáveis utilizadas em qualquer uma das análises. Normalmente é desejável denotar os casos omissos na saída com um ponto ou um asterisco. Insira um caractere, frase ou código que você deseja que apareça quando um valor estiver omissos; caso contrário, nenhum tratamento especial será aplicado aos casos omissos na saída.

Estatísticas de Sumarização

É possível escolher uma ou mais das seguintes estatísticas de subgrupo para as variáveis dentro de cada categoria de cada variável de agrupamento: soma, número de casos, média, mediana, mediana agrupada, erro padrão da média, mínimo, máximo, intervalo, valor da variável da primeira categoria da variável de agrupamento, valor da variável da última categoria da variável de agrupamento, desvio padrão, variância, curtose, erro padrão da curtose, assimetria, erro padrão da assimetria, porcentagem da soma total, porcentagem do total de N , porcentagem da soma em, porcentagem de N em, média geométrica e média harmônica. A ordem na qual as estatísticas aparecem na lista de Estatísticas de Célula é a ordem na qual elas serão exibidas na saída. As estatísticas de sumarização também são exibidas para cada variável em todas as categorias.

First. Exibe o primeiro valor de dados encontrado no arquivo de dados.

Média Geométrica. A n -ésima raiz do produto dos valores de dados, em que n representa o número de casos.

Mediana Agrupada. Mediana que é calculada para dados codificados em grupos. Por exemplo, com dados de idade, se cada valor nos anos 30 for codificado como 35, cada valor nos anos 40 for codificado como 45, e assim por diante, a mediana agrupada será a média calculada a partir dos dados codificados.

média harmônica. Usado para estimar um tamanho médio do grupo quando os tamanhos de amostra nos grupos não são iguais.. A média harmônica é o número total de amostras dividido pela soma dos recíprocos dos tamanhos da amostra.

Curtose. Uma medida da extensão até a qual há valores discrepantes Para a uma distribuição normal, o valor da estatística da curtose é zero. A curtose positiva indica que os dados exibem mais valores discrepantes que uma distribuição normal. A curtose negativa indica que os dados exibem menos valores discrepantes extremos do que uma distribuição normal. A definição de curtose que é usada, em que o valor é de 0 para uma distribuição normal, é, às vezes, referida como excesso de curtose. Alguns softwares podem reportar curtose tal que o valor é 3 para uma distribuição normal.

Last. Exibe o último valor de dados encontrado no arquivo de dados.

Máximo. O maior valor de uma variável numérica.

Média. Uma medida de tendência central A média aritmética, a soma dividida pelo número de casos.

Median. O valor acima e abaixo do qual metade dos casos cai, o 50th percentil. Se houver um número par de casos, a mediana é a média dos dois casos intermediários quando estão classificados em ordem crescente ou decrescente. A mediana é uma medida da tendência central não sensível a valores excessivos (ao contrário da média, que pode ser afetada por alguns valores extremamente altos ou baixos).

Mínimo. O menor valor de uma variável numérica.

N. O número de casos (observações ou registros).

Percentual do N Total. Porcentagem do número total de casos em cada categoria.

Percentual da Soma total. Porcentagem da soma total em cada categoria.

Intervalo. A diferença entre os valores maior e menor de uma variável numérica, o máximo menos o mínimo.

Assimetria. Uma medida da assimetria de uma distribuição A distribuição normal é simétrica e tem um valor de assimetria de 0. Uma distribuição com assimetria positiva significativa tem um longo rodapé direito. Uma distribuição com assimetria negativa significativa tem um longo rodapé esquerdo. Como uma orientação, um valor de assimetria mais de duas vezes seu erro padrão é obtido para indicar uma partida de simetria.

Desvio padrão. Medida de dispersão em torno da média. Em uma distribuição normal, 68% dos casos estão dentro de um desvio padrão da média e 95% dos casos estão dentro de dois desvios padrão. Por exemplo, se a idade média for 45, com um desvio padrão de 10, 95% dos casos estariam entre 25 e 65 em uma distribuição normal.

Erro Padrão de Curtose. A razão entre a curtose e seu erro padrão pode ser usada como um teste de normalidade (ou seja, você pode rejeitar a normalidade se a razão for menor que -2 ou maior que +2). Um valor positivo grande para curtose indica que os rodapés da distribuição são maiores do que aqueles de uma distribuição normal, e um valor negativo para curtose indica rodapés mais curtos (como aqueles de uma distribuição uniforme em forma de caixa).

Erro padrão de média. Uma medida de quanto o valor da média pode variar de amostra para amostra obtida da mesma distribuição. Ela pode ser utilizada para comparar aproximadamente a média observada com um valor hipotético (ou seja, é possível concluir que os dois valores serão diferentes se a razão da diferença com o erro padrão for inferior a -2 ou superior a +2).

Erro Padrão de Assimetria. A razão entre a assimetria e seu erro padrão pode ser usada como um teste de normalidade (ou seja, você pode rejeitar a normalidade se a razão for menor que -2 ou maior que +2). Um valor positivo grande para assimetria indica um rodapé direito longo, e um valor negativo extremo indica um rodapé esquerdo longo.

Sum. A soma ou o total dos valores, em todos os casos com valores não omissos.

Variância. Uma medida de dispersão ao redor da média, igual à soma dos desvios quadrados da média dividido por um menor que o número de casos. A variância é medida em unidades que são o quadrado daquelas da própria variável.

Médias

O procedimento Médias calcula médias de subgrupo e estatísticas univariadas relacionadas para variáveis dependentes dentro das categorias de uma ou mais variáveis independentes. Opcionalmente, é possível obter uma análise de variância para um fator, eta e testes para linearidade.

Exemplo. Avalie a quantidade média de gordura absorvida por três tipos diferentes de óleo de cozinha, e execute uma análise de variância para um fator para ver se as médias diferem.

Estatísticas. Soma, número de casos, média, mediana, mediana agrupada, erro padrão da média, mínimo, máximo, intervalo, valor da variável da primeira categoria da variável de agrupamento, valor da variável da última categoria da variável de agrupamento, desvio padrão, variância, curtose, erro padrão da curtose, assimetria, erro padrão da assimetria, porcentagem da soma total, porcentagem do total de N , porcentagem da soma em, porcentagem de N em, média geométrica e média harmônica. As opções incluem análise de variância, eta, eta quadrado, e testes para linearidade R e R^2 .

Considerações de Dados de Médias

Dados. As variáveis dependentes são quantitativas, e as variáveis independentes são categóricas. Os valores de variáveis categóricas podem ser numéricos ou sequência de caracteres.

Suposições. Algumas das estatísticas de subgrupo opcionais, como a média e o desvio padrão, baseiam-se em teoria normal e são apropriadas para variáveis quantitativas com distribuições simétricas. Estatísticas robustas, como a mediana, são apropriadas para variáveis quantitativas que podem ou não satisfazer a suposição de normalidade. A análise de variância é robusta para partidas da normalidade, mas os dados em cada célula devem ser simétricos. A análise de variância também supõe que os grupos vêm de populações com variâncias iguais. Para testar essa suposição, use o teste de homogeneidade de variância de Levene, disponível no procedimento One-Way ANOVA.

Para Obter Médias de Subgrupo

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar Médias > Médias...

2. Selecione uma ou mais variáveis dependentes.

3. Use um dos seguintes métodos para selecionar variáveis independentes categóricas:

- Selecione uma ou mais variáveis independentes. Resultados separados são exibidos para cada variável independente.
- Selecione uma ou mais estratos para variáveis independentes. Cada estrato subdivide ainda mais a amostra. Se você tiver uma variável independente na Camada 1 e uma variável independente na Camada 2, os resultados serão exibidos em uma tabela cruzada, ao invés de tabelas separadas para cada variável independente.

4. Opcionalmente, clique em **Opções** para estatísticas opcionais, uma análise de tabela de variância, eta, eta quadrado, R e R^2 .

Opções de Médias

É possível escolher uma ou mais das seguintes estatísticas de subgrupo para as variáveis dentro de cada categoria de cada variável de agrupamento: soma, número de casos, média, mediana, mediana agrupada, erro padrão da média, mínimo, máximo, intervalo, valor da variável da primeira categoria da variável de agrupamento, valor da variável da última categoria da variável de agrupamento, desvio padrão, variância, curtose, erro padrão da curtose, assimetria, erro padrão da assimetria, porcentagem da soma total, porcentagem do total de N , porcentagem da soma em, porcentagem de N em, média geométrica e média harmônica. É possível alterar a ordem na qual as estatísticas de subgrupo aparecem. A ordem na qual as estatísticas aparecem na lista de Estatísticas de Célula é a ordem na qual elas são exibidas na saída. As estatísticas de sumarização também são exibidas para cada variável em todas as categorias.

First. Exibe o primeiro valor de dados encontrado no arquivo de dados.

Média Geométrica. A n -ésima raiz do produto dos valores de dados, em que n representa o número de casos.

Mediana Agrupada. Mediana que é calculada para dados codificados em grupos. Por exemplo, com dados de idade, se cada valor nos anos 30 for codificado como 35, cada valor nos anos 40 for codificado como 45, e assim por diante, a mediana agrupada será a média calculada a partir dos dados codificados.

média harmônica. Usado para estimar um tamanho médio do grupo quando os tamanhos de amostra nos grupos não são iguais.. A média harmônica é o número total de amostras dividido pela soma dos recíprocos dos tamanhos da amostra.

Curtose. Uma medida da extensão até a qual há valores discrepantes Para a uma distribuição normal, o valor da estatística da curtose é zero. A curtose positiva indica que os dados exibem mais valores discrepantes que uma distribuição normal. A curtose negativa indica que os dados exibem menos valores discrepantes extremos do que uma distribuição normal. A definição de curtose que é usada, em que o valor é de 0 para uma distribuição normal, é, às vezes, referida como excesso de curtose. Alguns softwares podem reportar curtose tal que o valor é 3 para uma distribuição normal.

Last. Exibe o último valor de dados encontrado no arquivo de dados.

Máximo. O maior valor de uma variável numérica.

Média. Uma medida de tendência central A média aritmética, a soma dividida pelo número de casos.

Median. O valor acima e abaixo do qual metade dos casos cai, o 50th percentil. Se houver um número par de casos, a mediana é a média dos dois casos intermediários quando estão classificados em ordem crescente ou decrescente. A mediana é uma medida da tendência central não sensível a valores excessivos (ao contrário da média, que pode ser afetada por alguns valores extremamente altos ou baixos).

Mínimo. O menor valor de uma variável numérica.

N. O número de casos (observações ou registros).

Percentual de N total. Porcentagem do número total de casos em cada categoria.

Percentual da soma total. Porcentagem da soma total em cada categoria.

Intervalo. A diferença entre os valores maior e menor de uma variável numérica, o máximo menos o mínimo.

Assimetria. Uma medida da assimetria de uma distribuição A distribuição normal é simétrica e tem um valor de assimetria de 0. Uma distribuição com assimetria positiva significativa tem um longo rodapé direito. Uma distribuição com assimetria negativa significativa tem um longo rodapé esquerdo. Como uma orientação, um valor de assimetria mais de duas vezes seu erro padrão é obtido para indicar uma partida de simetria.

Desvio padrão. Medida de dispersão em torno da média. Em uma distribuição normal, 68% dos casos estão dentro de um desvio padrão da média e 95% dos casos estão dentro de dois desvios padrão. Por exemplo, se a idade média for 45, com um desvio padrão de 10, 95% dos casos estariam entre 25 e 65 em uma distribuição normal.

Erro Padrão de Curtose. A razão entre a curtose e seu erro padrão pode ser usada como um teste de normalidade (ou seja, você pode rejeitar a normalidade se a razão for menor que -2 ou maior que +2). Um valor positivo grande para curtose indica que os rodapés da distribuição são maiores do que aqueles de uma distribuição normal, e um valor negativo para curtose indica rodapés mais curtos (como aqueles de uma distribuição uniforme em forma de caixa).

Erro padrão de média. Uma medida de quanto o valor da média pode variar de amostra para amostra obtida da mesma distribuição. Ela pode ser utilizada para comparar aproximadamente a média observada com um valor hipotético (ou seja, é possível concluir que os dois valores serão diferentes se a razão da diferença com o erro padrão for inferior a -2 ou superior a +2).

Erro Padrão de Assimetria. A razão entre a assimetria e seu erro padrão pode ser usada como um teste de normalidade (ou seja, você pode rejeitar a normalidade se a razão for menor que -2 ou maior que +2). Um

valor positivo grande para assimetria indica um rodapé direito longo, e um valor negativo extremo indica um rodapé esquerdo longo.

Sum. A soma ou o total dos valores, em todos os casos com valores não omissos.

Variância. Uma medida de dispersão ao redor da média, igual à soma dos desvios quadrados da média dividido por um menor que o número de casos. A variância é medida em unidades que são o quadrado daquelas da própria variável.

Estatísticas para a primeira camada

Tabela anova e eta. Exibe uma tabela de análise de variância unidirecional e calcula o eta e o eta quadrado (medidas de associação) para cada variável independente na primeira camada.

Teste para linearidade. Calcula a soma de quadrados, graus de liberdade e quadrados médios associados a componentes lineares e não lineares, bem como a razão F, R e R ao quadrado. A linearidade não será calculada se a variável independente for uma sequência de caracteres curta.

Cubos OLAP

O procedimento Cubos do OLAP (Online Analytical Processing) calcula totais, médias e outras estatísticas univariadas para variáveis de sumarização contínuas dentro de categorias de uma ou mais variáveis de agrupamento categóricas. Uma estrato separada na tabela é criada para cada categoria de cada variável de agrupamento.

Exemplo, Vendas total e média para diferentes regiões e linhas de produtos dentro de regiões.

Estatísticas. Soma, número de casos, média, mediana, mediana agrupada, erro padrão da média, mínimo, máximo, intervalo, valor da variável da primeira categoria da variável de agrupamento, valor da variável da última categoria da variável de agrupamento, desvio padrão, variância, curtose, erro padrão da curtose, assimetria, erro padrão da assimetria, porcentagem do total de casos, porcentagem da soma total, porcentagem do total de casos em variáveis de agrupamento, porcentagem da soma total em variáveis de agrupamento, média geométrica e a média harmônica.

Considerações de Dados de Cubos do OLAP

Dados. As variáveis de sumarização são quantitativas (variáveis contínuas medidas em uma escala de intervalo ou de razão) e as variáveis de agrupamento são categóricas. Os valores de variáveis categóricas podem ser numéricos ou sequência de caracteres.

Suposições. Algumas das estatísticas de subgrupo opcionais, como a média e o desvio padrão, baseiam-se em teoria normal e são apropriadas para variáveis quantitativas com distribuições simétricas. Estatísticas robustas, como a mediana e o intervalo, são apropriadas para variáveis quantitativas que podem ou não satisfazer a suposição de normalidade.

Para Obter Cubos OLAP

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Relatórios > Cubos OLAP...

2. Selecione uma ou mais variáveis de sumarização contínuas.

3. Selecione uma ou mais variáveis de agrupamento categóricas.

Opcionalmente:

- Selecione estatísticas básicas diferentes (clique em **Estatísticas**). Deve-se selecionar uma ou mais variáveis de agrupamento antes de poder selecionar as estatísticas básicas.
- Calcule diferenças entre os pares de variáveis e pares de grupos que estiverem definidos por uma variável de agrupamento (clique em **Diferenças**).
- Crie títulos de tabela customizados (clique em **Título**).
- Oculte contagens que forem menores que um número inteiro especificado. Os valores ocultos serão exibidos como **<N**, em que **N** é o número inteiro especificado. O número inteiro especificado deve ser maior ou igual a 2.

Estatísticas de Cubos OLAP

É possível escolher uma ou mais das seguintes estatísticas de subgrupo para as variáveis de sumarização dentro de cada categoria de cada variável de agrupamento: soma, número de casos, média, mediana, mediana agrupada, erro padrão da média, mínimo, máximo, intervalo, valor da variável da primeira categoria da variável de agrupamento, valor da variável da última categoria da variável de agrupamento, desvio padrão, variância, curtose, erro padrão da curtose, assimetria, erro padrão da assimetria, porcentagem do total de casos, porcentagem da soma total, porcentagem do total de casos em variáveis de agrupamento, porcentagem da soma total em variáveis de agrupamento, média geométrica e a média harmônica.

É possível alterar a ordem na qual as estatísticas de subgrupo aparecem. A ordem na qual as estatísticas aparecem na lista de Estatísticas de Célula é a ordem na qual elas são exibidas na saída. As estatísticas de sumarização também são exibidas para cada variável em todas as categorias.

First. Exibe o primeiro valor de dados encontrado no arquivo de dados.

Média Geométrica. A n -ésima raiz do produto dos valores de dados, em que n representa o número de casos.

Mediana Agrupada. Mediana que é calculada para dados codificados em grupos. Por exemplo, com dados de idade, se cada valor nos anos 30 for codificado como 35, cada valor nos anos 40 for codificado como 45, e assim por diante, a mediana agrupada será a média calculada a partir dos dados codificados.

média harmônica. Usado para estimar um tamanho médio do grupo quando os tamanhos de amostra nos grupos não são iguais.. A média harmônica é o número total de amostras dividido pela soma dos recíprocos dos tamanhos da amostra.

Curtose. Uma medida da extensão até a qual há valores discrepantes Para a uma distribuição normal, o valor da estatística da curtose é zero. A curtose positiva indica que os dados exibem mais valores discrepantes que uma distribuição normal. A curtose negativa indica que os dados exibem menos valores discrepantes extremos do que uma distribuição normal. A definição de curtose que é usada, em que o valor é de 0 para uma distribuição normal, é, às vezes, referida como excesso de curtose. Alguns softwares podem reportar curtose tal que o valor é 3 para uma distribuição normal.

Last. Exibe o último valor de dados encontrado no arquivo de dados.

Máximo. O maior valor de uma variável numérica.

Média. Uma medida de tendência central A média aritmética, a soma dividida pelo número de casos.

Median. O valor acima e abaixo do qual metade dos casos cai, o 50th percentil. Se houver um número par de casos, a mediana é a média dos dois casos intermediários quando estão classificados em ordem crescente ou decrescente. A mediana é uma medida da tendência central não sensível a valores excessivos (ao contrário da média, que pode ser afetada por alguns valores extremamente altos ou baixos).

Mínimo. O menor valor de uma variável numérica.

N. O número de casos (observações ou registros).

Percentual de N em. Porcentagem do número de casos para a variável de agrupamento especificada em categorias de outras variáveis de agrupamento. Se você tiver apenas uma variável de agrupamento, esse valor será idêntico à porcentagem do número total de casos.

Percentual de soma em. Porcentagem da soma para a variável de agrupamento especificada nas categorias de outras variáveis de agrupamento. Se você tiver apenas uma variável de agrupamento, esse valor será idêntico à porcentagem da soma total.

Percentual do N Total. Porcentagem do número total de casos em cada categoria.

Percentual da Soma total. Porcentagem da soma total em cada categoria.

Intervalo. A diferença entre os valores maior e menor de uma variável numérica, o máximo menos o mínimo.

Assimetria. Uma medida da assimetria de uma distribuição. A distribuição normal é simétrica e tem um valor de assimetria de 0. Uma distribuição com assimetria positiva significativa tem um longo rodapé direito. Uma distribuição com assimetria negativa significativa tem um longo rodapé esquerdo. Como uma orientação, um valor de assimetria mais de duas vezes seu erro padrão é obtido para indicar uma partida de simetria.

Desvio padrão. Medida de dispersão em torno da média. Em uma distribuição normal, 68% dos casos estão dentro de um desvio padrão da média e 95% dos casos estão dentro de dois desvios padrão. Por exemplo, se a idade média for 45, com um desvio padrão de 10, 95% dos casos estariam entre 25 e 65 em uma distribuição normal.

Erro Padrão de Curtose. A razão entre a curtose e seu erro padrão pode ser usada como um teste de normalidade (ou seja, você pode rejeitar a normalidade se a razão for menor que -2 ou maior que +2). Um valor positivo grande para curtose indica que os rodapés da distribuição são maiores do que aqueles de uma distribuição normal, e um valor negativo para curtose indica rodapés mais curtos (como aqueles de uma distribuição uniforme em forma de caixa).

Erro padrão de média. Uma medida de quanto o valor da média pode variar de amostra para amostra obtida da mesma distribuição. Ela pode ser utilizada para comparar aproximadamente a média observada com um valor hipotético (ou seja, é possível concluir que os dois valores serão diferentes se a razão da diferença com o erro padrão for inferior a -2 ou superior a +2).

Erro Padrão de Assimetria. A razão entre a assimetria e seu erro padrão pode ser usada como um teste de normalidade (ou seja, você pode rejeitar a normalidade se a razão for menor que -2 ou maior que +2). Um valor positivo grande para assimetria indica um rodapé direito longo, e um valor negativo extremo indica um rodapé esquerdo longo.

Sum. A soma ou o total dos valores, em todos os casos com valores não omissos.

Variância. Uma medida de dispersão ao redor da média, igual à soma dos desvios quadrados da média dividido por um menor que o número de casos. A variância é medida em unidades que são o quadrado daquelas da própria variável.

Diferenças de Cubos OLAP

Esta caixa de diálogo permite calcular as diferenças de porcentagem e aritméticas entre variáveis de sumarização ou entre grupos que são definidos por uma variável de agrupamento. As diferenças são calculadas para todas as medidas que estiverem selecionadas na caixa de diálogo Estatísticas de Cubos OLAP.

Diferenças entre Variáveis. Calcula diferenças entre os pares de variáveis. Os valores de estatísticas básicas para a segunda variável (a variável Minus) em cada par são subtraídos dos valores de estatísticas básicas para a primeira variável no par. Para obter as diferenças de porcentagem, o valor da variável de sumarização para a variável Minus é usado como o denominador. Deve-se selecionar pelo menos duas variáveis de sumarização na caixa de diálogo principal antes de poder especificar as diferenças entre as variáveis.

Diferenças entre Grupos de Casos. Calcula diferenças entre pares de grupos definidos por uma variável de agrupamento. Os valores de estatísticas básicas para a segunda categoria (a categoria Minus) são subtraídos dos valores de estatísticas básicas para a primeira categoria no par. As diferenças de porcentagem utilizam o valor da estatística de sumarização para a categoria Minus como o denominador. Deve-se selecionar uma ou mais variáveis de agrupamento na caixa de diálogo principal antes de poder especificar diferenças entre os grupos.

Título de Cubos OLAP

É possível alterar o título de sua saída ou incluir uma legenda que aparecerá abaixo da tabela de saída. Também é possível controlar a quebra de linha em títulos e legendas ao digitar \n onde desejar inserir uma quebra de linha no texto.

Proporções

Introdução de proporções

As proporções calculam testes e intervalos de confiança para proporções ou diferenças binomiais de proporções. As estatísticas estão disponíveis para as proporções de uma amostra (testadas com relação a um valor especificado), amostras emparelhadas (variáveis diferentes) ou amostras independentes (grupos de casos diferentes). Várias opções para tipos de estatísticas de teste e intervalos de confiança são oferecidas. Outros procedimentos que oferecem algumas das mesmas funcionalidades incluem **CROSSTABS**, **NPAR TESTS** e **NPTESTS**.

Proporções de uma amostra

Testes de uma amostra e intervalos de confiança. A saída inclui a proporção observada, a estimativa da diferença entre a proporção populacional e a proporção populacional hipotética, erros padrão assintóticos sob hipóteses nulas e alternativas, estatísticas de teste especificadas com probabilidades bilaterais e intervalos de confiança especificados para proporções.

Proporções de amostras pareadas

Testes de amostras emparelhadas e intervalos de confiança para diferenças entre as proporções. A saída inclui proporções observadas, estimativas de diferenças de proporções populacionais, erros de padrão assintóticos de diferenças populacionais sob hipóteses nulas e alternativas, estatísticas de teste especificadas com probabilidades bilaterais e intervalos de confiança especificados para diferenças em proporções.

Proporções de amostras independentes

Testes de amostras independentes e intervalos de confiança. A saída inclui proporções observadas, estimativas de diferenças de proporções populacionais, erros de padrão assintóticos de diferenças populacionais sob hipóteses nulas e alternativas, estatísticas de teste especificadas com probabilidades bilaterais e intervalos de confiança especificados para diferenças em proporções.

Proporções de uma amostra

O Procedimento de proporções de uma amostra fornece testes e intervalos de confiança para proporções binomiais individuais. Os dados são supostos a partir de uma amostra aleatória simples e cada intervalo de teste de hipótese ou de confiança é um teste separado ou um intervalo individual, com base em uma proporção binomial. A saída inclui a proporção observada, a estimativa da diferença entre a proporção populacional e a proporção populacional hipotética, erros padrão assintóticos sob hipóteses nulas e alternativas, estatísticas de teste especificadas com probabilidades bilaterais e intervalos de confiança especificados para proporções.

Exemplo:

Estatísticas

Agresti-Coull, Anscombe, Clopper-Pearson (Exato), Jeffreys, Logit, Wald, Wald (continuidade corrigida), Wilson Score, Wilson Score (continuidade corrigida), Binômio Exato, Binômio ajustado para Mid-p, Score, Score (continuidade corrigida).

Considerações de dados

Dados

O procedimento exibe estatísticas de teste solicitadas e probabilidades bilaterais, intervalos de confiança para diferenças de proporções, bem como proporções, erros padrão e contagens para cada grupo ou variável. O procedimento é limitado ao máximo de um valor de teste.

Suposições

Obtendo testes de proporções de uma amostra

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Proporções de uma amostra...

2. Selecione uma ou mais variáveis de teste quantitativas.

3. Como opção, você pode:

- Selecione as configurações de critérios de sucesso na seção **Definir sucesso**:

Último valor

O último valor ou o mais alto entre os valores distintos classificados nos dados é usado. Isso se aplica a variáveis numéricas ou de sequência. Esta é a definição padrão.

Primeiro Valor

O primeiro valor ou o mais baixo entre os valores distintos classificados nos dados é usado. Isso se aplica a variáveis numéricas ou de sequência.

Valor(es)

Um ou mais valores específicos entre parênteses Múltiplos valores devem ser separados por espaços. Isso se aplica a variáveis numéricas ou de sequência. Os valores de variáveis de sequência devem ser colocados entre aspas simples.

Ponto médio

Os valores no ou acima do meio do intervalo de valores observados nos dados. Isso se aplica apenas a dados numéricos.

Ponto de corte

Valores no ou acima de um valor especificado. Isso se aplica apenas a dados numéricos.

- Clique em **Intervalos de confiança...** para especificar quais tipos de intervalos de confiança são exibidos ou para suprimir todos os intervalos de confiança.
- Clique em **Testes...** para especificar quais tipos de estatísticas de teste são exibidos ou para suprimir todos os testes.
- Clique em **Valores ausentes...** para controlar o tratamento de dados ausentes.
- Clique em **Bootstrap...** para derivar estimativas robustas de erros padrão e intervalos de confiança para estimativas como média, mediana, proporção, razão de chances, coeficiente de correlação ou coeficiente de regressão.

4. Clique em **OK**.

Proporções de uma amostra: intervalos de confiança

O diálogo Intervalos de confiança fornece opções para especificação do nível de cobertura e para a seleção de quais tipos de intervalos de confiança são exibidos.

Nível de Cobertura

Especifica a porcentagem do intervalo de confiança. Um valor numérico no intervalo (de 0 a 100) deve ser especificado. 95 é a configuração padrão.

Tipo(s) de intervalo

Fornece opções para especificar quais tipos de intervalos de confiança são exibidos. Opções disponíveis incluem:

- Agresti-Coull
- Anscombe
- Clopper-Pearson (Exato)
- Jeffreys
- Logit
- Wald
- Wald (Continuidade corrigida)
- Wilson Score
- Wilson Score (continuidade corrigida)

Especificando intervalos de confiança para proporções de uma amostra

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Proporções de uma amostra...

2. Clique em **Intervalos de confiança** para especificar quais tipos de intervalos de confiança são exibidos ou para suprimir todos os intervalos de confiança.

Proporções de uma amostra: testes

O diálogo Testes fornece opções para especificar quais tipos de estatísticas de teste são exibidos.

Todos

Todas as estatísticas de teste são exibidas na saída.

Nenhum

Nenhuma estatística de teste é exibida na saída.

Binômio exato

Exibe probabilidades binomiais exatas.

Binômio ajustado para Mid-p

Exibe as probabilidades binomiais ajustadas para mid-p. Esta é uma configuração padrão.

Pontuação

Exibe a estatística de teste do Score Z. Esta é uma configuração padrão.

Pontuação (continuidade corrigida)

Exibe a estatística de teste Z de pontuação corrigida pela continuidade.

Wald

Exibe a estatística de teste Wald Z.

Wald (Continuidade corrigida)

Exibe a estatística de teste Wald Z corrigida pela continuidade.

Valor de teste

Especifica um valor de teste entre 0 e 1. O valor padrão é 0,5.

Obtendo testes de proporções de uma amostra

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Proporções de uma amostra...

2. No diálogo Proporções de uma amostra, clique em **Testes**.
3. Selecione um ou mais dos testes disponíveis.

Proporções de uma amostra: valores omissos

O diálogo Valores omissos fornece opções para lidar com valores omissos.

Escopo de dados ausentes

Excluir casos análise por análise

Indica a inclusão de todos os casos com dados suficientes sobre as variáveis usadas em cada análise específica. Esta é a definição padrão.

Excluir casos pelo método listwise

Indica a inclusão de todos os casos com dados suficientes sobre todas as variáveis usadas em todas as análises.

Valores Omissos de Usuário

Excluir trata os valores omissos do usuário como omissos. **Incluir** ignora designações de valor omissos do usuário e trata os valores omissos do usuário como válidos.

Definindo configurações de valor omissos para Proporções de uma amostra

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Proporções de uma amostra...

2. No diálogo Proporções de uma amostra, clique em **Valores omissos**.

3. Selecione as configurações de valores omissos desejadas.

Proporções de amostras pareadas

O Procedimento de proporções de amostras emparelhadas fornece testes e intervalos de confiança para a diferença em duas proporções binomiais relacionadas ou emparelhadas. Os dados são supostos a partir de uma amostra aleatória simples e cada intervalo de teste de hipótese ou de confiança é um teste separado ou um intervalo individual. A saída inclui proporções observadas, estimativas de diferenças de proporções populacionais, erros de padrão assintóticos de diferenças populacionais sob hipóteses nulas e alternativas, estatísticas de teste especificadas com probabilidades bilaterais e intervalos de confiança especificados para diferenças em proporções.

Exemplo:

Estatísticas

Agresti-Min, Bonett-Price, Newcombe, Wald, Wald (continuidade corrigida), Binômio exato, Binômio ajustado para Mid-p, McNemar, McNemar (continuidade corrigida).

Considerações de dados

Dados

- Uma lista de variáveis contendo pelo menos duas variáveis é necessária.
- Se uma lista única de variáveis for especificada, cada membro da lista será emparelhado com cada outro membro da lista.

Suposições

- Se duas listas de variáveis forem separadas por **WITH** sem a palavra-chave (**PAIRED**), cada membro da primeira lista será emparelhado com cada membro da segunda lista.
- Se duas listas de variáveis forem separadas por **WITH** e a segunda lista for seguida por (**PAIRED**), os membros das duas listas em ordem serão emparelhados: o primeiro membro da primeira lista será emparelhado com o primeiro membro da segunda lista, o segundo membros de cada lista são emparelhados, etc. Variáveis sem correspondência são ignoradas e uma mensagem de aviso é emitida.

Obtendo testes de proporções de amostras emparelhadas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Proporções de amostras emparelhadas...

2. Selecione uma ou mais variáveis de teste quantitativas.

3. Como opção, você pode:

- Selecione as configurações de critérios de sucesso na seção **Definir sucesso**:

Último valor

O último valor ou o mais alto entre os valores distintos classificados nos dados é usado. Isso se aplica a variáveis numéricas ou de sequência. Esta é a definição padrão.

Primeiro Valor

O primeiro valor ou o mais baixo entre os valores distintos classificados nos dados é usado. Isso se aplica a variáveis numéricas ou de sequência.

Valor(es)

Um ou mais valores específicos entre parênteses. Múltiplos valores devem ser separados por espaços. Isso se aplica a variáveis numéricas ou de sequência. Os valores de variáveis de sequência devem ser colocados entre aspas simples.

Ponto médio

Os valores no ou acima do meio do intervalo de valores observados nos dados. Isso se aplica apenas a dados numéricos.

Ponto de corte

Valores no ou acima de um valor especificado. Isso se aplica apenas a dados numéricos.

- Clique em **Intervalos de confiança...** para especificar quais tipos de intervalos de confiança são exibidos ou para suprimir todos os intervalos de confiança.
- Clique em **Testes...** para especificar quais tipos de estatísticas de teste são exibidos ou para suprimir todos os testes.
- Clique em **Valores ausentes...** para controlar o tratamento de dados ausentes.
- Clique em **Bootstrap...** para derivar estimativas robustas de erros padrão e intervalos de confiança para estimativas como média, mediana, proporção, razão de chances, coeficiente de correlação ou coeficiente de regressão.

4. Clique em **OK**.

Proporções de amostras emparelhadas: intervalos de confiança

O diálogo Intervalos de confiança fornece opções para especificação do nível de cobertura e para a seleção de quais tipos de intervalos de confiança são exibidos.

Nível de Cobertura

Especifica a porcentagem do intervalo de confiança. Um valor numérico no intervalo (de 0 a 100) deve ser especificado. 95 é a configuração padrão.

Tipo(s) de intervalo

Fornece opções para especificar quais tipos de intervalos de confiança são exibidos. Opções disponíveis incluem:

- Agresti-Min
- Bonett-Price
- Newcombe
- Wald
- Wald (Continuidade corrigida)

Especificando intervalos de confiança para proporções de amostras emparelhadas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Proporções de amostras emparelhadas...

2. Clique em **Intervalos de confiança** para especificar quais tipos de intervalos de confiança são exibidos ou para suprimir todos os intervalos de confiança.

Proporções de amostras emparelhadas: testes

O diálogo Testes fornece opções para especificar quais tipos de estatísticas de teste são exibidos.

Todos

Todas as estatísticas de teste são exibidas na saída.

Nenhum

Nenhuma estatística de teste é exibida na saída.

Binômio exato

Exibe probabilidades binomiais exatas.

Binômio ajustado para Mid-p

Exibe as probabilidades binomiais ajustadas para mid-p. Esta é uma configuração padrão.

McNemar

Exibe a estatística de teste do McNemar Z. Esta é uma configuração padrão.

McNemar (Continuidade corrigida)

Exibe a estatística de teste McNemar Z corrigida pela continuidade.

Wald

Exibe a estatística de teste Wald Z.

Wald (Continuidade corrigida)

Exibe a estatística de teste Wald Z corrigida pela continuidade.

Obtendo testes de proporções de amostras emparelhadas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Proporções de amostras emparelhadas...

2. No diálogo Proporções de amostras emparelhadas, clique em **Testes**.

3. Selecione um ou mais dos testes disponíveis.

Proporções de amostras emparelhadas: valores omissos

O diálogo Valores omissos fornece opções para lidar com valores omissos.

Escopo de dados ausentes

Excluir casos análise por análise

Indica a inclusão de todos os casos com dados suficientes sobre as variáveis usadas em cada análise específica. Esta é a definição padrão.

Excluir casos pelo método listwise

Indica a inclusão de todos os casos com dados suficientes sobre todas as variáveis usadas em todas as análises.

Valores Omissos de Usuário

Excluir trata os valores omissos do usuário como omissos. **Incluir** ignora designações de valor omissos do usuário e trata os valores omissos do usuário como válidos.

Definindo configurações de valor omissos para Proporções de amostras emparelhadas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Proporções de amostras emparelhadas...

2. No diálogo Proporções de amostras emparelhadas, clique em **Valores omissos**.

3. Selecione as configurações de valores omissos desejadas.

Proporções de amostras independentes

O Procedimento de proporções de amostras independentes fornece testes e intervalos de confiança para a diferença em duas proporções binomiais independentes. Os dados são supostos a partir de uma amostra aleatória simples e cada intervalo de teste de hipótese ou de confiança é um teste separado ou um intervalo individual. A saída inclui proporções observadas, estimativas de diferenças de proporções populacionais, erros de padrão assintóticos de diferenças populacionais sob hipóteses nulas e alternativas, estatísticas de teste especificadas com probabilidades bilaterais e intervalos de confiança especificados para diferenças em proporções.

Exemplo:

Estatísticas

Agresti-Min, Bonett-Price, Newcombe, Wald, Wald (continuidade corrigida), Binômio exato, Binômio ajustado para Mid-p, McNemar, McNemar (continuidade corrigida).

Considerações de dados

Dados

- Pelo menos uma variável dependente e uma variável única para identificar os dois grupos a serem comparados são necessárias.
- A variável de agrupamento pode ser numérica ou uma sequência.

Suposições

Obtendo testes de proporções de amostras independentes

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Proporções de amostras independentes...

2. Selecione uma ou mais variáveis de teste quantitativas.

3. Selecione uma única **Variável de agrupamento** que identifica os dois grupos a serem comparados.

4. Opcionalmente, especifique configurações para a **Variável de agrupamento** selecionada.

- Quando **Valores** for selecionado, é possível especificar dois valores numéricos ou de sequência dentro de parênteses para que os valores sejam comparados. Os valores de sequência devem ser colocados entre aspas simples. Os casos com outros valores são ignorados.
- O **Ponto médio** se aplica apenas a variáveis numéricas. Os casos no ou acima do ponto médio da distribuição da variável de agrupamento são designados ao segundo grupo e os casos abaixo do ponto médio são designados ao primeiro grupo.
- O **Ponto de corte** se aplica apenas às variáveis numéricas e permite a especificação com parênteses de um valor numérico único. Os casos no ou acima do ponto de corte na variável de agrupamento são designados ao segundo grupo e os casos abaixo do ponto de corte são designados ao primeiro grupo.

5. Como opção, você pode:

- Selecione as configurações de critérios de sucesso na seção **Definir sucesso**:

Último valor

O último valor ou o mais alto entre os valores distintos classificados nos dados é usado. Isso se aplica a variáveis numéricas ou de sequência. Esta é a definição padrão.

Primeiro Valor

O primeiro valor ou o mais baixo entre os valores distintos classificados nos dados é usado. Isso se aplica a variáveis numéricas ou de sequência.

Valor(es)

Um ou mais valores específicos entre parênteses. Múltiplos valores devem ser separados por espaços. Isso se aplica a variáveis numéricas ou de sequência. Os valores de variáveis de sequência devem ser colocados entre aspas simples.

Ponto médio

Os valores no ou acima do meio do intervalo de valores observados nos dados. Isso se aplica apenas a dados numéricos.

Ponto de corte

Valores no ou acima de um valor especificado. Isso se aplica apenas a dados numéricos.

- Clique em **Intervalos de confiança...** para especificar quais tipos de intervalos de confiança são exibidos ou para suprimir todos os intervalos de confiança.
- Clique em **Testes...** para especificar quais tipos de estatísticas de teste são exibidos ou para suprimir todos os testes.

- Clique em **Valores ausentes...** para controlar o tratamento de dados ausentes.
- Clique em **Bootstrap...** para derivar estimativas robustas de erros padrão e intervalos de confiança para estimativas como média, mediana, proporção, razão de chances, coeficiente de correlação ou coeficiente de regressão.

6. Clique em **OK**.

Proporções de amostras independentes: intervalos de confiança

O diálogo Intervalos de confiança fornece opções para especificação do nível de cobertura e para a seleção de quais tipos de intervalos de confiança são exibidos.

Nível de Cobertura

Especifica a porcentagem do intervalo de confiança. Um valor numérico no intervalo (de 0 a 100) deve ser especificado. 95 é a configuração padrão.

Tipo(s) de intervalo

Fornece opções para especificar quais tipos de intervalos de confiança são exibidos. Opções disponíveis incluem:

- Agresti-Caffo
- Brown-Li-Jeffreys
- Hauck-Anderson
- Newcombe
- Newcombe (continuidade corrigida)
- Wald
- Wald (Continuidade corrigida)

Especificando intervalos de confiança para proporções de amostras independentes

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Proporções de amostras independentes...

2. Clique em **Intervalos de confiança** para especificar quais tipos de intervalos de confiança são exibidos ou para suprimir todos os intervalos de confiança.

Proporções de amostras independentes: testes

O diálogo Testes fornece opções para especificar quais tipos de estatísticas de teste são exibidos.

Todos

Todas as estatísticas de teste são exibidas na saída.

Nenhum

Nenhuma estatística de teste é exibida na saída.

Hauck-Anderson

Exibe a estatística de teste Hauck-Anderson Z.

Wald

Exibe a estatística de teste Wald Z.

Wald (Continuidade corrigida)

Exibe a estatística de teste Wald Z corrigida pela continuidade.

Wald H0

Exibe a estatística de teste Wald Z usando estimativas de variância sob H_0 .

Wald H0 (continuidade corrigida)

Exibe a estatística de teste Wald Z corrigida de continuidade usando estimativas de variância sob H_0 .

Obtendo testes de proporções de amostras independentes

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Proporções de amostras independentes...

2. No diálogo Proporções de amostras independentes, clique em **Testes**.

3. Selecione um ou mais dos testes disponíveis.

Proporções de amostras independentes: valores omissos

O diálogo Valores omissos fornece opções para lidar com valores omissos.

Escopo de dados ausentes

Excluir casos análise por análise

Indica a inclusão de todos os casos com dados suficientes sobre as variáveis usadas em cada análise específica. Esta é a definição padrão.

Excluir casos pelo método listwise

Indica a inclusão de todos os casos com dados suficientes sobre todas as variáveis usadas em todas as análises.

Valores Omissos de Usuário

Excluir trata os valores omissos do usuário como omissos. **Incluir** ignora designações de valor omissos do usuário e trata os valores omissos do usuário como válidos.

Definindo configurações de valor omissos para Proporções de amostras independentes

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Proporções de amostras independentes...

2. No diálogo Proporções de amostras independentes, clique em **Valores omissos**.

3. Selecione as configurações de valores omissos desejadas.

Testes t

Testes t

Três tipos de testes t estão disponíveis:

Teste t de amostras independentes (teste T de duas amostras). Compara o meio de uma variável para dois grupos de casos. Estatísticas descritivas para cada grupo e o teste de Levene para igualdade de variações são fornecidos, bem como os valores de t de variação igual e desigual e um intervalo de confiança de 95% para a diferença em média.

Teste t de amostras pairwise teste t dependente). Compara a média de duas variáveis para um único grupo. Este teste também é destinado a pares correspondidos ou designs de estudo de caso-controle. A saída inclui estatísticas descritivas para as variáveis de teste, a correlação entre as variáveis, as estatísticas descritivas para diferenças pairwise, o teste t e um intervalo de confiança de 95%.

Teste t de uma amostra. Compara a média de uma variável com um valor conhecido ou hipotético. Estatísticas descritivas para as variáveis de teste são exibidas junto com o teste t . Um intervalo de confiança de 95% para a diferença entre a média da variável do teste e o valor de teste hipotético é parte da saída padrão.

Teste-T de amostras independentes

O procedimento de teste T de amostras independentes compara médias para dois grupos de casos e automatiza o cálculo de tamanho do efeito do teste t . Idealmente, para esse teste, os indivíduos devem ser distribuídos aleatoriamente em dois grupos para que qualquer diferença na resposta seja devida ao

tratamento (ou à falta de tratamento) e não a outros fatores. Esse não será o caso se você comparar uma renda média para homens e mulheres. Uma pessoa não é designada aleatoriamente para ser homem ou mulher. Nessas situações, é necessário assegurar-se de que as diferenças nos outros fatores não venham mascarar ou aprimorar uma diferença significativa nas médias. As diferenças na renda média podem ser influenciadas por fatores como educação (e não somente pelo sexo).

Exemplo:

Pacientes com pressão alta são designados aleatoriamente para um grupo placebo e para um grupo de tratamento. Os sujeitos no grupo placebo recebem um comprimido inativo, e os sujeitos no grupo de tratamento recebem uma nova droga que se espera que diminua a pressão arterial. Após dois meses de tratamento, o teste t de duas amostras é utilizado para comparar a pressão arterial média do grupo placebo e do grupo de tratamento. Cada paciente é avaliado uma vez e pertence a um grupo.

Estatísticas

Para cada variável: tamanho da amostra, média, desvio padrão, erro padrão da média e a estimação do tamanho do efeito para o teste t . Para a diferença nas médias: média, erro padrão e intervalo de confiança (é possível especificar o nível de confiança). Testes: teste de Levene de igualdade de variâncias e testes t de variâncias agrupadas e variâncias separadas para igualdade de médias.

Considerações de dados

Dados

Os valores da variável quantitativa de interesse estão em uma única coluna no arquivo de dados. O procedimento usa uma variável de agrupamento com dois valores para separar os casos em dois grupos. A variável de agrupamento pode ser numérica (valores como 1 e 2 ou 6,25 e 12,5) ou uma sequência curta (como *sim* e *não*). Como alternativa, é possível utilizar uma variável quantitativa, como *idade*, para dividir os casos em dois grupos especificando um ponto de corte (o ponto de corte 21 divide *idade* em um grupo sub-21 e um grupo 21 e acima).

Suposições

Para o teste t de variância igual, as observações devem ser amostras aleatórias independentes das distribuições normais com a mesma variância da população. Para o teste t de variância desigual, as observações devem ser amostras aleatórias independentes das distribuições normais. O teste t de duas amostras é bastante robusto para partidas da normalidade. Ao verificar distribuições graficamente, veja que elas são simétricas e não possuem nenhum valor discrepante.

Obtendo um teste T de amostras independentes

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar Médias > Teste T de Amostras Independentes ...

2. Selecione uma ou mais variáveis de teste quantitativas. Um teste t separado é calculado para cada variável.
3. Selecione uma variável de agrupamento única e, em seguida, clique em **Definir Grupos** para especificar dois códigos para os grupos que deseja comparar.
4. As configurações a seguir são opcionais.
 - Selecione **Estimar tamanhos do efeito** para controlar a estimação do tamanho do efeito do teste t .
 - Selecione **Homogeneidade do teste de variância** para calcular a estatística de Levene e testar a igualdade das variâncias do grupo. Você pode obter os resultados em uma tabela separada.
 - Clique em **Opções** para controlar o tratamento de dados omissos e o nível do intervalo de confiança.
 - Clique em **Autoinicialização** para derivar estimativas robustas de erros padrão e intervalos de confiança para estimativas, como a média, mediana, proporção, razão de chances, coeficiente de correlação ou coeficiente de regressão.

Definir grupos de teste T de amostras independentes

Para variáveis de agrupamento numéricas, defina os dois grupos para o teste t especificando dois valores ou um ponto de corte:

- **Utilizar valores especificados.** Insira um valor para o Grupo 1 e outro valor para o Grupo 2. Casos com quaisquer outros valores são excluídos da análise. Os números não precisam ser inteiros (por exemplo, 6,25 e 12,5 são válidos).
- **Ponto de Corte.** Insira um número que divide os valores da variável de agrupamento em dois conjuntos. Todos os casos com valores que forem menores que o ponto de corte formam um grupo, e os casos com valores que forem maiores ou iguais ao ponto de corte formam o outro grupo.

Para variáveis de agrupamento de sequências de caracteres, insira uma sequência de caracteres para o Grupo 1 e outro valor para o Grupo 2, como *yes* e *no*. Casos com outras sequências de caracteres são excluídos da análise.

Opções de Teste T de Amostras Independentes

Intervalo de Confiança. Por padrão, um intervalo de confiança de 95% para a diferença nas médias é exibido. Insira um valor entre 1 e 99 para solicitar um nível de confiança diferente.

Valores omissos. Quando testar várias variáveis, e os dados estiverem omissos para uma ou mais variáveis, é possível informar ao procedimento quais casos devem ser incluídos (ou excluídos).

- **Excluir análise de casos por análise.** Cada teste *t* utiliza todos os casos que possuem dados válidos para as variáveis testadas. Os tamanhos de amostra podem variar de teste para teste.
- **Excluir listwise dos casos.** Cada teste *t* utiliza apenas os casos que possuem dados válidos para todas as variáveis que são utilizadas nos testes *t* solicitados. O tamanho da amostra é constante nos testes.

Teste-T de amostras em pares

O procedimento de Teste T de Amostras Emparelhadas compara as médias de duas variáveis para um único grupo. O procedimento calcula as diferenças entre os valores das duas variáveis para cada caso e testa se a média difere de 0. O procedimento também automatiza o cálculo do tamanho do efeito do teste *t*.

Exemplo:

Em um estudo sobre a pressão arterial alta, todos os pacientes são medidos no início do estudo, dado um tratamento, e medidos novamente. Assim, cada sujeito possui duas medidas, geralmente chamadas de medidas *antes* e *após*. Um design alternativo para o qual este teste é utilizado é um estudo de correspondência de pares e de caso de controle, em que cada registro no arquivo de dados contém a resposta para o paciente e também para seu sujeito de controle correspondente. Em um estudo de pressão arterial, os pacientes e os controles podem ser correspondidos por idade (um paciente de 75 anos de idade com um membro do grupo de controle também de 75 anos).

Estatísticas

Para cada variável: média, tamanho da amostra, desvio padrão e erro padrão da média. Para cada par de variáveis: correlação, diferença média em médias, teste *t*, intervalo de confiança para diferença média (é possível especificar o nível de confiança) e a estimação do tamanho do efeito para o teste *t*. Desvio padrão e o erro padrão da diferença média.

Considerações de dados

Dados

Para cada teste emparelhado, especifique duas variáveis quantitativas (nível de medição de intervalo ou nível de medição de razão). Para um estudo de correspondência de pares e de caso de controle, a resposta para cada sujeito de teste e seu sujeito de controle correspondente deve estar no mesmo caso no arquivo de dados.

Suposições

Observações para cada par devem ser feitas nas mesmas condições. A diferença média deve ser normalmente distribuída. Variâncias de cada variável podem ser iguais ou desiguais.

Obtendo um teste T de amostras pareadas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar Médias > Teste T de Amostras Emparelhadas ...

2. Selecione um ou mais pares de variáveis.

3. Opcionalmente, mude/selecione uma opção **Estimar tamanhos do efeito**. As configurações controlam como o padronizador é calculado na estimação do d de Cohen e da correção de Hedges para cada par de variáveis.

Desvio padrão da diferença

O denominador usado na estimação do tamanho do efeito. O d de Cohen usa o desvio padrão de amostra da diferença média. A correção de Hedges usa o desvio padrão de amostra da diferença média ajustada por um fator de correção.

Desvio padrão corrigido da diferença

O denominador usado na estimação do tamanho do efeito. O d de Cohen usa o desvio padrão de amostra da diferença média ajustada pela correlação entre medidas. A correção de Hedges usa o desvio padrão de amostra da diferença média ajustada pela correlação entre medidas, mais um fator de correção.

Média de variâncias

O denominador usado na estimação do tamanho do efeito. O d de Cohen usa a raiz quadrada da variância média de medidas. A correção de Hedges usa a raiz quadrada da variância média de medidas, mais um fator de correção.

4. Como opção, você pode:

- Selecione **Estimar tamanhos do efeito** para controlar a estimação do tamanho do efeito do teste t . Quando a configuração for selecionada, será possível controlar melhor como o padronizador é calculado na estimação do d de Cohen e da correção de Hedges para cada par de variáveis.
- Clique em **Opções** para controlar o tratamento de dados omissos e o nível do intervalo de confiança.
- Clique em **Autoinicialização** para derivar estimativas robustas de erros padrão e intervalos de confiança para estimativas, como a média, mediana, proporção, razão de chances, coeficiente de correlação ou coeficiente de regressão.

Opções de Teste T de Amostras Emparelhadas

Intervalo de Confiança. Por padrão, um intervalo de confiança de 95% para a diferença nas médias é exibido. Insira um valor entre 1 e 99 para solicitar um nível de confiança diferente.

Valores omissos. Quando testar várias variáveis, e os dados estiverem omissos para uma ou mais variáveis, é possível informar ao procedimento quais casos devem ser incluídos (ou excluídos):

- **Excluir análise de casos por análise.** Cada teste t utiliza todos os casos que possuem dados válidos para o par de variáveis testado. Os tamanhos de amostra podem variar de teste para teste.
- **Excluir listwise dos casos.** Cada teste t utiliza apenas os casos que possuem dados válidos para todos os pares de variáveis testados. O tamanho da amostra é constante nos testes.

Recursos adicionais do comando T TEST

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Produzir ambos os teste t - de uma amostra e de amostras independentes - executando um único comando.
- Testar uma variável com relação a cada variável em uma lista em um teste t emparelhado (com o subcomando PAIRS).
- Controlar a estimação do tamanho do efeito do teste t (com o subcomando ES).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Teste-T de uma amostra

O procedimento de teste T de uma amostra testa se a média de uma variável única difere de uma constante especificada e automatiza o cálculo de tamanho do efeito do teste t .

Exemplos

Um pesquisador pode querer testar se o escore médio de QI para um grupo de estudantes difere de 100. Ou um fabricante de cereais pode tirar uma amostra das caixas da linha de produção e verificar se o peso médio das amostras tem uma diferença de 1,3 libras no nível de confiança de 95%.

Estatísticas

Para cada variável de teste: média, desvio padrão, erro padrão da média e a estimação do tamanho do efeito para o teste t . A diferença média entre cada valor de dados e o valor de teste hipotético, um teste t que confirma que essa diferença é 0, e um intervalo de confiança para esta diferença (é possível especificar o nível de confiança).

Considerações de dados

Dados

Para testar os valores de uma variável quantitativa com relação a um valor de teste hipotético, escolha uma variável quantitativa e insira um valor de teste hipotético.

Suposições

Esse teste supõe que os dados são normalmente distribuídos; entretanto, esse teste é bastante robusto para partidas da normalidade.

Obtendo um teste T de uma amostra

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > Teste T de uma amostra...

2. Selecione uma ou mais variáveis a serem testadas com relação ao mesmo valor hipotético.

3. Insira um valor de teste numérico com relação ao qual cada média da amostra é comparada.

4. Como opção, você pode:

- Selecione **Estimar tamanhos do efeito** para controlar a estimação do tamanho do efeito do teste t .
- Clique em **Opções** para controlar o tratamento de dados omissos e o nível do intervalo de confiança.

Opções de Teste T de Uma Amostra

Intervalo de Confiança. Por padrão, um intervalo de confiança de 95% para a diferença entre a média e o valor de teste hipotético é exibido. Insira um valor entre 1 e 99 para solicitar um nível de confiança diferente.

Valores omissos. Quando testar várias variáveis, e os dados estiverem omissos para uma ou mais variáveis, é possível informar ao procedimento quais casos devem ser incluídos (ou excluídos).

- **Excluir análise de casos por análise.** Cada teste t utiliza todos os casos que possuírem dados válidos para a variável testada. Os tamanhos de amostra podem variar de teste para teste.
- **Excluir listwise dos casos.** Cada teste t utiliza apenas os casos que possuírem dados válidos para todas as variáveis que são utilizadas em qualquer um dos testes t solicitados. O tamanho da amostra é constante nos testes.

Recursos adicionais do comando T TEST

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Produzir ambos os teste t - de uma amostra e de amostras independentes - executando um único comando.
- Testar uma variável com relação a cada variável em uma lista em um teste t emparelhado (com o subcomando PAIRS).

- Controlar a estimação do tamanho do efeito do teste t (com o subcomando ES).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Recursos adicionais do comando T TEST

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Produzir ambos os teste t - de uma amostra e de amostras independentes - executando um único comando.
- Testar uma variável com relação a cada variável em uma lista em um teste t emparelhado (com o subcomando PAIRS).
- Controlar a estimação do tamanho do efeito do teste t (com o subcomando ES).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

ANOVA Unidirecional

O procedimento de ANOVA de um fator produz uma análise de variância para um fator para uma variável dependente quantitativa por uma variável de fator único (independente) e estima o tamanho do efeito na ANOVA de um fator. A análise de variância é utilizada para testar a hipótese de que várias médias são iguais. Esta técnica é uma extensão do teste t de duas amostras.

Além de determinar que existem diferenças entre as médias, talvez você queira saber quais médias diferem. Há dois tipos de testes para comparar médias: contrastes a priori e testes post hoc. Contrastes são testes configurados *antes de* executar o experimento, e testes post hoc são executados *após* o experimento ter sido conduzido. Também é possível testar tendências entre as categorias.

Exemplo:

Doces como sonhos de padarias absorvem várias quantias de gordura quando são preparados. Um experimento é configurado envolvendo três tipos de gordura: óleo de amendoim, óleo de milho e banha de porco. O óleo de amendoim e o óleo de milho são gorduras insaturadas, e a banha de porco é uma gordura saturada. Além de determinar se a quantia de gordura absorvida depende do tipo de gordura utilizada, é possível configurar um contraste a priori para determinar se a quantia de absorção de gordura difere para gorduras saturadas e insaturadas.

Estatísticas

Para cada grupo: número de casos, média, desvio padrão, erro padrão da média, mínimo, máximo, 95% de intervalo de confiança para a média e a estimação do tamanho do efeito para uma ANOVA de um fator. Testes de homogeneidade de variâncias de Levene, tabela de análise de variância e testes robustos de igualdade de médias para cada variável dependente, contrastes especificados a priori pelo usuário e testes de intervalo a posteriori e várias comparações: Bonferroni, Sidak, diferença honestamente significativa de Tukey, GT2 de Hochberg, Gabriel, Dunnett, teste F de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch (R-E-G-W F), teste de amplitude de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch (R-E-G-W Q), T2 de Tamhane, T3 de Dunnett, Games-Howell, C de Dunnett, teste de amplitude variada de Duncan, Student-Newman-Keuls (S-N-K), b de Tukey, Waller-Duncan, Scheffé, e diferença menos significativa.

Considerações de dados

Dados

A variável dependente deve ser quantitativa (nível de intervalo de medição).

Suposições

Cada grupo é uma amostra aleatória independente de uma população normal. A análise de variância é robusta para partidas da normalidade, embora os dados devam ser simétricos. Os grupos devem vir de populações com variâncias iguais. Para testar essa suposição, use o teste de homogeneidade de variância de Levene.

Obtendo uma análise de variância para um fator

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Comparar médias > ANOVA de um fator...

2. Selecione uma ou mais variáveis dependentes.
3. Selecione uma variável de fator independente única.

Como opção, você pode:

- Selecione **Estimar tamanho do efeito para testes gerais** para controlar o cálculo do tamanho do efeito para o teste geral. Quando selecionada, a tabela “Tamanhos do efeito de ANOVA” é exibida na saída.
- Clique em **Contrastes** para particionar as somas de quadrados entre grupos para componentes de tendência ou especificar contrastes a priori.
- Clique em **Posteriori** para usar testes de intervalo posteriori e comparações múltiplas pairwise para determinar quais médias diferem.
- Clique em **Opções** para controlar o tratamento de dados omissos e o nível do intervalo de confiança.
- Clique em **Autoinicialização** para derivar estimativas robustas de erros padrão e intervalos de confiança para estimativas, como a média, mediana, proporção, razão de chances, coeficiente de correlação ou coeficiente de regressão.

Contrastes ANOVA de um fator

É possível particionar as somas dos quadrados entre grupos em componentes de tendência ou especificar contrastes a priori.

Polinomial

Particiona as somas dos quadrados entre grupos em componentes de tendência. É possível testar para uma tendência da variável dependente entre os níveis ordenados da variável de fator. Por exemplo, é possível testar para uma tendência linear (aumento ou diminuição) de salário entre os níveis ordenados do mais alto grau obtido.

- **Grau.** É possível escolher um polinomial de 1º, 2º, 3º, 4º ou 5º grau.

Coeficientes

Contrastes a priori especificados pelo usuário a serem testados pela estatística *t*. Insira um coeficiente para cada grupo (categoria) da variável de fator e clique em **Incluir** após cada entrada. Cada novo valor é incluído na parte inferior da lista de coeficientes. Para especificar conjuntos de contrastes adicionais, clique em **Avançar**. Utilize **Avançar** e **Anterior** para mover entre os conjuntos de contrastes.

Estimar tamanho do efeito para contrastes

Controla o cálculo do tamanho do efeito para o teste geral. Quando esta configuração é ativada, pelo menos uma das seguintes opções deve ser selecionada para calcular os tamanhos do efeito. Esta configuração é ativada quando pelo menos um contraste é especificado e resulta em uma tabela Tamanhos do efeito de ANOVA na saída.

Usar desvio padrão agrupado para todos os grupos como o padronizador

Usa um desvio padrão agrupado para todos os grupos como o padronizador na estimação do tamanho do efeito. Esta é a configuração padrão e está disponível quando **Estimar tamanho do efeito para contrastes** é selecionado.

Usar desvio padrão agrupado para os grupos envolvidos no contraste como o padronizador

Usa o desvio padrão agrupado para os grupos envolvidos no contraste como o padronizador. A configuração está disponível quando **Estimar tamanho do efeito para contrastes** é selecionado.

A ordem dos coeficientes é importante porque ela corresponde à ordem crescente dos valores da categoria da variável de fator. O primeiro coeficiente na lista corresponde ao menor valor do grupo da variável de fator, e o último coeficiente corresponde ao valor mais alto. Por exemplo, se houver seis categorias da variável de fator, os coeficientes -1, 0, 0, 0, 0,5, e 0,5 contrastam o primeiro grupo com os quinto e sexto grupos. Para a maioria dos aplicativos, os coeficientes devem ter soma 0. Os conjuntos que não somam 0 também podem ser usados, mas uma mensagem de aviso é exibida.

Testes Post Hoc do ANOVA de um fator

Após determinar que diferenças existem entre as médias, testes de intervalo post hoc e comparações múltiplas entre pares podem determinar quais médias diferem. Os testes de intervalo identificam subconjuntos homogêneos de médias que não são diferentes uns dos outros. Comparações múltiplas entre pares testam a diferença entre cada par de médias e geram uma matriz em que os asteriscos indicam médias de grupo significativamente diferentes em um nível alfa de 0,05.

Variâncias iguais presumidas

O teste da diferença significativa honesta de Tukey, GT2 de Hochberg, Gabriel e Scheffé são testes de comparação múltipla e também testes de intervalo. Outros testes de intervalo disponíveis são *b* de Tukey, S-N-K (Student-Newman-Keuls), Duncan, *F* de R-E-G-W (teste *F* de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch), *Q* de R-E-G-W (teste de intervalo de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch) e Waller-Duncan. Testes de comparação múltipla disponíveis são Bonferroni, teste da diferença significativa honesta de Tukey, Sidak, Gabriel, Hochberg, Dunnett, Scheffé, e LSD (diferença menos significativa).

- *LSD*. Usa os testes *t* para executar todas as comparações pairwise entre as médias do grupo Nenhum ajustamento é feito na taxa de erros para comparações múltiplas.
- *Bonferroni*. Utiliza testes *t* para realizar comparações pairwise entre os meios de grupo, mas controla a taxa de erro geral configurando a taxa de erro para cada teste à taxa de erro de experimentwise dividida pelo número total de testes. Portanto, o nível de significância observado é ajustado para o fato de que diversas comparações estão sendo feitas.
- *Sidak*. Teste de comparação múltipla entre pares com base em uma estatística *t* O Sidak ajusta o nível de significância para comparações múltiplas e fornece limites mais apertados que Bonferroni.
- *Scheffe*. Executa comparações pairwise conjuntas simultâneas para todas as combinações de médias pairwise possíveis. Utiliza a distribuição *F* de amostragem. Pode ser utilizado para examinar todas as combinações lineares possíveis das médias de grupo, não apenas comparações pairwise.
- *R-E-G-W F*. Procedimento stepdown múltiplo de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch com base em um teste *F*.
- *R-E-G-W Q*. Procedimento stepdown múltiplo de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch com base em um intervalo estudentizado.
- *S-N-K*. Faz todas as comparações entre pares entre as médias usando a distribuição de intervalo estudentizado Com tamanhos de amostra iguais, ele também compara pares de médias em subconjuntos homogêneos, utilizando um procedimento stepwise. As médias são ordenadas da mais alta para a mais baixa, e as diferenças extremas são testadas em primeiro lugar.
- *Tukey*. Usa a estatística de intervalo estudentizado para fazer todas as comparações pairwise entre os grupos Configura a taxa de erros entre os experimentos na taxa de erros da coleção de todas as comparações pairwise.
- *b de Tukey*. Usa a distribuição do intervalo estudentizado para fazer comparações entre pares entre os grupos O valor crítico é a média do valor correspondente para o teste da diferença significativa honesta de Tukey e o Student-Newman-Keuls.
- *Duncan*. Faz comparações pairwise usando uma ordem de comparações stepwise idêntica à ordem usada pelo teste Student-Newman-Keuls, mas configura um nível de proteção para a taxa de erro para a coleção de testes, em vez de uma taxa de erros para testes individuais. Utiliza a amplitude estatística estudentizada.
- *GT2 de Hochberg*. Teste de comparação e intervalo múltiplos que usa o módulo máximo estudentizado. Semelhante ao teste da diferença significativa honesta de Tukey.
- *Gabriel*. Teste de comparação entre pares que usou o módulo máximo estudentizado e geralmente é mais poderoso do que GT2 de Hochberg quando os tamanhos de célula são desiguais. O teste de Gabriel pode ser liberal quando os tamanhos de células variam grandiosamente.
- *Waller-Duncan*. Teste de comparação múltipla com base em uma estatística *t* que utiliza abordagem Bayesiana.
- *Dunnett*. Teste de múltipla comparação pairwise *t* que compara um conjunto de tratamentos contra uma média de controle único. A última categoria é a categoria de controle padrão. Como alternativa, é

possível escolher a primeira categoria. Testes **bilaterais** indicam que a média em qualquer nível (exceto a categoria de controle) do fator não é igual à da categoria de controle. < **Testes de controle** indicam se a média em qualquer nível do fator é menor que a da categoria de controle. > **Testes de controle** indicam se a média em qualquer nível do fator é maior que a da categoria de controle.

Variâncias iguais não presumidas

Os testes de comparação múltipla que não pressupõem variâncias iguais são Tamhane's T2, Dunnett's T3, Games-Howell e Dunnett's C.

- *Tamhane's T2*. Teste de comparação entre pares conservador baseado em um teste t. Este teste é apropriado quando as variâncias são desiguais.
- *Dunnett's T3*. Teste de comparação entre pares com base no módulo máximo estudentizado. Este teste é apropriado quando as variâncias são desiguais.
- *Games-Howell*. Teste de comparação entre pares que às vezes é liberal. Este teste é apropriado quando as variâncias são desiguais.
- *Dunnett's C*. Teste de comparação entre pares com base no intervalo estudado. Este teste é apropriado quando as variâncias são desiguais.

Nota: Você pode achar mais fácil interpretar a saída de testes a posteriori se desmarcar **Ocultar linhas e colunas vazias** na caixa de diálogo Propriedades da tabela (em uma tabela dinâmica ativada, escolha **Propriedades da tabela** do menu Formatar).

Teste de hipótese nula

Especifica como o nível de significância (alpha) é manipulado para o teste a posteriori.

Usar o mesmo nível de significância (alpha) que as configurações em Opções

Quando selecionada, usa a mesma configuração especificada no diálogo Opções.

Especificar o nível de significância (alpha) para o teste a posteriori

Quando selecionada, é possível especificar o nível de significância (alpha) no campo **Nível**.

Obtendo Testes Post Hoc para ANOVA de um fator

Opções de ANOVA de um fator

Estatísticas

Escolha um ou mais dos seguintes:

Descritivo

Calcula o número de casos, a média, o desvio padrão, o erro padrão da média, mínimo, máximo, e intervalos de confiança de 95% para cada variável dependente de cada grupo.

Efeitos fixos e aleatórios

Exibe o desvio padrão, o erro padrão e o intervalo de confiança de 95% para o modelo de efeitos fixos, e o erro padrão, o intervalo de confiança de 95% e a estimativa da variância entre componentes para o modelo de efeitos aleatórios.

Teste de homogeneidade das variâncias

Calcula a estatística de Levene para testar a igualdade de variâncias de grupos. Esse teste não depende da suposição de normalidade.

Brown-Forsythe

Calcula a estatística de Brown-Forsythe a ser testada para a igualdade de médias de grupos. Essa estatística é preferível sobre a estatística de *F* quando a suposição de variâncias iguais não é mantida.

Welch

Calcula a estatística de Welch a ser testada para a igualdade de médias de grupos. Essa estatística é preferível sobre a estatística de *F* quando a suposição de variâncias iguais não é mantida.

Valores omissos

Controla o tratamento de valores omissos.

Excluir casos análise por análise

Um caso com um valor omissos para a variável fator ou dependente para uma determinada análise não é usado nessa análise. Além disso, um caso fora do intervalo especificado para a variável de fator não é utilizado.

Excluir casos pelo método listwise

Os casos com valores omissos para a variável fator ou para qualquer variável dependente incluída na lista dependente na caixa de diálogo principal são excluídos de todas as análises. Se diversas variáveis dependentes não tiverem sido especificadas, isso não terá efeito.

Intervalo de confiança

Por padrão, um intervalo de confiança de 95% para a diferença entre a média e o valor de teste hipotético é exibido. Insira um valor entre 1 e 99 para solicitar um nível de confiança diferente.

Gráfico de médias

Exibe um gráfico que plota as médias de subgrupo (as médias para cada grupo definido por valores da variável fator).

Especificando Opções para ANOVA de um fator

Recursos Adicionais do Comando ONEWAY

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Obter estatísticas de efeitos fixo e aleatório. Desvio padrão, erro padrão da média e intervalos de confiança de 95% para o modelo de efeitos fixos. Erro padrão, intervalos de confiança de 95% e a estimativa de variância entre componentes para modelo de efeitos aleatórios (utilizando STATISTICS=EFFECTS).
- Especificar níveis alfa para a diferença menos significativa, Bonferroni, Duncan, e testes de comparação múltipla de Scheffé (com o subcomando RANGES).
- Gravar uma matriz de médias, desvios padrão e frequências, ou ler uma matriz de médias, frequências, variâncias agrupadas e graus de liberdade para as variâncias agrupadas. Essas matrizes podem ser utilizadas no lugar de dados brutos para obter uma análise de variância unidirecional (com o subcomando MATRIX).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Análise Univariate GLM

O procedimento do GLM Univariate fornece análise de regressão e a análise de variância para uma variável dependente por um ou mais fatores e/ou variáveis. As variáveis de fator dividem a população em grupos. Utilizando este procedimento Modelo Linear Geral, é possível testar hipóteses nulas sobre os efeitos de outras variáveis nas médias de vários agrupamentos de uma variável dependente única. É possível investigar as interações entre os fatores e também os efeitos de fatores individuais, alguns dos quais podendo ser aleatórios. Além disso, os efeitos de covariáveis e de interações de covariáveis com fatores podem ser incluídos. Para análise de regressão, as variáveis independentes (preditoras) são especificadas como covariáveis.

Modelos balanceados e não balanceados podem ser testados. Um design será balanceado se cada célula no modelo contiver o mesmo número de casos. Além de testar hipóteses, o GLM Univariate produz estimativas paramétricas.

Contrastes a priori normalmente utilizados estão disponíveis para executar teste de hipótese. Além disso, após um teste *F* geral ter mostrado significância, será possível utilizar testes post hoc para avaliar diferenças entre médias específicas. As médias marginais estimadas fornecem estimativas de valores médios preditos para as células no modelo, e os gráficos de perfil (gráficos de interação) dessas médias permitem visualizar facilmente alguns dos relacionamentos.

Valores residuais, valores preditos, a distância de Cook e valores de ponto de alavanca podem ser salvos como novas variáveis no arquivo de dados para verificação de suposições.

A Ponderação de WLS permite especificar uma variável utilizada para atribuir às observações ponderações diferentes para análise de quadrados mínimos ponderados (WLS), talvez para compensar uma precisão diferente de medição.

Exemplo. Os dados são reunidos para corredores individuais na maratona de Chicago por vários anos. O horário em que cada corredor termina a prova é a variável dependente. Outros fatores incluem o clima (frio, ameno ou calor), o número de meses de treinamento, número de maratonas anteriores e sexo. A idade é considerada uma covariável. Talvez você ache que sexo é um efeito significativo e que a interação de sexo com o clima é significativa.

Métodos. Somas dos quadrados do Tipo I, Tipo II, Tipo III e Tipo IV podem ser utilizadas para avaliar diferentes hipóteses. O Tipo III é o padrão.

Estatísticas. Testes de intervalo e comparações múltiplas autoteste inicial posteriori: diferença menos significativa, Bonferroni, Sidak, Scheffé, F múltiplo de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch e amplitude múltipla de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch, Aluno-Newman-Keuls, diferença honestamente significativa de Tukey, b de Tukey, Duncan, GT2 de Hochberg, Gabriel, teste t de Waller-Duncan, Dunnett (unilateral e bilateral), T2 de Tamhane, T3 de Dunnett, Games-Howell e C de Dunnett. Estatística descritiva: médias observadas, desvios padrão e contagens de todas as variáveis dependentes em todas as células. Testes de homogeneidade de variâncias de Levene.

Gráficos. Dispersão versus nível, residual e perfil (interação).

Considerações de Dados de GLM Univariate

Dados. A variável dependente é quantitativa. Os fatores são categóricos. Eles podem ter valores numéricos ou valores de sequência de caracteres de até oito caracteres. Covariáveis são variáveis quantitativas que estão relacionadas à variável dependente.

Suposições. Os dados são uma amostra aleatória de uma população normal; na população, todas as variâncias de célula são as mesmas. A análise de variância é robusta para partidas da normalidade, embora os dados devam ser simétricos. Para verificar suposições, é possível utilizar gráficos de testes de homogeneidade de variâncias e de dispersão versus nível. Também é possível examinar residuais e gráficos de resíduos.

Para Obter Tabelas GLM Univariate

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Modelo Linear Geral > Univariada...

2. Selecione uma variável dependente.
3. Selecione variáveis para Fator(es) Fixo(s), Fator(es) Aleatório(s) e Covariável(is), conforme apropriado para seus dados.
4. Opcionalmente, é possível utilizar Ponderação de WLS para especificar uma variável de ponderação para análise de quadrados mínimos ponderados. Se o valor da variável de ponderação for zero, negativo ou omissa, o caso será excluído da análise. Uma variável já utilizada no modelo não pode ser utilizada como uma variável de ponderação.

Modelo de GLM

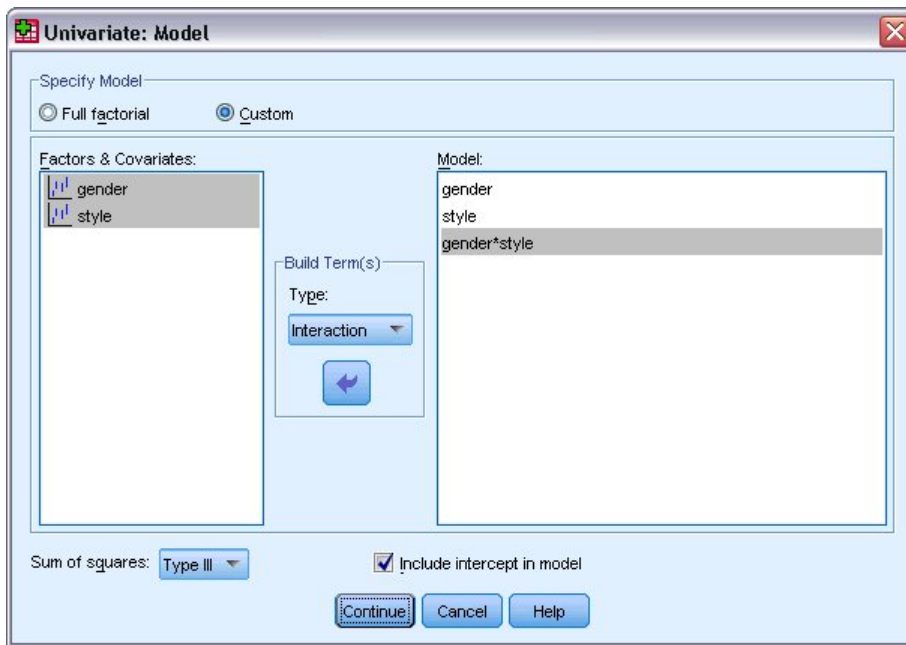


Figura 1. Caixa de diálogo Modelo univariado

Especificar modelo. Um modelo fatorial completo contém todos os principais efeitos do fator, todos os principais efeitos covariáveis e todas as interações fator por fator. Ele não contém interações covariáveis. Selecione **Customizado** para especificar apenas um subconjunto de interações ou para especificar interações fator por covariável. Deve-se indicar todos os termos a serem incluídos no modelo.

Fatores e Covariáveis. Os fatores e covariáveis são listados.

Modelo. O modelo depende da natureza de seus dados. Após selecionar **Customizado**, é possível selecionar os efeitos e interações principais que forem de interesse em sua análise.

Soma dos quadrados. O método de cálculo das somas dos quadrados. Para modelos balanceados ou não balanceados sem células omissas, o método da soma dos quadrados do Tipo III é mais comumente usado.

Incluir intercepto no modelo. O intercepto geralmente é incluído no modelo. Se for possível presumir que os dados percorrerão a origem, será possível excluir o intercepto.

Termos de construção e termos customizados

Construir termos

Use esta opção quando quiser incluir termos não aninhados de um tipo específico (como efeitos principais) para todas as combinações de um conjunto selecionado de fatores e covariáveis.

Construir termos customizados

Use esta opção quando quiser incluir termos aninhados ou quando quiser construir explicitamente qualquer variável de termo por variável. A construção de um termo aninhado envolve as seguintes etapas:

Soma dos Quadrados

Para o modelo, é possível escolher um tipo de somas dos quadrados. O Tipo III é o utilizado com mais frequência e é o padrão.

Tipo I. Esse método também é conhecido como decomposição hierárquica do método da soma dos quadrados. Cada termo é ajustado apenas para o termo que o precede no modelo. As somas dos quadrados do Tipo I são normalmente utilizadas para:

- Um modelo ANOVA balanceado, no qual quaisquer efeitos principais serão especificados antes de quaisquer efeitos de interação de primeira ordem, quaisquer efeitos de interação de primeira ordem são especificados antes de quaisquer efeitos de interação de segunda ordem, e assim por diante.
- Um modelo de regressão polinomial no qual quaisquer termos de ordem inferior são especificados antes de quaisquer termos de ordem superior.
- Um modelo puramente aninhado em que o primeiro efeito especificado é aninhado dentro do segundo efeito especificado, o segundo efeito especificado é aninhado dentro do terceiro, e assim por diante. (Esta forma de aninhamento pode ser especificada apenas utilizando a sintaxe).

Tipo II. Este método calcula a soma dos quadrados de um efeito no modelo ajustado para todos os outros efeitos "apropriados". Um efeito apropriado é aquele que corresponde a todos os efeitos que não contêm o efeito que está sendo examinado. O método da soma dos quadrados do Tipo II é comumente utilizado para:

- Um modelo ANOVA balanceado.
- Qualquer modelo que possui apenas efeitos de fator principal.
- Qualquer modelo de regressão.
- Um design puramente aninhado. (Esta forma de aninhamento pode ser especificada usando a sintaxe.)

Tipo III. O padrão. Este método calcula a soma dos quadrados de um efeito no design como somas de quadrados, ajustado para quaisquer outros efeitos que não contêm o efeito, e ortogonal para quaisquer efeitos (se houver) que contêm o efeito. As somas dos quadrados do Tipo III possuem uma vantagem maior por serem invariáveis com relação às frequências de célula, desde que o formato geral de estimabilidade permaneça constante. Portanto, esse tipo de somas de quadrados é geralmente considerado útil para um modelo não balanceado sem células omissas. Em um design fatorial sem células omissas, este método é equivalente à técnica de médias dos quadrados ponderados de Yates. O método da soma dos quadrados do Tipo III é normalmente utilizado para:

- Todos os modelos listados em Tipo I e Tipo II.
- Qualquer modelo balanceado ou não balanceado sem células vazias.

Tipo IV. Este método é projetado para uma situação em que houver células omissas. Para qualquer efeito F no design, se F não está contido em nenhum outro efeito, então Tipo IV = Tipo III = Tipo II. Quando F está contido em outros efeitos, o Tipo IV distribui os contrastes que estão sendo feitos entre os parâmetros em F para todos os efeitos de nível superior equitativamente. O método da soma dos quadrados do Tipo IV é comumente utilizado para:

- Todos os modelos listados em Tipo I e Tipo II.
- Qualquer modelo balanceado ou não balanceado com células vazias.

Contrastes GLM

Contrastes são utilizados para testar as diferenças entre os níveis de um fator. É possível especificar um contraste para cada fator no modelo (em um modelo de medidas repetidas, para cada fator entre assuntos). Os contrastes representam as combinações lineares dos parâmetros.

GLM Univariate. Os testes de hipótese baseiam-se na hipótese nula $\mathbf{LB} = 0$, em que \mathbf{L} é a matriz de coeficientes de contraste e \mathbf{B} é o vetor paramétrica. Quando um contraste é especificado, uma matriz \mathbf{L} é criada. As colunas da matriz \mathbf{L} correspondem ao fator que corresponde ao contraste. As colunas restantes são ajustadas para que a matriz \mathbf{L} seja estimável.

A saída inclui uma estatística F para cada conjunto de contrastes. Também exibidos para as diferenças de contrastes estão os intervalos de confiança simultâneos do tipo Bonferroni com base na distribuição t de Student.

Contrastes Disponíveis

Os contrastes disponíveis são desvio, simples, diferença, Helmert, repetido e polinomial. Para contrastes de desvio e contrastes simples, é possível escolher se a categoria de referência será a primeira ou a última categoria.

Tipos de Contraste

Desvio. Compara a média de cada nível (exceto uma categoria de referência) com a média de todos os níveis (média global). Os níveis do fator podem estar em qualquer ordem.

Simples. Compara a média de cada nível com a média de um nível especificado. Esse tipo de contraste é útil quando há um grupo de controle. É possível escolher a primeira ou a última categoria como a referência.

Diferença. Compara a média de cada nível (exceto do primeiro) com a média dos níveis anteriores. (Às vezes chamada de contrastes de Helmert reversos.)

Helmert. Compara a média de cada nível do fator (exceto do último) com a média dos níveis subsequentes.

Repetido. Compara a média de cada nível (exceto do último) com a média dos níveis subsequentes.

Polinomial. Compara o efeito linear, o efeito quadrático, o efeito cúbico, e assim por diante. O primeiro grau de liberdade contém o efeito linear em todas as categorias, o segundo grau de liberdade, o efeito quadrático, e assim por diante. Esses contrastes são frequentemente usados para estimar tendências polinomiais.

Gráficos de perfil GLM

Os gráficos de perfil (gráficos de interação) são úteis para comparar médias marginais em seu modelo. Um gráfico de perfil é um gráfico de linha no qual cada ponto indica a média marginal estimada de uma variável dependente (ajustada para quaisquer covariáveis) em um nível de um fator. Os níveis de um segundo fator podem ser usados para fazer linhas separadas. Cada nível em um terceiro fator pode ser usado para criar um gráfico separado. Todos os fatores fixos e aleatórios, se houver, estão disponíveis para gráficos. Para análises multivariadas, gráficos de perfil são criados para cada variável dependente. Em uma análise de medidas repetidas, ambos os fatores entre assuntos e dentro-sujeitos podem ser utilizados em gráficos de perfil. As Medidas Multivariadas de GLM e Repetidas de GLM estão disponíveis somente se você tiver a opção Estatísticas Avançadas instalada.

Um gráfico de perfil de um fator mostra se as médias marginais estimadas estão aumentando ou diminuindo entre níveis. Para dois ou mais fatores, linhas paralelas indicam que não existe interação entre fatores, o que significa que é possível investigar os níveis de apenas um fator. Linhas não paralelas indicam uma interação.

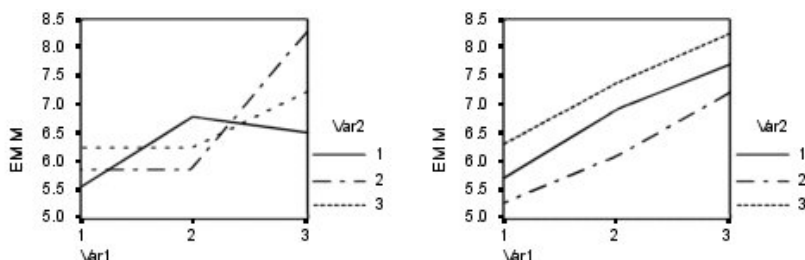


Figura 2. Gráfico não paralelo (esquerda) e gráfico paralelo (direita)

Depois de um gráfico ser especificado selecionando os fatores para o eixo horizontal e, opcionalmente, os fatores para linhas separadas e gráficos separados, o gráfico deve ser incluído na lista Gráficos.

Tipo de gráfico

O gráfico pode ser um gráfico de linha ou um gráfico de barras

Barras de erros

É possível incluir barras de erro que representam o intervalo de confiança ou um número de erros padrão. O intervalo de confiança baseia-se no nível de significância especificado no diálogo Opções.

Incluir linha de referência para média global

Inclui uma linha de referência que representa a média global geral.

Eixo Y inicia em 0

Para gráficos de linhas com todos os valores positivos ou todos os negativos, força o eixo Y a começar em 0. Os gráficos de barras sempre começam (ou incluem) 0.

Opções de GLM

Estatísticas de opcionais estão disponíveis a partir dessa caixa de diálogo. As estatísticas são calculadas utilizando um modelo de efeitos fixos.

Exibição. Selecione **Estatísticas descritivas** para produzir médias observadas, desvios padrão e contagens para todas as variáveis dependentes em todas as células. **Estimativas de tamanho de efeito** fornece um valor eta quadrado parcial para cada efeito e cada estimativa paramétrica. A estatística eta quadrado descreve a proporção da variabilidade total atribuível a um fator. Selecione **Potência observada** para obter a potência do teste quando a hipótese alternativa é configurada com base no valor observado. Selecione **Estimativas paramétrica** para produzir as estimativas paramétrica, os erros padrão, testes *t*, intervalos de confiança e a potência observada para cada teste. Selecione **Matriz de coeficientes de contraste** para obter a matriz **L**.

Os **Testes de homogeneidade** produzem testes de Levene da homogeneidade da variância para cada variável dependente em todas as combinações de nível dos fatores entre assuntos, somente para fatores entre assuntos. As opções de gráficos de dispersão versus nível e de resíduos são úteis para verificar suposições sobre os dados. Esse item fica desativado se não houver fatores. Selecione **Gráfico de resíduo** para produzir um gráfico residual observado por predito por padronizado para cada variável dependente. Esses gráficos são úteis para investigar a suposição de variância igual. Selecione **Falta de ajuste** para verificar se o relacionamento entre a variável dependente e as variáveis independentes pode ser descrito adequadamente pelo modelo. **Funções estimáveis gerais** permite construir testes de hipótese customizados com base nas funções estimáveis gerais. As linhas em qualquer matriz de coeficiente de contraste são combinações lineares das funções estimáveis gerais.

Os **Testes de heterocedasticidade** estão disponíveis para testar se a variância dos erros (para cada variável dependente) depende dos valores das variáveis independentes. Para o **Teste de Breusch-Pagan**, **Teste de Breusch-Pagan modificado** e o **Teste F**, é possível especificar o modelo no qual o teste é baseado. Por padrão, o modelo consiste em um termo constante, um termo que é linear nos valores preditos, um termo que é quadrático nos valores preditos e um termo de erro.

As **Estimativas de parâmetro com erros padrão robustos** exibem uma tabela de estimativas de parâmetro, juntamente com erros padrão robustos ou consistentes com heterocedasticidade (HC); além de estatísticas de *t*, valores de significância e intervalos de confiança que usam os erros padrão robustos. Há cinco métodos diferentes disponíveis para a estimativa da matriz de covariâncias robusta.

HC0

Baseado no assintótico original ou no estimador robusto de amostra grande, empírico ou "sanduíche" da matriz de covariâncias das estimativas de parâmetro. A parte do meio do sanduíche contém resíduos de OLS (quadrados mínimos ordinários) quadrados ou de WSL (quadrados mínimos ponderados) ponderados quadrados.

HC1

Uma modificação de amostra finita de HC0, multiplicada por $N/(N-p)$, em que *N* é o tamanho da amostra e *p* é o número de parâmetros não redundantes no modelo.

HC2

Uma modificação de HC0 que envolve a divisão do resíduo quadrado por $1-h$, em que *h* é a alavanca para o caso.

HC3

Uma modificação de HC0 que aproxima um estimador jackknife. Os resíduos quadrados são divididos pelo quadrado de $1-h$.

HC4

Uma modificação de HC0 que divide os resíduos quadrados por $1-h$ a uma potência que varia de acordo com *h*, *N* e *p*, com um limite superior de 4.

Nível de Significância. Talvez você queira ajustar o nível de significância utilizado em testes post hoc e o nível de confiança utilizado para construir intervalos de confiança. O valor especificado é também usado para calcular a potência observada para o teste. Ao especificar um nível de significância, o nível associado dos intervalos de confiança é exibido na caixa de diálogo.

Recursos Adicionais do Comando UNIANOVA

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Especificar efeitos aninhados no design (utilizando o subcomando DESIGN).
- Especificar testes de efeitos versus uma combinação linear de efeitos ou um valor (utilizando o subcomando TEST).
- Especificar diversos contrastes (utilizando o subcomando CONTRAST).
- Incluir valores omissos de usuário (utilizando o subcomando MISSING).
- Especificar critérios do ESP (utilizando o subcomando CRITERIA).
- Construir uma matriz **L**, uma matriz **M** ou uma matriz **K** customizada (usando os subcomandos LMATRIX, MMATRIX e KMATRIX).
- Para desvio ou contrastes simples, especifique uma categoria de referência intermediária (utilizando o subcomando CONTRAST).
- Especificar métricas para contrastes polinomiais (utilizando o subcomando CONTRAST).
- Especificar termos de erro para comparações post hoc (utilizando o subcomando POSTHOC).
- Calcular médias marginais estimadas para qualquer fator ou interação entre fatores entre os fatores na lista de fatores (utilizando o subcomando EMMEANS).
- Especificar nomes para variáveis temporárias (utilizando o subcomando SAVE).
- Construir um arquivo de dados de matriz de correlações (utilizando o subcomando OUTFILE).
- Construir um arquivo de dados de matriz que contenha estatísticas da tabela ANOVA entre assuntos (utilizando o subcomando OUTFILE).
- Salvar a matriz de design em um novo arquivo de dados (utilizando o subcomando OUTFILE).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Comparações Posteriori do GLM

Testes de comparação múltipla post hoc. Após determinar que diferenças existem entre as médias, testes de intervalo post hoc e comparações múltiplas entre pares podem determinar quais médias diferem. As comparações são feitas em valores sem ajuste. Esses testes são usados apenas para fatores entre sujeitos. Em Medidas repetidas de GLM, esses testes não estarão disponíveis se não houver nenhum fator entre sujeitos, e os testes de múltiplas comparações post hoc são executados para a média nos níveis dos fatores dentro de sujeitos. Para GLM Multivariado, os testes post hoc são executados para cada variável dependente separadamente. As Medidas Multivariadas de GLM e Repetidas de GLM estão disponíveis somente se você tiver a opção Estatísticas Avançadas instalada.

Os testes da diferença significativa honesta de Bonferroni e Tukey geralmente são usados por testes de comparação múltipla. O **teste de Bonferroni**, baseado na estatística *t* do aluno, ajusta o nível de significância observado para o fato de que comparações múltiplas são feitas. O **teste t de Sidak** também ajusta o nível de significância e fornece limites mais apertados que o teste de Bonferroni. O **teste da diferença significativa honesta de Tukey** usa o intervalo estatístico estudentizado para fazer todas as comparações entre pares entre os grupos e define a taxa de erro entre experimentos na taxa de erros da coleção de todas as comparações entre pares. Ao testar um grande número de pares de médias, o teste da diferença significativa honesta de Tukey é mais poderoso que o teste de Bonferroni. Para um pequeno número de pares, Bonferroni é mais poderoso.

GT2 de Hochberg é semelhante ao teste da diferença significativa honesta de Tukey, mas o módulo máximo estudentizado é usado. Geralmente, o teste de Tukey é mais poderoso. O **teste de comparação entre pares de Gabriel** também usa o módulo máximo estudentizado e geralmente é mais poderoso que

o GT2 de Hochberg quando os tamanhos de células são desiguais. O teste de Gabriel pode se tornar liberal quando os tamanhos das células variam enormemente.

Teste t de comparação múltipla entre pares de Dunnett compara um conjunto de tratamentos com relação a uma média de controle única. A última categoria é a categoria de controle padrão. Como alternativa, é possível escolher a primeira categoria. Também é possível escolher um teste de dois lados ou unilateral. Para testar se a média em qualquer nível (exceto a categoria de controle) do fator não é igual à da categoria de controle, use um teste de dois lados. Para testar se a média em qualquer nível do fator é menor do que a da categoria de controle, selecione **< Controle**. Da mesma forma, para testar se a média em qualquer nível do fator é maior do que a da categoria de controle, selecione **> Controle**.

Ryan, Einot, Gabriel e Welsch (R-E-G-W) desenvolveram dois testes de intervalo de redução múltipla. Os procedimentos de redução múltipla primeiro testam se todas as médias são iguais. Se todas as médias não forem iguais, os subconjuntos de médias serão testadas para igualdade. **R-E-G-W F** é baseado em um teste *F*, e **R-E-G-W Q** é baseado no intervalo estudentizado. Esses testes são mais poderosos do que o teste de amplitude múltipla de Duncan e o Student-Newman-Keuls (que também são procedimentos de redução múltipla), mas eles não são recomendados para os tamanhos de células desiguais.

Quando as variâncias forem desiguais, use **T2 de Tamhane** (teste de comparação entre pares conservador com base em um teste *t*), **T3 de Dunnett** (teste de comparação entre pares com base no Módulo máximo estudentizado), **teste de comparação entre pares Games-Howell** (às vezes, liberals) ou o **C de Dunnett** (teste de comparação entre pares com base no intervalo estudentizado). Observe que esses testes não são válidos e não serão produzidos se houver vários fatores no modelo.

O **teste de amplitude múltipla de Duncan**, Student-Newman-Keuls (**S-N-K**) e o **b de Tukey** são testes de intervalo que classificam médias de grupo e calculam um valor de intervalo. Esses testes não são usados tão frequentemente quanto os testes discutidos anteriormente.

O **teste t de Waller-Duncan** usa uma abordagem bayesiana. Esse teste de intervalo usa a média harmônica do tamanho da amostra quando os tamanhos da amostra são desiguais.

O nível de significância do teste **Scheffé** foi projetado para permitir que todas as combinações lineares possíveis das médias de grupo fossem testadas, não apenas as comparações entre pares disponíveis neste recurso. O resultado é que o teste de Scheffé é geralmente mais conservador que outros testes, o que significa que uma diferença maior entre as médias é necessária para obter significância.

O teste de múltipla comparação entre pares da diferença menos significativa (**LSD**) é equivalente a testes *t* individuais múltiplos entre todos os pares de grupos. A desvantagem deste teste é que nenhuma tentativa será feita para ajustar o nível de significância observado para comparações múltiplas.

Testes exibidos. As comparações entre pares são fornecidas para LSD, Sidak, Bonferroni, Games-Howell, T2 e T3 de Tamhane, Cde Dunnett e T3 de Dunnett. Os subconjuntos homogêneos para testes de intervalo são fornecidas para S-N-K, *b* de Tukey, Duncan, R-E-G-W *F*, R-E-G-W *Q* e Waller. O teste da diferença significativa honesta de Tukey, o GT2 de Hochberg, o teste de Gabriel e o teste de Scheffé são testes de comparação múltipla e testes de intervalo.

Opções de GLM

Estatísticas de opcionais estão disponíveis a partir dessa caixa de diálogo. As estatísticas são calculadas utilizando um modelo de efeitos fixos.

Exibição. Selecione **Estatísticas descritivas** para produzir médias observadas, desvios padrão e contagens para todas as variáveis dependentes em todas as células. **Estimativas de tamanho de efeito** fornece um valor *eta* quadrado parcial para cada efeito e cada estimativa paramétrica. A estatística *eta* quadrado descreve a proporção da variabilidade total atribuível a um fator. Selecione **Potência observada** para obter a potência do teste quando a hipótese alternativa é configurada com base no valor observado. Selecione **Estimativas paramétrica** para produzir as estimativas paramétrica, os erros padrão, testes *t*, intervalos de confiança e a potência observada para cada teste. Selecione **Matriz de coeficientes de contraste** para obter a matriz **L**.

Os **Testes de homogeneidade** produzem testes de Levene da homogeneidade da variância para cada variável dependente em todas as combinações de nível dos fatores entre assuntos, somente para fatores entre assuntos. As opções de gráficos de dispersão versus nível e de resíduos são úteis para verificar

suposições sobre os dados. Esse item fica desativado se não houver fatores. Selecione **Gráfico de resíduo** para produzir um gráfico residual observado por predito por padronizado para cada variável dependente. Esses gráficos são úteis para investigar a suposição de variância igual. Selecione **Falta de ajuste** para verificar se o relacionamento entre a variável dependente e as variáveis independentes pode ser descrito adequadamente pelo modelo. **Funções estimáveis gerais** permite construir testes de hipótese customizados com base nas funções estimáveis gerais. As linhas em qualquer matriz de coeficiente de contraste são combinações lineares das funções estimáveis gerais.

Os **Testes de heterocedasticidade** estão disponíveis para testar se a variância dos erros (para cada variável dependente) depende dos valores das variáveis independentes. Para o **Teste de Breusch-Pagan**, **Teste de Breusch-Pagan modificado** e o **Teste F**, é possível especificar o modelo no qual o teste é baseado. Por padrão, o modelo consiste em um termo constante, um termo que é linear nos valores preditos, um termo que é quadrático nos valores preditos e um termo de erro.

As **Estimativas de parâmetro com erros padrão robustos** exibem uma tabela de estimativas de parâmetro, juntamente com erros padrão robustos ou consistentes com heterocedasticidade (HC); além de estatísticas de *t*, valores de significância e intervalos de confiança que usam os erros padrão robustos. Há cinco métodos diferentes disponíveis para a estimativa da matriz de covariâncias robusta.

HC0

Baseado no assintótico original ou no estimador robusto de amostra grande, empírico ou "sanduíche" da matriz de covariâncias das estimativas de parâmetro. A parte do meio do sanduíche contém resíduos de OLS (quadrados mínimos ordinários) quadrados ou de WSL (quadrados mínimos ponderados) ponderados quadrados.

HC1

Uma modificação de amostra finita de HC0, multiplicada por $N/(N-p)$, em que *N* é o tamanho da amostra e *p* é o número de parâmetros não redundantes no modelo.

HC2

Uma modificação de HC0 que envolve a divisão do resíduo quadrado por $1-h$, em que *h* é a alavanca para o caso.

HC3

Uma modificação de HC0 que aproxima um estimador jackknife. Os resíduos quadrados são divididos pelo quadrado de $1-h$.

HC4

Uma modificação de HC0 que divide os resíduos quadrados por $1-h$ a uma potência que varia de acordo com *h*, *N* e *p*, com um limite superior de 4.

Nível de Significância. Talvez você queira ajustar o nível de significância utilizado em testes post hoc e o nível de confiança utilizado para construir intervalos de confiança. O valor especificado é também usado para calcular a potência observada para o teste. Ao especificar um nível de significância, o nível associado dos intervalos de confiança é exibido na caixa de diálogo.

Recursos Adicionais do Comando UNIANOVA

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Especificar efeitos aninhados no design (utilizando o subcomando DESIGN).
- Especificar testes de efeitos versus uma combinação linear de efeitos ou um valor (utilizando o subcomando TEST).
- Especificar diversos contrastes (utilizando o subcomando CONTRAST).
- Incluir valores omissos de usuário (utilizando o subcomando MISSING).
- Especificar critérios do ESP (utilizando o subcomando CRITERIA).
- Construir uma matriz **L**, uma matriz **M** ou uma matriz **K** customizada (usando os subcomandos LMATRIX, MMATRIX e KMATRIX).
- Para desvio ou contrastes simples, especifique uma categoria de referência intermediária (utilizando o subcomando CONTRAST).
- Especificar métricas para contrastes polinomiais (utilizando o subcomando CONTRAST).

- Especificar termos de erro para comparações post hoc (utilizando o subcomando POSTHOC).
- Calcular médias marginais estimadas para qualquer fator ou interação entre fatores entre os fatores na lista de fatores (utilizando o subcomando EMMEANS).
- Especificar nomes para variáveis temporárias (utilizando o subcomando SAVE).
- Construir um arquivo de dados de matriz de correlações (utilizando o subcomando OUTFILE).
- Construir um arquivo de dados de matriz que contenha estatísticas da tabela ANOVA entre assuntos (utilizando o subcomando OUTFILE).
- Salvar a matriz de design em um novo arquivo de dados (utilizando o subcomando OUTFILE).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Salvamento de GLM

É possível salvar valores preditos pelo modelo, resíduos e medidas relacionadas como novas variáveis no Editor de Dados. Muitas dessas variáveis podem ser usadas para examinar suposições sobre os dados. Para salvar os valores para usar em outra sessão do IBM SPSS Estatísticas, deve-se salvar o arquivo de dados atual

Valores Preditos. Os valores que o modelo prediz para cada caso.

- *Não padronizado.* O valor que o modelo prediz para a variável dependente.
- *Ponderado.* Valores Preditos Não Padronizados Ponderados Disponível apenas se uma variável WLS foi selecionada anteriormente.
- *Erro padrão.* Uma estimativa do desvio padrão do valor médio da variável dependente para os casos que tiverem os mesmos valores das variáveis independentes.

Diagnósticos. Medidas para identificar os casos com combinações de valores incomuns para as variáveis independentes e os casos que podem ter um grande impacto no modelo.

- *Distância de Cook.* Uma medida de quanto os resíduos de todos os casos mudariam se um caso em particular fosse excluído do cálculo dos coeficientes de regressão. Um D de Cook grande indica que excluir um caso do cálculo das estatísticas de regressão altera os coeficientes substancialmente.
- *Valores de ponto de alavanca.* Valores de alavancagem não centralizados A influência relativa de cada observação sobre o ajuste do modelo.

Residuais. Um resíduo não padronizado é o valor real da variável dependente menos o valor predito pelo modelo. Resíduos padronizados, estudantizados e excluídos também estão disponíveis. Se uma variável WLS foi escolhida, resíduos não padronizados ponderados estarão disponíveis.

- *Não padronizado.* A diferença entre um valor observado e o valor predito pelo modelo
- *Ponderado.* Resíduos não padronizados ponderados Disponível apenas se uma variável WLS foi selecionada anteriormente.
- *Padronizado.* O resíduo dividido por uma estimativa de seu desvio padrão Resíduos padronizados, também conhecidos como resíduos de Pearson, possuem uma média de 0 e um desvio padrão de 1.
- *Estudentizado.* O residual dividido por uma estimativa de seu desvio-padrão que varia de caso para caso, dependendo da distância de valores de cada caso sobre as variáveis independentes a partir dos meios das variáveis independentes. Às vezes referido como resíduos estudados internamente.
- *Excluído.* O resíduo para um caso em que esse caso é excluído do cálculo dos coeficientes de regressão Ele é a diferença entre o valor da variável dependente e o valor predito ajustado.

Estatísticas de coeficiente. Grava uma matriz de variância-covariância das estimativas do parâmetro no modelo em um novo conjunto de dados na sessão atual ou em um arquivo de dados externo do IBM SPSS Estatísticas. Além disso, para cada variável dependente, haverá uma linha de estimativas de parâmetro, uma linha de erros padrão das estimativas de parâmetro, uma linha de valores de significância para as estatísticas *t* correspondentes às estimativas de parâmetros e uma linha de graus de liberdade de resíduos. Para um modelo multivariado, há linhas semelhantes para cada variável dependente. Quando as estatísticas consistentes de Heteroskedasticity são selecionadas (disponível apenas para modelos univariados), a matriz de variância-covariância é calculada usando um estimador robusto, a linha de erros

padrão exibe os erros padrão robustos e os valores de significância refletem os erros robustos. É possível usar este arquivo de matriz em outros procedimentos que leem arquivos de matriz.

Médias marginais estimadas de GLM

Selecione os fatores e interações para os quais deseja estimar as médias marginais da população nas células. Essas médias são ajustadas para as covariáveis, se houver.

Comparar efeitos principais

Fornecer comparações entre pares não corrigidas entre as médias marginais estimadas para qualquer efeito principal no modelo, para fatores entre e dentro-sujeitos. Esse item estará disponível somente se os efeitos principais forem selecionados na lista Médias de Exibição.

Comparar efeitos principais simples

A configuração é ativada sempre que a lista de destino contém um ou mais efeitos de produto ou interação (por exemplo, $A \times B$, $A \times B \times C$). A configuração suporta a especificação de comparações entre efeitos principais simples, que são efeitos principais aninhados nos níveis de outros fatores.

Ajuste do intervalo de confiança

Selecione o ajustamento de diferença menos significativa (LSD), Bonferroni ou Sidak ou para os intervalos de confiança e significância. Este item fica disponível apenas ao selecionar **Comparar efeitos principais** e/ou **Comparar efeitos principais simples**.

Especificando médias marginais estimadas

1. Nos menus, escolha um dos procedimentos disponíveis em > **Analisar** > **Modelo linear geral**.
2. No diálogo principal, clique em **Médias de EM**.

Opções de GLM

Estatísticas de opcionais estão disponíveis a partir dessa caixa de diálogo. As estatísticas são calculadas utilizando um modelo de efeitos fixos.

Exibição. Selecione **Estatísticas descritivas** para produzir médias observadas, desvios padrão e contagens para todas as variáveis dependentes em todas as células. **Estimativas de tamanho de efeito** fornece um valor eta quadrado parcial para cada efeito e cada estimativa paramétrica. A estatística eta quadrado descreve a proporção da variabilidade total atribuível a um fator. Selecione **Potência observada** para obter a potência do teste quando a hipótese alternativa é configurada com base no valor observado. Selecione **Estimativas paramétrica** para produzir as estimativas paramétrica, os erros padrão, testes t , intervalos de confiança e a potência observada para cada teste. Selecione **Matriz de coeficientes de contraste** para obter a matriz **L**.

Os **Testes de homogeneidade** produzem testes de Levene da homogeneidade da variância para cada variável dependente em todas as combinações de nível dos fatores entre assuntos, somente para fatores entre assuntos. As opções de gráficos de dispersão versus nível e de resíduos são úteis para verificar suposições sobre os dados. Esse item fica desativado se não houver fatores. Selecione **Gráfico de resíduo** para produzir um gráfico residual observado por predito por padronizado para cada variável dependente. Esses gráficos são úteis para investigar a suposição de variância igual. Selecione **Falta de ajuste** para verificar se o relacionamento entre a variável dependente e as variáveis independentes pode ser descrito adequadamente pelo modelo. **Funções estimáveis gerais** permite construir testes de hipótese customizados com base nas funções estimáveis gerais. As linhas em qualquer matriz de coeficiente de contraste são combinações lineares das funções estimáveis gerais.

Os **Testes de heterocedasticidade** estão disponíveis para testar se a variância dos erros (para cada variável dependente) depende dos valores das variáveis independentes. Para o **Teste de Breusch-Pagan**, **Teste de Breusch-Pagan modificado** e o **Teste F**, é possível especificar o modelo no qual o teste é baseado. Por padrão, o modelo consiste em um termo constante, um termo que é linear nos valores preditos, um termo que é quadrático nos valores preditos e um termo de erro.

As **Estimativas de parâmetro com erros padrão robustos** exibem uma tabela de estimativas de parâmetro, juntamente com erros padrão robustos ou consistentes com heterocedasticidade (HC); além

de estatísticas de t , valores de significância e intervalos de confiança que usam os erros padrão robustos. Há cinco métodos diferentes disponíveis para a estimativa da matriz de covariâncias robusta.

HC0

Baseado no assintótico original ou no estimador robusto de amostra grande, empírico ou "sanduíche" da matriz de covariâncias das estimativas de parâmetro. A parte do meio do sanduíche contém resíduos de OLS (quadrados mínimos ordinários) quadrados ou de WLS (quadrados mínimos ponderados) ponderados quadrados.

HC1

Uma modificação de amostra finita de HC0, multiplicada por $N/(N-p)$, em que N é o tamanho da amostra e p é o número de parâmetros não redundantes no modelo.

HC2

Uma modificação de HC0 que envolve a divisão do resíduo quadrado por $1-h$, em que h é a alavanca para o caso.

HC3

Uma modificação de HC0 que aproxima um estimador jackknife. Os resíduos quadrados são divididos pelo quadrado de $1-h$.

HC4

Uma modificação de HC0 que divide os resíduos quadrados por $1-h$ a uma potência que varia de acordo com h , N e p , com um limite superior de 4.

Nível de Significância. Talvez você queira ajustar o nível de significância utilizado em testes post hoc e o nível de confiança utilizado para construir intervalos de confiança. O valor especificado é também usado para calcular a potência observada para o teste. Ao especificar um nível de significância, o nível associado dos intervalos de confiança é exibido na caixa de diálogo.

Modelo de regressão auxiliar GLM

A caixa de diálogo Modelo de regressão auxiliar especifica o modelo utilizado para testar a heterocedasticidade.

Usar valores preditos

Utiliza um modelo que consiste em um termo constante, um termo que é linear nos valores preditos, um termo que é quadrático nos valores preditos e um termo de erro.

Usar modelo univariado

Utiliza o modelo especificado no subdiálogo Modelo. É incluído um termo de intercepto, caso o modelo especificado não contenha um.

Modelo customizado

Utiliza o modelo especificado explicitamente.

Construir termos

Use esta opção quando quiser incluir termos não aninhados de um tipo específico (como efeitos principais) para todas as combinações de um conjunto selecionado de fatores e covariáveis.

Construir termos customizados

Use esta opção quando quiser incluir termos aninhados ou quando quiser construir explicitamente qualquer variável de termo por variável. A construção de um termo aninhado envolve as seguintes etapas:

Recursos Adicionais do Comando UNIANOVA

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Especificar efeitos aninhados no design (utilizando o subcomando DESIGN).
- Especificar testes de efeitos versus uma combinação linear de efeitos ou um valor (utilizando o subcomando TEST).
- Especificar diversos contrastes (utilizando o subcomando CONTRAST).
- Incluir valores omissos de usuário (utilizando o subcomando MISSING).

- Especificar critérios do ESP (utilizando o subcomando CRITERIA).
- Construir uma matriz **L**, uma matriz **M** ou uma matriz **K** customizada (usando os subcomandos LMATRIX, MMATRIX e KMATRIX).
- Para desvio ou contrastes simples, especifique uma categoria de referência intermediária (utilizando o subcomando CONTRAST).
- Especificar métricas para contrastes polinomiais (utilizando o subcomando CONTRAST).
- Especificar termos de erro para comparações post hoc (utilizando o subcomando POSTHOC).
- Calcular médias marginais estimadas para qualquer fator ou interação entre fatores entre os fatores na lista de fatores (utilizando o subcomando EMMEANS).
- Especificar nomes para variáveis temporárias (utilizando o subcomando SAVE).
- Construir um arquivo de dados de matriz de correlações (utilizando o subcomando OUTFILE).
- Construir um arquivo de dados de matriz que contenha estatísticas da tabela ANOVA entre assuntos (utilizando o subcomando OUTFILE).
- Salvar a matriz de design em um novo arquivo de dados (utilizando o subcomando OUTFILE).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Bland Altman

A análise de Bland Altman é uma técnica gráfica para avaliar a tendência entre as diferenças médias. Altman e Bland propuseram essa análise no ano de 1983. A análise de Bland Altman baseia-se na quantificação da concordância entre duas medidas quantitativas, explorando as diferenças médias e construindo os limites de concordância.

Exemplo

Os laboratórios médicos geralmente precisam avaliar a concordância entre dois métodos de medição, escolher entre dois métodos ou avaliar um método novo ou alternativo. Além disso, quando há um problema de alinhamento entre dois instrumentos, são necessárias algumas ferramentas para medir e avaliar as diferenças e a causa dessas diferenças.

Esse procedimento requer o Statistics Base Edition.

Nos menus, escolha: **Analisar Estatística descritiva Análise de Bland Altman...**

Considerações sobre os dados: As variáveis são numéricas.

1. Selecione as variáveis e adicione-as à seção **Variáveis pareadas:**.
2. Se você selecionar **OK**, o procedimento será executado considerando as configurações padrão.
3. Você pode escolher **Aplicar transformação de registro** ou **Somente emparelhado** ou ambos.
4. Clique em **OK**.

Aplicar transformação de log: A **transformação logarítmica** é recomendada se as diferenças não forem normalmente distribuídas.

Paired only: essa opção é especificada quando a primeira variável da primeira coluna é comparada com a primeira variável da segunda coluna.

Nota: Das variáveis emparelhadas, a análise é feita somente até o último valor no conjunto de variáveis que contém o menor número de valores. A análise é totalmente feita para conjuntos de variáveis emparelhadas contendo o mesmo número de valores.

Bland Altman: Critérios

Você pode alterar as configurações padrão na guia **Bland Altman: Criterias**.

1. Por padrão, a opção de mostrar as proporções em porcentagem não está selecionada. Se quiser adicioná-la, selecione **Ratio as in percentages**.
2. Verifique as configurações de **Scope** e **Agreement Limits** e altere-as, se necessário.

3. Clique em **Continuar**.

Bland Altman: Impressão

1. Marque as opções que você deseja incluir na saída.
2. Se você selecionar **Imprimir detalhes da análise**, a configuração padrão para o número máximo de linhas a serem exibidas é definida como 10. Altere o número para aumentar ou diminuir o número de linhas que você deseja exibir. O máximo de linhas de dados que podem ser exibidas é 1000. A **ordem** pode ser **baseada nas** quatro opções de lista e na **ordem ascendente ou decrescente**.

Por padrão, **Sort** é definido com base na primeira medida e em ordem decrescente.

3. Clique em **Continuar**.

Bland Altman: Enredo

Você pode alterar as configurações padrão na guia **Bland Altman Analysis: Plot**.

1. Escolha as configurações desejadas, incluindo **Ratio Plots**, a **Linha de referência na diferença zero**, **Limites de concordância** e **Intervalos de confiança das diferenças médias**.
2. Clique em **Continuar**.

Teste Qui-quadrado

O procedimento do teste de qui-quadrado tabula uma variável em categorias e calcula uma estatística de qui-quadrado. O teste do qui-quadrado é um teste de hipótese estatística usado para determinar se existe uma associação significativa entre duas variáveis categóricas. O teste avalia se as frequências observadas nos dados diferem das frequências esperadas sob a hipótese nula, que pressupõe que não há associação entre as variáveis.

Esse procedimento requer o Statistics Base Edition.

Exemplo:

Na pesquisa de mercado, os analistas precisam entender as preferências dos consumidores. Para isso, eles comparam o comportamento observado do cliente com os padrões esperados para criar estratégias de marketing eficazes.

Estatísticas

O qui-quadrado de Pearson, o qui-quadrado da razão de verossimilhança, o teste exato de Fisher e o qui-quadrado corrigido de Yates (correção de continuidade).

Considerações sobre dados e suposições

Utilize variáveis categóricas numéricas ordenadas ou não ordenadas (níveis de medição ordinais ou nominais). Para converter variáveis de sequência de caracteres em variáveis numéricas, utilize o procedimento Recodificação Automática, que está disponível no menu Transformação.

Testes não paramétricos não requerem suposições sobre a forma da distribuição subjacente. Os dados são considerados como uma amostra aleatória. As frequências esperadas para cada categoria devem ser de pelo menos 1. Não mais de 20% das categorias devem ter frequências esperadas inferiores a 5.

No menu, clique em **Analyze > Descriptive > StatisticsChiSquare**.

1. Selecione as variáveis e adicione-as à **(s) linha(s) e coluna(s)**.
2. Clique em **OK**. O procedimento é executado considerando as configurações padrão.

Teste de qui-quadrado: Exato

- *Assimptótico*. O nível de significância com base na distribuição assintótica de uma estatística de teste. Geralmente, um valor menor que 0,05 é considerado significativo. A significância assintótica é baseada na suposição de que o conjunto de dados é grande. Se o conjunto de dados for pequeno ou mal distribuído, isso poderá não ser uma boa indicação de significância.

- *Estimativa de Monte Carlo*. Uma estimativa imparcial do nível de significância exato, calculada por amostragem repetida a partir de um conjunto de tabelas de referência com as mesmas dimensões e margens de linhas e colunas que a tabela observada. O método de Monte Carlo permite estimar a significância exata sem depender das suposições necessárias para o método assintótico. Este método é mais útil quando o conjunto de dados for muito grande para calcular a significância exata, e os dados não atenderem às suposições do método assintótico.
- *Exata*. A probabilidade do resultado observado ou de um resultado mais extremo é calculada exatamente. Geralmente, um nível de significância menor que 0,05 é considerado significativo, indicando que há algum relacionamento entre as variáveis de linha e de coluna.

Teste de qui-quadrado: Células

O procedimento Chi Square exibe as frequências esperadas. Cada célula da tabela pode conter qualquer combinação de contagens e porcentagens.

Contagens

O número de casos realmente observados e o número de casos esperados se as variáveis de linha e coluna forem independentes uma da outra. É possível optar por ocultar contagens que forem menores que um número inteiro especificado. Os valores ocultos são exibidos como <N, em que N é o número inteiro especificado. O número inteiro especificado deve ser maior ou igual a 2, embora o valor 0 seja permitido e especifica que nenhuma contagem é ocultada.

Porcentagens

As porcentagens podem aumentar entre as linhas ou diminuir entre as colunas. As porcentagens do número total de casos representados na tabela (uma estrato) também estão disponíveis.

Nota: Se **Ocultar contagens pequenas** estiver selecionado no grupo Contagens, as porcentagens associadas a contagens ocultas também ficarão ocultas.

Criar tabela de estilo APA

Cria tabelas de saída que seguem as diretrizes de estilo APA.

Nota: As opções **Observado**, **Esperado**, **Linha**, **Coluna** e **Total** não estão disponíveis quando **Criar tabela de estilo APA** está selecionado.

Teste do Qui-Quadrado: Formato

Com a opção de formato, você pode especificar a ordem das variáveis que são exibidas nos resultados do teste.

Vá para **Analisar > Estatísticas Descritivas > Qui-Quadrado**. Clique em **Format (Formato)** na caixa de diálogo **do teste Chi Square**.

É possível organizar as linhas em ordem crescente ou decrescente dos valores da variável de linha. Em **Row Order (Ordem da linha)**, selecione **Ascending (Ascendente)** ou **Descending (Descendente)**.

Correlações Bivariadas

O procedimento Correlações Bivariadas calcula o coeficiente de correlação de Pearson, o r de Spearman e o tau- b de Kendall com seus níveis de significância. As correlações medem como as ordens de variáveis ou de ranqueamento estão relacionadas. Antes de calcular um coeficiente de correlação, verifique se seus dados possuem valores discrepantes (que podem causar resultados enganosos) e prova de um relacionamento linear. O coeficiente de correlação de Pearson é uma medida de associação linear. Duas variáveis podem estar perfeitamente relacionadas, mas se o relacionamento não for linear, o coeficiente de correlação de Pearson não será uma estatística apropriada para medir a associação delas.

As configurações de intervalo de confiança estão disponíveis para Pearson e Spearman.

Exemplo:

O número de jogos vencidos por um time de basquete está correlacionado com o número médio de pontos marcados por jogo? Um gráfico de dispersão indica que há um relacionamento linear. A análise de dados das temporadas da NBA de 1994 e 1995 indica que o coeficiente de correlação

de Pearson (0,581) é significativo no nível 0,01. Você pode suspeitar que quanto mais jogos foram vencidos por temporada, menos pontos os adversários marcaram. Essas variáveis são negativamente correlacionadas (-0,401), e a correlação é significativa no nível 0,05.

Estatísticas

Para cada variável: número de casos com valores não omissos, média e desvio padrão. Para cada par de variáveis: coeficiente de correlação de Pearson, r de Spearman, tau- b de Kendall, produto cruzado de desvios e covariâncias.

Considerações de dados

Dados

Utilize variáveis quantitativas simétricas para o coeficiente de correlação de Pearson e variáveis quantitativas ou variáveis com categorias ordenadas por r de Spearman e tau- b de Kendall.

Suposições

O coeficiente de correlação de Pearson supõe que cada par de variáveis é bivariado normal.

Obtendo correlações bivariadas

Nos menus, escolha:

Analisar > Correlacionar > Bivariado...

1. Selecione duas ou mais variáveis numéricas.

As seguintes opções também estão disponíveis:

Coeficientes de correlação

Para variáveis quantitativas, distribuídas normalmente, escolha o coeficiente de correlação **Pearson**. Se seus dados não estiverem normalmente distribuídos ou possuírem categorias ordenadas, escolha **tau- b de Kendall** ou **Spearman**, que mede a associação entre as ordens de ranqueamento. O valor do intervalo de coeficientes de correlação varia de -1 (um relacionamento negativo perfeito) e +1 (um relacionamento positivo perfeito). Um valor de 0 indica nenhum relacionamento linear. Ao interpretar os resultados, cuidado para não tirar nenhuma conclusão de causa e efeito devido a uma correlação significativa.

Teste de significância

É possível selecionar probabilidades bicaudais ou unicaudais. Se a direção da associação for conhecida com antecedência, selecione **Unilateral**. Caso contrário, selecione **Bilateral**.

Sinalizar correlações significativas

Os coeficientes de correlação significativos no nível 0,05 são identificados com um asterisco único, e os significativos no nível 0,01 são identificados com dois asteriscos.

Mostrar somente o triângulo inferior

Quando selecionada, somente o triângulo inferior da tabela de matriz de correlações é apresentado na saída. Quando não selecionada, a tabela de matriz de correlações completa é apresentada na saída. A configuração permite que a saída de tabela siga as diretrizes de estilo de APA.

Mostrar diagonal

Quando selecionado, o triângulo inferior da tabela de matriz de correlações juntamente com os valores diagonais são apresentados na saída. A configuração permite que a saída de tabela siga as diretrizes de estilo de APA.

2. É possível selecionar opcionalmente o seguinte:

- Clique em **Opções...** para especificar as estatísticas de correlação de Pearson e as configurações de valores ausentes.
- Clique em **Estilo...** para especificar condições para alterar automaticamente as propriedades das tabelas dinâmicas com base em condições específicas.

- Clique em **Bootstrap...** para derivar estimativas robustas de erros padrão e intervalos de confiança para estimativas como média, mediana, proporção, razão de chances, coeficiente de correlação ou coeficiente de regressão.
- Clique em **Intervalo de confiança...** para definir as opções para a estimativa dos intervalos de confiança.

Opções de Correlações Bivariadas

Estatísticas

Para as correlações Pearson, é possível escolher um ou ambos os seguintes:

Médias e desvios padrão

Exibida para cada variável. O número de casos com valores não omissos também é mostrado. Os valores omissos são manipulados basicamente variável por variável, independentemente de sua configuração de valores omissos.

Desvios de produto vetorial e covariâncias

Exibida para cada par de variáveis. O produto cruzado de desvios é igual à soma dos produtos das variáveis corrigidas pela média. Este é o numerador do coeficiente de correlação de Pearson. A covariância é uma medida não padronizada do relacionamento entre duas variáveis, igual ao desvio de produto vetorial dividido por $N-1$.

Valores omissos

É possível escolher uma das seguintes opções:

Excluir casos por método pairwise

Casos com valores omissos para um ou ambos os elementos de um par de variáveis para um coeficiente de correlação são excluídos da análise. Como cada coeficiente baseia-se em todos os casos que tiverem códigos válidos nesse par específico de variáveis, o máximo de informações disponíveis é utilizado em cada cálculo. Isso pode resultar em um conjunto de coeficientes com base em um número variado de casos.

Excluir casos pelo método listwise

Casos com valores omissos para qualquer variável são excluídos de todas as correlações.

Intervalo de confiança de bivariate correlations

O diálogo Intervalo de confiança fornece opções para a estimação dos intervalos de confiança. O diálogo está disponível quando **Pearson**, **Kendall's tau-b** ou **Spearman** é selecionado no diálogo Bivariate correlation.

Estimar intervalo de confiança do parâmetro bivariate correlation

Controla a estimação de intervalo de confiança do parâmetro bivariate correlation. Quando selecionada, a estimação do intervalo de confiança ocorre.

Intervalo de confiança (%)

Especifica o nível de confiança para todos os intervalos de confiança produzidos. Especifique um valor numérico entre 0 e 100. O valor padrão é 95.

Correlação de Pearson

A configuração **Aplicar o ajuste de viés** controla se o ajuste de viés é aplicado. Por padrão, a configuração não é selecionada, o que não leva em consideração o termo de viés. Quando selecionado, o ajuste de viés para a estimação dos limites de confiança é aplicado. A configuração está disponível quando **Pearson** é selecionado no diálogo Bivariate correlation.

Correlação Spearman

A configuração está disponível quando **Spearman** é selecionado no diálogo Bivariate correlation e fornece opções para estimar a variância da Correlação Spearman por meio dos métodos a seguir:

- **Fieller, Hartley e Pearson**
- **Bonett e Wright**
- **Coruso e Cliff**

Recursos Adicionais dos Comandos CORRELATIONS e NONPAR CORR

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Gravar uma matriz de correlações para correlações de Pearson que podem ser utilizadas no lugar de dados brutos para obter outras análises como análise fatorial (com o subcomando MATRIX).
- Obter correlações de cada variável em uma lista com cada variável em uma segunda lista (utilizando a palavra-chave WITH no subcomando VARIABLES).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Mapeamento de proximidade

Essa documentação orienta os usuários na especificação dos dados de entrada, na seleção do modelo, nas funções de transformação, nas configurações de dimensionalidade e na inclusão de atributos e propriedades no Proximity Mapping.

O mapeamento de proximidade é uma técnica de visualização usada para reduzir a dimensionalidade de dados multivariados e para exibir relações entre objetos (casos, itens ou outras entidades) em uma configuração espacial. Originalmente desenvolvido com o nome de escalonamento multidimensional (MDS) em psicologia, o método usa proximidades (semelhanças, dissimilaridades ou distâncias) para posicionar objetos de modo que sua disposição espacial reflita a estrutura dos dados. Objetos semelhantes aparecem próximos uns dos outros; os diferentes são colocados mais distantes. O mapeamento de proximidade oferece suporte à interpretação e ao reconhecimento de padrões, transformando dados relacionais complexos em gráficos intuitivos de duas ou três dimensões.

Em IBM SPSS Estatísticas, o mapeamento de proximidade é implementado por meio do procedimento PROXMAP. Ao contrário do PROXSCAL, que se limita à análise de matrizes de proximidade, o PROXMAP aceita várias formas de entrada e oferece maior flexibilidade. Ele suporta várias fontes de proximidade, incorpora variáveis adicionais (atributos e propriedades) e oferece uma ampla gama de opções de transformação e restrição. Esses recursos fazem do PROXMAP uma ferramenta poderosa para explorar a estrutura multivariada e integrar diversos tipos de dados em uma representação espacial unificada.

Quando as informações de proximidade estão disponíveis em várias fontes, especificadas diretamente ou derivadas de dados multivariados, o PROXMAP pode ajustar vários modelos de diferenças individuais, além do *modelo de identidade* padrão. Os modelos disponíveis incluem o modelo de Identidade Ponderada (Dilatação), o modelo Euclidiano Ponderado (Diagonal) e o modelo Euclidiano Generalizado com restrições de classificação opcionais.

Em comparação com as técnicas tradicionais de redução de dimensão, como a análise de componentes principais (PCA) e o MDS clássico, o PROXMAP oferece uma representação mais direta e flexível das proximidades. O MDS clássico pode ser usado para inicializar a configuração. Quando aplicado a dados multivariados, o MDS clássico é equivalente à análise de coordenadas principais, uma variante do PCA.

O PROXMAP aceita os seguintes tipos de entrada.

Tipo de entrada	Descrição
Proximidades brutas e derivadas	As proximidades derivadas são calculadas a partir de variáveis numéricas, ordinais ou nominais. Os dois tipos de proximidades são opcionalmente transformados usando funções monotônicas (por exemplo, ordinais ou baseadas em splines), antes de serem aproximados por distâncias.
Atributos	Variáveis que restringem a configuração e aparecem como direções no espaço conjunto (mapeamento supervisionado).

Tipo de entrada	Descrição
Propriedades	Variáveis suplementares usadas para interpretação; elas são exibidas no espaço, mas não influenciam a configuração (mapeamento não supervisionado).

Um recurso exclusivo do PROXMAP é a capacidade de usar o mesmo conjunto de variáveis em diferentes funções:

- Como base para a derivação de proximidade
- Como atributos que moldam a configuração
- Como propriedades que suportam a interpretação

Alternativamente, conjuntos distintos de variáveis podem ser atribuídos a cada função.

Além da transformação linear, o PROXMAP oferece várias opções de transformação (incluindo ordinal, spline monotônica, spline não monotônica e transformações nominais) para atributos e propriedades. Para proximidades, as transformações devem ser monotônicas e também incluir transformações de potência. A saída inclui diagnósticos gráficos, como gráficos de estresse, árvores de abrangência mínima e gráficos de vizinhança para ajudar na interpretação e na avaliação.

Exemplo

O mapeamento de proximidade pode ser amplamente aplicado em várias disciplinas, incluindo psicologia e ciências comportamentais (percepção, memória, preferências), marketing (mapeamento de marcas, segmentação), sociologia (mapeamento de ideologia, redes sociais), educação e psicometria (diagnóstico de testes, perfil de habilidades), linguística (similaridade semântica, mapeamento de dialetos), Geografia (distâncias percebidas, análise espacial ecológica), Genômica e Bioinformática (padrões de expressão, estrutura de população, exploração de heterogeneidade de expressão de célula única), Quimioinformática (similaridade molecular), Ciência da Computação (visualização de incorporação), Antropologia e Arqueologia (similaridade de artefato, dados cranianos).

Dados

Os dados a serem analisados incluem variáveis que representam uma matriz de proximidade (ou matrizes) ou representam dados multivariados que são convertidos em matrizes de proximidade ou matrizes.

Para dados multivariados, as variáveis podem ser uma mistura de variáveis de escala, ordinais e de nível de medição nominal. O número mínimo de variáveis necessárias é 3

Para dados de proximidade, forneça o mesmo número de variáveis que o número de casos.

Tanto para dados de proximidade quanto para dados multivariados, o número mínimo de casos necessários é 3.

O resultado inclui configurações espaciais, vários gráficos de diagnóstico e estatísticas de ajuste. Os biplots exibem objetos juntamente com variáveis, atributos e propriedades em um espaço comum.

Para iniciar a análise PROXMAP, clique em **Analisar > Mapeamento > Mapeamento de Proximidade**.

Mapeamento de proximidade: Dados

Com a guia **Data (Dados)**, você pode definir uma ou mais fontes de proximidade com base nas variáveis do conjunto de dados. Cada fonte é criada selecionando variáveis do conjunto de dados ativo e especificando se elas representam matrizes de proximidade ou dados multivariados dos quais as proximidades serão derivadas.

Variáveis

A lista **Variables (Variáveis)** exibe todas as variáveis no conjunto de dados ativo. As variáveis incluem variáveis numéricas, ordinais e nominais qualificadas para uso no cálculo da proximidade. Selecione uma ou mais variáveis e mova-as para **Variables in Source**.

Variáveis na fonte

A seção **Variáveis na fonte** lista as variáveis atualmente selecionadas para a fonte de proximidade ativa. Essas variáveis definem a estrutura da fonte e são usadas para derivar as proximidades (para dados multivariados) ou para especificar uma matriz de proximidade (se as proximidades forem fornecidas diretamente). Use os botões de seta para cima ou para baixo para reordenar as variáveis ou removê-las conforme necessário.

Rótulos do Objeto

Com **Object Labels**, você pode especificar uma variável que fornece rótulos para os objetos (casos) a serem exibidos nos gráficos e tabelas de saída. Selecione uma variável na lista e mova-a para **Object Labels** para atribuí-la.

definição de origem

À direita das **variáveis em Fonte**, os campos Nome da fonte e Rótulo da fonte definem o identificador interno e o rótulo descritivo da proximidade atual source.The **O nome da fonte** deve ser um identificador exclusivo precedido por \$.

Use os botões a seguir para gerenciar as fontes.

- **Add Source (Adicionar fonte)** cria uma nova fonte de proximidade a partir das variáveis no painel Variables in Source (Variáveis na fonte).
- **Change Source** modifica a fonte selecionada no momento usando a seleção de variáveis atualizada.
- **Remove Source** exclui a fonte atualmente selecionada da lista.

Tipo de dados

Use o seletor **Data Type (Tipo de dados)** para especificar como as variáveis selecionadas são interpretadas. Com o grupo **Tipo de dados**, você pode indicar como as proximidades são derivadas das variáveis selecionadas:

- **Dados de proximidade** Use essa opção se sua entrada já for uma matriz de proximidade.
- **Os dados multivariados** (padrão) tratam as variáveis selecionadas como características dos objetos. O PROXMAP obtém as proximidades calculando as distâncias entre os objetos com base nessas variáveis.
 - **Euclidiana** : As proximidades são baseadas em distâncias euclidianas não padronizadas.
 - **Euclidiano padronizado** : As variáveis são padronizadas antes do cálculo das distâncias (padrão).

Ponderações

Quando o **Tipo de dados** é definido como **Dados de proximidade**, uma lista opcional de **pesos de proximidade** fica disponível. Aqui você pode especificar variáveis de peso adicionais a serem associadas aos valores de proximidade. Esses pesos ajustam a influência de cada proximidade no processo de otimização.

Mapeamento de proximidade: Pesos

Na guia **Pesos**, você pode especificar pesos de proximidade (célula) para cada fonte e pesos de objeto (caso) para dados de proximidade. Esses pesos influenciam a forma como as proximidades contribuem para o processo de otimização. Essa guia só é relevante quando o **tipo de dados, Dados de proximidade**, é selecionado na guia **Dados**.

Variáveis

A lista **Variables (Variáveis)** exibe todas as variáveis no conjunto de dados ativo. Essas variáveis devem conter os pesos de proximidade. Selecione uma ou mais variáveis e mova-as para a seção **Pesos na fonte**. Essas variáveis devem conter os pesos de proximidade para uma fonte específica.

Pesos na fonte

Weights in Source (Pesos na fonte) exibe as variáveis de peso selecionadas que estão associadas à fonte ativa no momento. Essas variáveis definem uma matriz de pesos de proximidade que corresponde à estrutura da matriz de proximidade correspondente. O número de variáveis de peso deve ser igual ao número de variáveis na matriz de origem.

Use **Add Weights (Adicionar pesos)**, **Change Weights (Alterar pesos)** ou **Remove Weights (Remover pesos)** para gerenciar as definições de peso da fonte selecionada em **Sources (Fontes)**.

Origem(ns)

A lista **Fonte(s)** mostra todas as fontes de proximidade definidas às quais os pesos podem ser atribuídos. Selecione uma fonte para visualizar ou modificar seus pesos associados.

Pesos do objeto (caso)

Com o campo Rótulos de objeto nos painéis de seleção, você pode definir uma variável que contenha pesos para casos individuais (objetos). Esses pesos ajustam a influência de cada objeto na função de perda quando os dados de proximidade são usados. Os pesos de caso não são aplicáveis a dados multivariados.

Função de pesos

A **função Weights (Pesos)** oferece três opções para esquemas especiais de ponderação de proximidade que são funções dos valores de proximidade:

- **Nenhum** : Nenhuma ponderação especial é aplicada. Somente a proximidade especificada pelo usuário e os pesos dos objetos (se houver) são usados.
- **Sammon** : aplica pesos à proximidade entre os objetos i e j . Esse peso enfatiza as proximidades menores, como no mapeamento Sammon.
- **Energia** : Aplica pesos que enfatizam ainda mais as proximidades menores.

O peso total aplicado a cada proximidade é o produto dos pesos de proximidade definidos pelo usuário, os pesos de caso e a função de peso especial. Esses pesos derivados controlam a importância relativa de cada proximidade na função de perda que é minimizada pelo PROXMAP.

Mapeamento de proximidade: Inicial

A guia **Initial (Inicial)** especifica a configuração inicial do processo de otimização iterativa usado no PROXMAP. Uma boa configuração inicial pode acelerar a convergência e melhorar a qualidade da solução. Você pode escolher entre a inicialização automática usando o escalonamento clássico nas proximidades brutas ou em suas ordens de classificação. Você também pode fornecer uma configuração personalizada a partir do conjunto de dados.

Ajuste de escala clássico

Esse é a opção padrão. Uma solução de escala clássica (Análise de Coordenadas Principais) é calculada com base nas proximidades. Ele fornece uma configuração inicial derivada analiticamente no número especificado de dimensões.

Duas opções adicionais controlam como as proximidades são tratadas durante o escalonamento clássico:

- Com **Additive Constant Value (Valor constante aditivo)**, você pode especificar uma constante fixa a ser adicionada a todas as proximidades antes do dimensionamento. Isso pode melhorar as propriedades métricas e evitar autovalores negativos. O valor não deve resultar em proximidades negativas.
- Com a opção **Estimate Additive Constant (Estimar constante aditiva)**, o PROXMAP estima automaticamente a constante ideal a ser adicionada. Isso garante que a matriz de distância resultante seja semidefinida positiva.
- Com **Use Rank Numbers for Proximities**, você pode aplicar o escalonamento clássico às ordens de classificação das proximidades em vez dos valores brutos. Isso produz uma configuração de início ordinal e reduz a sensibilidade a valores discrepantes.

Configuração customizada

Com a **Custom Configuration**, você pode fornecer suas próprias coordenadas iniciais diretamente. As variáveis do conjunto de dados são selecionadas como dimensões da configuração inicial. Essas variáveis devem conter valores numéricos válidos, sem dados ausentes.

A lista de **variáveis** contém todas as variáveis disponíveis. Selecione as variáveis que contêm a configuração personalizada e mova-as para **Dimension(s)**.

A lista **Dimensões** exibe as variáveis selecionadas para uso como coordenadas iniciais. O número de variáveis selecionadas deve corresponder ao número de dimensões. Se forem fornecidas mais variáveis, os valores serão projetados nos primeiros p componentes principais, em que p é o número de dimensões.

Current Number of Dimensions (Número atual de dimensões) exibe a dimensionalidade especificada para a solução final (especificada na guia **Criteria (Critérios)**).

Mapeamento de proximidade: Modelo

Com a guia **Modelo**, você pode especificar o modelo de diferenças individuais a ser aplicado ao analisar várias fontes de proximidade. Ele também define como as transformações de proximidade são tratadas entre as fontes: de maneira uniforme (incondicional) ou independente (condicional à matriz).

Modelo de três vias

As configurações no **modelo de três vias** determinam como as proximidades de várias fontes são mapeadas em uma representação espacial comum, usando pesos espaciais. O modelo determina como os pesos espaciais são aplicados ao espaço comum. Em alguns modelos, os pesos espaciais são equivalentes aos pesos espaciais. Quando apenas uma única fonte é definida, todas as opções, exceto **Identidade**, são desativadas.

Opção	Descrição
Identidade	Pressupõe que todas as origens compartilham a mesma configuração sem escalonamento específico da origem. Disponível somente quando uma única fonte é especificada.
Dilatação (identidade ponderada)	Cada fonte é modelada com um único fator de escala aplicado uniformemente em todas as dimensões. Com essa opção, cada fonte pode perceber o espaço comum em uma escala geral diferente.
Euclidiano ponderado (diagonal)	Cada fonte atribui pesos diferentes às dimensões do espaço comum. Isso permite que as fontes enfatizem diferentes recursos espaciais.
Euclidiano generalizado	<p>Cada fonte tem direito a uma versão rotacionada e reponderada (em escala) do espaço comum. Esse é o modelo mais flexível e acomoda uma ampla gama de diferenças individuais.</p> <ul style="list-style-type: none"> • Classificação completa : Cada fonte usa a dimensionalidade total do espaço comum. • Classificação reduzida : Quando o usuário aplica uma restrição de classificação reduzida, a configuração de cada fonte (espaço individual, com classificação = número de dimensões - 1) é representado em um subespaço de dimensão inferior do espaço comum. <p>Essa abordagem envolve uma rotação ortogonal da configuração comum, seguida de uma projeção em um subespaço. Aqui, a rotação e a projeção juntas formam os chamados pesos espaciais.</p>

Condicionalidade / transformação

Esse painel controla como as proximidades são transformadas antes de ajustar as distâncias na configuração.

- Com a opção **Unconditional (Incondicional)**, você pode aplicar uma única função de transformação em todas as fontes. Essa opção é adequada quando se supõe que as fontes refletem uma estrutura comum.

A transformação padrão é exibida em **Transformação** (ordinal com laços que podem ser desvinculados).

Clique em **Define Transformation (Definir transformação)** para abrir uma caixa de diálogo em que é possível escolher entre todos os tipos de transformação (Linear, Power, Monotonic, Spline, Ordinal), manipulação de vínculos e outros parâmetros.

- Com a opção **Matrix-Conditional**, você pode escolher diferentes funções de transformação para diferentes fontes ou grupos de fontes. Quando selecionada, cada fonte é listada com a função de transformação padrão.

Clique em **Define Transformation (Definir transformação)** para escolher outra função a ser aplicada às fontes selecionadas. Essa opção só é ativada quando mais de uma fonte é definida.

Em **Definir transformação**, você pode selecionar como as proximidades são transformadas de forma otimizada antes de serem combinadas com as distâncias na configuração espacial. As opções a seguir estão disponíveis:

Opção	Descrição
Nenhum	Nenhuma transformação é aplicada. As proximidades são usadas no estado em que se encontram.
Linear	Aplica uma transformação de linha reta às proximidades. Intercept (caixa de seleção) é para adicionar uma constante à transformação, permitindo a modelagem em escala de intervalo. Se não estiver marcada, a transformação será dimensionada em proporção (nenhuma constante será adicionada).
Potência	Aplica uma transformação de energia. Intercept (caixa de seleção) é para adicionar um deslocamento constante à função de potência, se ativada.
Spline	Ajusta uma função polinomial (spline) suave por partes às proximidades. A interceptação inclui um termo constante na base do spline. O grau define a complexidade dos segmentos polinomiais (por exemplo, 1 = linear, 2 = quadrático). Interior Knots controla o número de pontos interiores usados para definir a forma do spline.
Sequência de união	Intervalos iguais: Os nós são espaçados de maneira uniforme ao longo da faixa de proximidade.

Opção	Descrição
	Percentis: Os nós são colocados em quantis empíricos da distribuição de proximidade.
Ordinal	<p>Aplica uma transformação de preservação de classificação (monotônica).</p> <p>Permitir que os vínculos sejam desvinculados : As proximidades vinculadas podem ser transformadas em valores diferentes.</p> <p>Mantenha os vínculos amarrados : As proximidades vinculadas permanecem vinculadas após a transformação.</p>

Mapeamento de proximidade: Restrições

Com a guia **Restrictions (Restrições)**, você pode restringir o espaço de solução especificando variáveis de atributo. Essas variáveis orientam ativamente a configuração, restringindo o espaço do objeto comum a uma combinação linear dos atributos. Isso permite o mapeamento supervisionado, que melhora a interpretabilidade ao ancorar as dimensões em variáveis externas significativas.

Selecione uma das opções a seguir.

Nenhum

Nenhuma restrição é imposta. A configuração é determinada apenas pelas proximidades (derivadas).

Attributes

Permite o mapeamento supervisionado usando uma ou mais variáveis externas como restrições de atributo. Quando essa opção é selecionada, você pode definir quais variáveis atuam como atributos e especificar como cada uma é transformada.

Variáveis

A lista **Variables (Variáveis)** à esquerda exibe todas as variáveis disponíveis no conjunto de dados. Selecione uma ou mais variáveis e clique no botão de seta para movê-las para **Atributos**.

Attributes

O painel direito exibe todas as variáveis de atributo selecionadas junto com a função de transformação padrão. Essas transformações controlam como os atributos são dimensionados ou transformados para uso na configuração restrita.

Clique em **Definir transformação** para atribuir uma função de transformação ao atributo selecionado. As opções a seguir estão disponíveis:

- **Linear** mantém o atributo em sua escala padronizada.
- **O Spline** aplica uma transformação suave, monotônica ou não monotônica, usando uma função polinomial por partes.
- **O ordinal** preserva apenas a ordem de classificação.
- **O Nominal** trata as categorias como não ordenadas e as ajusta de forma otimizada. Fornece uma única transformação (em contraste com a transformação nominal para propriedades).

Você pode selecionar várias linhas no campo **Attributes (Atributos)** para definir a mesma transformação para vários atributos.

O espaço comum é estimado sob a restrição de que as coordenadas do objeto estão dentro do subespaço abrangido pelos atributos transformados. O campo **Current Number of Dimensions (Número atual de dimensões)** exibe a dimensionalidade da solução, que é definida na guia **Criteria (Critérios)**. Sempre selecione um número maior de atributos do que o número de dimensões.

Mapeamento de proximidade: Suplementar

Com a guia **Supplementary (Suplementar)**, você pode definir variáveis de propriedade que ajudam na interpretação da configuração espacial, mas não influenciam sua estimativa (mapeamento não supervisionado).

Variáveis

A lista **Variables (Variáveis)** à esquerda exibe todas as variáveis disponíveis no conjunto de dados ativo. Selecione uma ou mais variáveis que você deseja tratar como propriedades e mova-as para a lista **Propriedades**. Qualquer número de propriedades pode ser selecionado.

Propriedades

O painel **Propriedades** lista todas as variáveis designadas como variáveis de propriedade, juntamente com a transformação atribuída a cada uma delas.

Clique em **Define Transformation (Definir transformação)** para atribuir uma função de transformação a uma ou mais variáveis de propriedade selecionadas. Veja as seguintes opções disponíveis:

- **O Linear** mantém as propriedades em sua escala padronizada.
- **O Spline** aplica uma transformação suave, monotônica ou não monotônica, usando uma função polinomial por partes.
- **O ordinal** preserva apenas a ordem de classificação.
- Categorias de ajustes **nominais** como os centroides dos pontos de objeto associados na configuração.

Mapeamento de proximidade: Critérios

A guia **Critérios** especifica as configurações algorítmicas que controlam a dimensionalidade da solução, o comportamento de convergência do processo de otimização e a padronização e orientação pós-solução da configuração resultante.

Dimensionalidade

Define o número de dimensões no espaço comum. O valor deve ser maior ou igual a 2 e menor que o valor do número de objetos - 1. Aumentar o número de dimensões pode melhorar o ajuste, mas isso pode reduzir a interpretabilidade.

Convergência de algoritmo

Essas configurações determinam quando a otimização iterativa é interrompida.

Campo	Descrição	Valor Padrão
Mínimo de função	Define o limite para o valor da função de perda abaixo do qual a solução é aceita. Se o valor da função de perda cair abaixo desse mínimo, a iteração será interrompida. O valor deve ser maior ou igual a zero.	1.0×10^{-6}
Diferença de função	Define o critério de convergência com base na alteração da função de perda entre as iterações. Se a diferença absoluta nos valores da função ficar abaixo desse valor, considera-se que o algoritmo convergiu. O valor deve ser maior ou igual a zero.	1.0×10^{-12}

Campo	Descrição	Valor Padrão
Diferença de configuração	Define o limite de convergência para alterações na configuração entre iterações. Se o movimento total das posições do objeto ficar abaixo desse valor, o algoritmo será interrompido. O valor deve ser maior ou igual a zero.	1.0×10^{-6}
Máximo de iterações	Especifica o número máximo de iterações que o algoritmo pode executar. Se a convergência não for alcançada até esse número, a iteração será interrompida independentemente. O valor deve ser maior ou igual a zero.	1000

Padronização

Especifica como as variáveis multivariadas (se usadas para derivar as proximidades) são padronizadas antes do cálculo da distância. A opção também se aplica a variáveis de atributo e propriedade.

- Por padrão, a opção **Soma de quadrados = N** está selecionada.
- Selecione **Sum of Squares = N-1** se quiser consistência com outros procedimentos estatísticos.

Dimensão

Especifica como a configuração do espaço comum é orientada no espaço de coordenadas.

Botão de opções	Descrição
Nenhum / no estado em que se encontra	Nenhuma restrição é aplicada. A orientação é a orientação dos eixos principais, em que os sinais das dimensões são arbitrários.
Correlação positiva entre as dimensões	Define a reflexão da configuração para maximizar a correlação positiva entre as dimensões e os dados.
Quadrante positivo para a maior coordenada absoluta	Reflete as dimensões para garantir que o objeto com a maior coordenada apareça no quadrante positivo do espaço.
Por dimensão	Você pode definir os reflexos individualmente para cada dimensão. Marque a caixa de seleção ao lado de uma dimensão para aplicar a reflexão a esse eixo específico.

Mapeamento de proximidade: Saída

Com a subguia **Output (Saída)**, você pode solicitar tabelas e gráficos que resumem os dados e os resultados da análise do PROXMAP. Ela contém subguias para cada uma das principais guias de análise (**Data**, **Initial**, **Model**, **Restrictions**, **Supplementary** e **Criteria**)

Você pode solicitar um resultado relacionado a qualquer aspecto da análise. Cada subguia fornece caixas de seleção para solicitar tabelas ou gráficos específicos.

Dados

Na guia **Data (Dados)**, você pode solicitar a saída relacionada aos dados: dados multivariados, proximidades e pesos.

Tabelas (dados)

Opção	Descrição
Dados multivariados originais	Exibe os valores brutos das variáveis que são usadas para derivar as proximidades.
Proximidades originais	Exibe as proximidades conforme fornecidas diretamente pelo usuário (se aplicável).
Proximidades derivadas	Mostra as proximidades calculadas a partir dos dados multivariados para todas as fontes.
Proximidades combinadas	Exibe as proximidades agregadas se várias fontes forem combinadas.

Tabelas (pesos)

Opção	Descrição
Pesos originais	Lista os pesos de proximidade brutos (fornecidos pelo usuário) que são usados para cada fonte.
Pesos derivados	Fornecer listas de pesos que são derivados dos pesos brutos, dos pesos dos casos de objetos, dos dados ausentes e da função de peso aplicada às proximidades.
Pesos do objeto (caixa)	Exibe os pesos aplicados por objeto (se especificado).

Gráficos (dados)

O **histograma** de proximidade representa a distribuição dos valores de proximidade em todas as fontes.

Gráficos (pesos)

O **histograma** de pesos representa a distribuição dos pesos de proximidade (se os pesos forem fornecidos ou derivados).

Inicial

Com a subguia **Initial (Inicial)**, você pode solicitar a saída relacionada à configuração inicial, à decomposição do ajuste e às medidas de diagnóstico após a estimativa inicial.

Tabelas

Opção	Descrição
Coordenadas	Exibe as coordenadas dos objetos na configuração inicial.
Direções de variáveis	Mostra as direções dos vetores das variáveis originais no espaço de configuração (para dados multivariados). Fornece várias coordenadas para variáveis nominais (se presentes em dados multivariados).

Opção	Descrição
Direções de propriedade	Exibe as direções das variáveis de propriedade (ativado somente quando as propriedades estão definidas). Fornece várias coordenadas para variáveis nominais (se presentes em dados multivariados).
Decomposição por estresse	Informa a contribuição de cada objeto para o valor geral de perda (estresse).
Diagnósticos	Inclui estatísticas de ajuste e diagnósticos para avaliar a solução inicial. Isso inclui valores e vetores próprios para o início do escalonamento clássico.

Gráficos

Opção	Descrição
Configuração	Exibe uma representação gráfica do espaço do objeto.
Sub-gráfico multivariado	Combina pontos de objetos e direções de vetores variáveis em um gráfico conjunto, disponível para dados multivariados.
Biplot de propriedades	Visualiza a relação entre objetos e variáveis de propriedade (disponível quando as propriedades são definidas).
Gráfico de escarpa	Faz um gráfico dos valores próprios da solução de escala clássica e das dimensões restantes.
Gráfico de estresse	Um gráfico de bolhas sobreposto ao espaço de configuração do objeto. Cada objeto é representado como um ponto cercado por um círculo. O tamanho de cada círculo reflete a contribuição relativa desse objeto para a tensão normalizada geral na configuração.

Modelo

Com a subguia **Modelo**, você pode solicitar uma saída gráfica e tabular relacionada aos espaços comuns e individuais, transformações específicas da fonte e medidas de ajuste do modelo.

Tabelas

Opção	Descrição
Coordenadas	Lista as coordenadas dos objetos no espaço comum final.
Direções de variáveis	Lista as direções das variáveis originais (para dados multivariados). Fornece várias coordenadas para variáveis nominais (se presentes em dados multivariados).
Ponderações de espaço	Exibe os pesos espaciais estimados para cada fonte em modelos que permitem diferenças individuais.

Gráficos (espaço comum)

Opção	Descrição
Configuração	Exibe a configuração espacial comum dos objetos.
Sub-gráfico multivariado	Mostra que os dados de configuração e de direções são multivariados.
Sub-gráfico da classificação reduzida	Exibe as projeções específicas da fonte no espaço comum bidimensional se o modelo incluir espaços individuais de classificação reduzida com classificação 1. Esse gráfico combina o espaço comum com os espaços individuais em um único gráfico.
Árvore de amplitude mínima	Conecta todos os objetos na configuração com o menor comprimento total de borda possível. O MST ajuda a visualizar a estrutura subjacente da configuração, destacando agrupamentos e transições baseados em proximidade.
Vizinhos	Um gráfico de vizinhos conecta cada objeto na configuração aos seus k vizinhos mais próximos, com base nas distâncias no espaço de configuração. Esse gráfico enfatiza a estrutura local e ajuda a detectar clusters ou outliers na configuração. O valor do número de vizinhos mais próximos pode ser escolhido.
Limite	Conecta pares de objetos no espaço de configuração cujas proximidades originais ou transformadas são menores ou iguais a um limite especificado. O valor do limite pode ser escolhido.

Gráficos (espaço individual)

Opção	Descrição
Configuração	Plota configurações de espaço individuais para fontes selecionadas (usadas com modelos de diferenças individuais).
Ponderações de espaço	Exibe os pesos das dimensões para o modelo Dilation e Weighted Euclidean.

Gráficos (medidas de transformação e ajuste)

Opção	Descrição
Transformação	Mostra as proximidades transformadas em comparação com as proximidades originais das fontes selecionadas.
Residuais	Plota as diferenças entre as proximidades transformadas e as distâncias ajustadas versus as proximidades transformadas.
Ajuste	Exibe as distâncias ajustadas versus as distâncias transformadas por fonte.

Opção	Descrição
Shepard	Cria um diagrama de Shepard que compara as proximidades e as distâncias ajustadas com as proximidades originais das fontes selecionadas.

Restrições

A subguia **Restrições** fornece resultados relacionados ao uso de variáveis de atributo como restrições de configuração (mapeamento supervisionado). Você pode solicitar tabelas e visualizações para as versões original, transformada e ajustada desses atributos.

Atributos da tabela

Opção	Descrição
Atributos originais	Exibe os valores brutos das variáveis de atributo selecionadas.
Atributos transformados	Lista os valores dos atributos após a aplicação das transformações ideais.
Atributos ajustados	Mostra as projeções dos atributos transformados no espaço de configuração.
Pesos do atributo	Exibe os pesos calculados para os atributos para a restrição do espaço comum.
Direções do atributo	Lista as coordenadas do vetor que estão associadas a cada atributo no espaço conjunto.

Gráficos

Selecione um ou mais atributos da tabela a seguir para gerar os gráficos a seguir:

Opção	Descrição
Biplot	Exibe a configuração do objeto com vetores para as variáveis de atributo selecionadas.
Transformação	Exibe a função de transformação que é aplicada a cada atributo selecionado.
Residuais	Exibe a diferença entre os valores ajustados transformados e os valores transformados dos atributos selecionados.

O **Projection Plot** exibe uma projeção unidimensional de objetos no espaço comum em cada um dos atributos separadamente.

Suplementar

A subguia **Suplementar** fornece resultados relacionados a variáveis de propriedade, que são usadas para interpretação da configuração, mas não afetam a otimização (mapeamento não supervisionado).

Propriedades das tabelas

Opção	Descrição
Propriedades originais	Exibe os valores brutos das variáveis de propriedade.

Opção	Descrição
Propriedades transformadas	Mostra os valores depois que você aplica as transformações ideais.
Direções de propriedade	Lista os vetores direcionais de propriedades no espaço de configuração (quando aplicável).

Propriedades dos gráficos

Selecione uma ou mais propriedades da lista para gerar os gráficos a seguir:

Opção	Descrição
Biplot	Exibe a configuração do objeto com vetores para as variáveis de propriedade selecionadas.
Transformação	Mostra a transformação de cada propriedade selecionada.
Residuais	Plota a diferença entre os valores transformados - ajustados versus os valores transformados para as propriedades selecionadas.

O **Projection Plot** exibe uma projeção unidimensional de objetos no espaço comum em cada uma das propriedades separadamente.

Critérios

A subguia **Critérios** fornece informações de diagnóstico e visualizações relacionadas ao processo de estimativa iterativa e à convergência do modelo.

Tabelas

Opção	Descrição
Resumo	Relata os valores finais de estresse, o número de iterações, o tempo decorrido e quaisquer mensagens de erro.
Diagnósticos	Lista estatísticas de ajuste adicionais, incluindo a fórmula 1 de estresse de Kruskal, o coeficiente de alienação, a dispersão contabilizada, o coeficiente de congruência de Tucker e as correlações de Pearson e Spearman.
Histórico de iteração	Exibe a tensão normalizada para cada iteração, a diferença de tensão entre as iterações e a mudança de configuração (diferença de coordenadas) entre as iterações. Para limitar o tamanho da tabela, a tabela de histórico de iteração informa apenas um subconjunto de iterações, seguindo potências de 2. Isso captura o padrão geral de convergência sem listar todas as iterações
Decomposição por estresse	Decompõe o valor geral de estresse em contribuições de objetos individuais.

Gráficos

Opção	Descrição
Histórico de iteração	Exibe o gráfico de um subconjunto de valores para iterações, seguindo potências de 2. Valores de tensão normalizada versus número de iteração.
Gráfico de estresse	Um gráfico de bolhas que mostra as contribuições dos objetos no espaço comum, exibindo círculos ao redor dos pontos do objeto que são proporcionais à sua contribuição para a tensão normalizada.

Mapeamento de proximidade: Salvar

Com a guia **Salvar**, você pode exportar os resultados selecionados para um novo conjunto de dados.

Você pode optar por salvar os seguintes itens:

Coordenadas iniciais

As coordenadas da configuração inicial (espaço inicial).

Coordenadas finais

As coordenadas da configuração final (espaço comum).

Coordenadas do modelo

As coordenadas das configurações individuais (espaços individuais). A opção é ativada somente quando o número de fontes é maior que um.

Proximidades derivadas

As proximidades derivadas de dados multivariados ou as proximidades originais, se fornecidas diretamente.

Proximidades combinadas

As proximidades que são agregadas em todas as fontes (se várias fontes forem definidas).

Proximidades transformadas

As proximidades depois que você aplicar as funções de transformação selecionadas.

Atributos transformados

Os atributos transformados. A opção é ativada somente se os atributos forem especificados na guia **Restrições**.

Atributos ajustados

Os valores de atributo ajustados à configuração. A opção é ativada somente se os atributos estiverem selecionados.

Propriedades transformadas

Os valores transformados de propriedades suplementares. A opção é ativada somente se as propriedades forem definidas na guia **Suplementar**.

Propriedades ajustadas

Os valores de propriedade projetados na configuração. A opção é ativada somente se a opção **Propriedades** estiver selecionada.

Escolher conjunto de dados

Os itens selecionados são gravados em um novo conjunto de dados. Clique no botão de reticências (...) para abrir a caixa de diálogo **Save Data As (Salvar dados como)**, onde você pode especificar o nome do arquivo e a pasta de destino do novo conjunto de dados.

Correlações parciais

O procedimento Correlações Parciais calcula coeficientes de correlação parcial que descrevem o relacionamento linear entre duas variáveis enquanto controla os efeitos de uma ou mais variáveis adicionais. As correlações são medidas de associação linear. Duas variáveis podem estar perfeitamente relacionadas, mas se o relacionamento não for linear, um coeficiente de correlação não será uma estatística apropriada para medir a associação delas.

Exemplo:

Existe uma relação entre financiamento de assistência médica e taxas de doença? Embora talvez você espere que qualquer relacionamento desse tipo seja um relacionamento negativo, um estudo revela uma correlação *positiva* significativa: conforme o financiamento em assistência médica aumenta, taxas de doença parecem aumentar. No entanto, o controle da taxa de visitas nos provedores de assistência médica praticamente elimina a correlação positiva observada. O financiamento de assistência médica e as taxas de doença parecem estar positivamente relacionadas somente porque mais pessoas têm acesso à assistência médica quando o financiamento aumenta, levando a mais doenças diagnosticadas por médicos e hospitais.

Estatísticas

Para cada variável: número de casos com valores não omissos, média e desvio padrão. Matrizes de correlação parcial e de ordem zero, com graus de liberdade e níveis de significância.

Considerações de dados

Dados

Use variáveis quantitativas simétricas.

Suposições

O coeficiente de Correlações Parciais supõe que cada par de variáveis é bivariado normal.

Obtendo correlações parciais

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Correlacionar > Parcial ...

2. Selecione duas ou mais variáveis numéricas para as quais as correlações parciais devem ser calculadas.
3. Selecione uma ou mais variáveis de controle numéricas.

As seguintes opções também estão disponíveis:

Teste de significância

É possível selecionar probabilidades bicaudais ou unicaudais. Se a direção da associação for conhecida com antecedência, selecione **Unilateral**. Caso contrário, selecione **Bilateral**.

Exibir nível de significância real

Por padrão, a probabilidade e os graus de liberdade são mostrados para cada coeficiente de correlação. Se cancelar a seleção desse item, os coeficientes significativos no nível 0,05 serão identificados com um asterisco único, os coeficientes significativos no nível 0,01 serão identificados com um asterisco duplo, e os graus de liberdade serão suprimidos. Essa configuração afeta matrizes de correlação parcial e de ordem zero.

Opções de Correlações Parciais

Estatísticas. É possível escolher um ou ambos os seguintes itens:

- **Médias e desvios padrão.** Exibida para cada variável. O número de casos com valores não omissos também é mostrado.
- **Correlações de ordem zero.** Uma matriz de correlações simples entre todas as variáveis, incluindo variáveis de controle, é exibida.

Valores omissos. É possível escolher uma das seguintes alternativas:

- **Excluir listwise dos casos.** Casos com valores omissos para qualquer variável, incluindo uma variável de controle, são excluídos de todos os cálculos.
- **Excluir casos entre pares.** Para o cálculo das correlações de ordem zero na qual as correlações parciais são baseadas, um caso que possuir valores omissos para ambos ou um par de variáveis não é utilizado. A exclusão dos pares utiliza o máximo de dados possível. No entanto, o número de casos pode diferir entre os coeficientes. Quando a exclusão dos pares estiver em vigor, os graus de liberdade de um determinado coeficiente parcial são baseados no menor número de casos utilizados no cálculo de qualquer uma das correlações de ordem zero.

Recursos Adicionais do Comando PARTIAL CORR

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Ler uma matriz de correlações de ordem zero ou gravar uma matriz de correlações parciais (com o subcomando MATRIX).
- Obter correlações parciais entre duas listas de variáveis (utilizando a palavra-chave WITH no subcomando VARIABLES).
- Obter análises múltiplas (com diversos subcomandos VARIABLES).
- Especificar valores do pedido para solicitação (por exemplo, correlações parciais de primeira e segunda ordem) quando houver duas variáveis de controle (com o subcomando VARIABLES).
- Suprimir coeficientes redundantes (com o subcomando FORMAT).
- Exibir uma matriz de correlações simples quando alguns coeficientes não podem ser calculados (com o subcomando STATISTICS).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Distâncias

Este procedimento calcula qualquer variedade ampla de estatísticas que medem similaridades ou dissimilaridades (distâncias), seja entre pares de variáveis ou entre pares de caso. Essas medidas de similaridade ou de distância podem então ser utilizadas com outros procedimentos, como análise fatorial, análise de cluster ou ajuste de escala multidimensional, para ajudar a analisar conjuntos de dados complexos.

Exemplo, É possível medir similaridades entre pares de automóveis com base em determinadas características, como tamanho do motor, Km/h e cavalo-vapor? Ao calcular similaridades entre automóveis, é possível ter uma ideia de quais automóveis são semelhantes e quais são diferentes um do outro. Para uma análise mais formal, é possível considerar a aplicação de uma análise de cluster hierárquica ou um ajuste de escala multidimensional às similaridades para explorar a estrutura subjacente.

Estatísticas. As medidas de dissimilaridade (distância) para dados do intervalo são distância euclidiana, distância euclidiana quadrática, Chebychev, bloco, Minkowski, ou customizadas; para dados de contagem, qui-quadrado ou fi-quadrado; para dados binários, a distância euclidiana, distância euclidiana quadrática, diferença de tamanho, diferença padrão, variância, forma ou Lance e Williams. As medidas de similaridade para dados do intervalo são correlação ou cosseno de Pearson; para dados binários, Russel e Rao, correspondência simples, Jaccard, divisão, Rogers e Tanimoto, Sokal e Sneath 1, Sokal e Sneath 2, Sokal e Sneath 3, Kulczynski 1, Kulczynski 2, Sokal e Sneath 4, Hamann, Lambda, *D* de Anderberg, *Y* Yule, *Q* de Yuli, Ochiai, Sokal e Sneath 5, correlação de fi de 4 pontos ou dispersão.

Para Obter Matrizes de Distância

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Correlacionar > Distâncias...

2. Selecione pelo menos uma variável numérica para calcular distâncias entre casos, ou selecione pelo menos duas variáveis numéricas para calcular distâncias entre as variáveis.

3. Selecione uma alternativa no grupo Calcular Distâncias para calcular proximidades entre os casos ou entre variáveis.

Medidas de Dissimilaridade de Distâncias

No grupo Medida, selecione a alternativa que corresponda ao seu tipo de dados (intervalo, contagem ou binário) e, em seguida, na lista suspensa, selecione uma das medidas que corresponda a esse tipo de dados. As medidas disponíveis, por tipo de dados, são:

- **Dados do intervalo.** Distância Euclidiana, distância euclidiana quadrática, Chebychev, bloco, Minkowski ou customizada.
- **Dados de contagem.** Medida qui-quadrado ou medida fi-quadrado.
- **Dados binários.** Distância euclidiana, distância euclidiana quadrática, diferença de tamanho, diferença de padrão, variância, forma ou Lance e Williams. (Insira valores para Presente e Ausente para especificar quais dois valores são significativos; Distâncias ignorará todos os outros valores).

O grupo Valores de Transformação permite padronizar valores de dados para quaisquer casos ou variáveis antes do cálculo de proximidades. Essas transformações não são aplicáveis aos dados binários. Os métodos de padronização disponíveis são escores z, intervalo -1 a 1, intervalo 0 a 1, magnitude máxima de 1, média de 1 ou desvio padrão de 1.

O grupo Medidas de Transformação permite transformar os valores gerados pela medida de distância. Eles são aplicados após a medida de distância ter sido calculada. As opções disponíveis são valores absolutos, sinal de mudança e reajuste de escala para o intervalo 0-1.

Medidas de Similaridade de Distâncias

No grupo Medida, selecione a alternativa que corresponda ao seu tipo de dados (intervalo ou binário) e, em seguida, na lista suspensa, selecione uma das medidas que corresponda a esse tipo de dados. As medidas disponíveis, por tipo de dados, são:

- **Dados do intervalo.** Correlação ou cosseno de Pearson.
- **Dados binários.** Russell e Rao, correspondência simples, Jaccard, Dice, Rogers e Tanimoto, Sokal e Sneath 1, Sokal e Sneath 2, Sokal e Sneath 3, Kulczynski 1, Kulczynski 2, Sokal e Sneath 4, Hamann, Lambda, *D* d Anderberg, *Y* de Yule, *Q* de Yule, Ochiai, Sokal e Sneath 5, correlação de fi de 4 pontos ou dispersão. (Insira valores para Presente e Ausente para especificar quais dois valores são significativos; Distâncias ignorará todos os outros valores).

O grupo Valores de Transformação permite padronizar valores de dados para quaisquer casos ou variáveis antes do cálculo de proximidades. Essas transformações não são aplicáveis aos dados binários. Os métodos de padronização disponíveis são escores z, intervalo -1 a 1, intervalo 0 a 1, magnitude máxima de 1, média de 1 e desvio padrão de 1.

O grupo Medidas de Transformação permite transformar os valores gerados pela medida de distância. Eles são aplicados após a medida de distância ter sido calculada. As opções disponíveis são valores absolutos, sinal de mudança e reajuste de escala para o intervalo 0-1.

Recursos Adicionais do Comando PROXIMITIES

O procedimento Distâncias utiliza a sintaxe de comando PROXIMITIES. O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Especificar qualquer número inteiro como a potência para a medida de distância de Minkowski.
- Especificar quaisquer números inteiros como a potência e raiz para uma medida de distância customizada.

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Correlação de distância

Essa variável requer a opção de Base de Estatísticas.

O procedimento Distance Correlations calcula a dependência entre duas variáveis aleatórias ou dados multivariados. Ele avalia a relação não linear das variáveis, diferentemente dos métodos de correlação tradicionais.

Exemplo:

Uma empresa de varejo quer entender se os dados demográficos dos clientes (idade, renda, escolaridade, estado civil) influenciam seu comportamento de compra. Os métodos tradicionais de correlação podem falhar se as relações forem não lineares ou envolverem interações entre vários fatores.

O procedimento de correlação de distância pode ser aplicado no cenário com os seguintes benefícios:

- Captura dependências não lineares. Diferentemente da correlação de Pearson, a correlação de distância detecta relacionamentos mesmo que não sejam lineares.
- Lida com relacionamentos multidimensionais. Ele pode avaliar como uma combinação de fatores demográficos se relaciona com os padrões de compra.
- Fornece uma medida abrangente. Uma correlação de distância significativa sugere que os dados demográficos do cliente influenciam fortemente o comportamento de compra, orientando estratégias de marketing direcionadas.

Estatísticas associadas

- Correlação de distância ($dCor(X,Y)$): Mede a dependência entre os dados demográficos do cliente (X) e o comportamento de compra (Y).
- Valor p baseado em permutação: Avalia a significância estatística da dependência. Um valor de p pequeno (por exemplo, $p < 0.05$) indica uma relação forte.
- Covariância de distância ($dCov(X,Y)$): Quantifica a força da dependência entre as variáveis.
- Variância de distância ($dVar(X)$, $dVar(Y)$): Mede a variabilidade dentro de variáveis individuais para normalizar a correlação.

Considerações de dados

Somente variáveis contínuas podem ser usadas para análise. É necessário um mínimo de duas variáveis contínuas para calcular a correlação de distância. É permitido um máximo de 30 variáveis.

Obtenção da correlação de distância

1. No menu, clique em: **Analisar > Correlacionar > Distância Correlação**.
2. Selecione duas ou mais variáveis numéricas para as quais a correlação de distância é calculada. Você pode selecionar até 30 variáveis contínuas do conjunto de dados de origem para análise.
3. Selecione uma variável identificadora. Se você optar por uma **variável de ID**, os resultados exibirão uma tabela de matriz de distância com IDs.
4. Clique em **OK** para executar o procedimento com as configurações especificadas e gerar a saída.

Correlação de distância: critério

A subcaixa de diálogo Criteria (Critérios) fornece parâmetros de controle para normalização e outras opções importantes para personalizar o procedimento de correlação de distância.

Normalização

Selecione a opção para atribuir um tipo de normalização ao conjunto de dados. A normalização padroniza as escalas variáveis, mas pode distorcer inadvertidamente as relações altamente não lineares nos dados, que são cruciais para avaliar com precisão a correlação de distância. Portanto, isso é incluído para facilitar as relações lineares.

- A normalização **Min-Max** dimensiona cada recurso para um intervalo fixo, geralmente [0, 1]. Essa transformação é útil quando seu conjunto de dados contém variáveis com unidades ou intervalos diferentes. Essa normalização permite uma comparação justa entre as variáveis, garantindo que nenhuma variável individual domine os cálculos de distância devido à sua escala. Isso ajuda a atenuar os efeitos de grandes intervalos numéricos.
- A normalização **do Z-Score** centraliza os dados em torno da média com um desvio padrão de 1. Essa abordagem é útil para conjuntos de dados que são normalmente distribuídos. Essa normalização reduz a influência de outliers, pois dá a cada variável uma escala padronizada. Isso permite uma interpretação mais fácil dos resultados, especialmente quando você compara variáveis diferentes, pois todas as variáveis são tratadas igualmente em relação à sua distribuição.
- **O dimensionamento robusto** usa a mediana e o intervalo interquartil (IQR) para dimensionar os dados, tornando-os resistentes a valores discrepantes. A influência dos valores discrepantes é minimizada, permitindo cálculos de correlação de distância mais confiáveis quando há valores extremos. Essa técnica é vantajosa quando o conjunto de dados contém anomalias que podem distorcer os resultados.
- **A transformação logarítmica** foi projetada para reduzir a assimetria nos dados, especialmente em distribuições com assimetria positiva. Isso pode ajudar a estabilizar a variação no conjunto de dados. A transformação de log comprime os valores grandes e expande os valores menores, ajudando a normalizar a distribuição. Isso pode melhorar a precisão da análise de correlação de distância, especialmente quando você lida com conjuntos de dados altamente distorcidos.

Intervalo de confiança Porcentagem

Especifique a porcentagem do intervalo de confiança a ser usada na análise estatística.

A porcentagem do intervalo de confiança indica o nível de certeza associado às estimativas estatísticas. Uma porcentagem mais alta reflete maior confiança na precisão do intervalo, mas resulta em um intervalo mais amplo, enquanto uma porcentagem mais baixa produz um intervalo mais estreito com menos certeza.

Permutações de correlação de distância

Na correlação de distância, o teste de permutação é usado para avaliar a significância estatística da correlação de distância observada entre duas variáveis. O objetivo é avaliar se a correlação observada é significativamente diferente do que poderia ocorrer por acaso. Um dos conjuntos de dados (ou ambos) é permutado aleatoriamente, quebrando qualquer associação existente entre as variáveis. A correlação de distância é então recalculada para cada permutação, gerando uma distribuição de valores de correlação de distância sob a hipótese nula de nenhuma associação.

Selecione **Set Custom Seed (Definir semente personalizada)** para ativar o teste de permutação e especificar o número de iterações e o nível de significância. Defina o valor em **Seed**. Opcionalmente, é possível definir uma semente para o gerador de números aleatórios usado no teste de permutação. A semente deve ser um número inteiro positivo ou zero. O valor padrão é 2000000.

Defina o **Maximum Iterations (Iterações máximas)**. O valor deve ser um número inteiro positivo. O valor padrão é definido como 100 e não são permitidos valores negativos.

Ao comparar a correlação de distância observada com a distribuição de correlações de distância de conjuntos de dados permutados, um valor *p* é calculado. O valor de *p* representa a proporção de correlações de distância permutadas que são maiores ou iguais à correlação de distância observada. Um nível de significância é usado como um limite para determinar a significância estatística. Se o valor de *p* estiver abaixo do nível de significância, a correlação observada é considerada estatisticamente significativa. Defina o valor do **Nível de significância** entre 0 e 1. O valor padrão é 0,05.

Correlação de distância: imprimir

Imprimir detalhes

Selecione **Imprimir detalhes** para exibir uma tabela com as seguintes medidas essenciais: o número de observações (N), a média, o desvio padrão (Std. Desvio) e valores mínimo e máximo para cada

variável. Essas estatísticas fornecem uma visão geral abrangente do conjunto de dados e permitem que você compreenda melhor as distribuições e as características das variáveis que são comparadas.

Coeficientes de correlação de distância

Selecione **Distance Correlation Coefficients (Coeficientes de correlação de distância)** para gerar uma tabela que mostre os coeficientes de correlação de distância computados para a análise. dCor Value mostra o coeficiente de correlação de distância entre as variáveis. Se você optar por **Set Custom Seed (Definir semente personalizada)** na subcaixa de diálogo **Criteria (Critérios)** e definir um nível de significância, poderá visualizar a coluna Sig. que indica o nível de significância (valor p) associado ao coeficiente de correlação calculado.

Number of Replicates (R) indica o número de réplicas (ou permutações, se optado) usadas na análise.

Estimativas de covariância de distância

Se os usuários selecionarem um nível de intervalo de confiança (IC), a tabela incluirá os limites superior e inferior dos intervalos de confiança, fornecendo uma visão mais abrangente das estimativas.

Estimativas de significância e métricas de distância

As estimativas ajudam a avaliar os relacionamentos e as dependências entre as variáveis analisadas.

Matriz de distância

Selecione **Distance Matrix** para gerar uma tabela que exibe a matriz de distância para dados unidimensionais (por exemplo, variável "Idade"). As distâncias entre cada par de observações são representadas. Os elementos diagonais mostram a distância zero (distância até si mesmo). Essa matriz fornece uma visão clara das distâncias entre pares para que você possa fazer uma análise abrangente das relações entre as variáveis. Selecione a opção para configurar uma matriz de distância. Na caixa de diálogo **Configure Distance Matrix (Configurar matriz de distância)**, selecione as variáveis da lista para configurar a matriz de distância.

Salvar a matriz de distância como arquivo

Selecione a opção para salvar as matrizes de distância em um arquivo. Forneça o nome do arquivo em **Outfile File Directory**. A extensão de arquivo suportada é .sav.

Correlação de distância: gráfico

Selecione **Plot** para gerar gráficos para a Correlação de distância. Selecione **Scatterplot (Gráfico de dispersão)** para gerar um gráfico de dispersão que mostre as distâncias ou correlações entre as variáveis selecionadas.

Selecione a variável da lista a ser plotada no eixo X. A variável deve ser mutuamente exclusiva com outras variáveis escolhidas para o gráfico de dispersão.

Selecione outra variável da lista para plotar no eixo Y. Essa variável deve ser mutuamente exclusiva de outras variáveis escolhidas para o gráfico de dispersão.

Modelos lineares

Os modelos lineares preveem uma variável resposta contínua com base em relacionamentos lineares entre a resposta e um ou mais preditores.

Modelos lineares são relativamente simples e fornecem uma fórmula matemática facilmente interpretada para escoragem. As propriedades desses modelos são bem entendidas e, normalmente, podem ser construídas muito rapidamente em comparação com outros tipos de modelo (como redes neurais ou árvores de decisão) no mesmo conjunto de dados.

Exemplo. Uma empresa de seguros com recursos limitados para investigar indenizações de seguro dos proprietários de imóveis quer construir um modelo para estimar os custos de indenizações. Implementando esse modelo em centros de serviço, os representantes podem inserir informações sobre indenização enquanto estiverem ao telefone com um cliente e obterem imediatamente o custo "esperado" da indenização com base em dados passados.

Requisitos de campo. Deve haver uma Resposta e pelo menos uma Entrada. Por padrão, campos com funções predefinidas de Ambos ou Nenhum não são usados. A resposta deve ser contínua (escala). Não há nenhuma restrição de nível de medição em preditores (entradas); campos (flag do nominal e ordinal) categóricos são usados como fatores no modelo e campos contínuos são usados como covariáveis

Nota: Se um campo categórico tiver mais de 1000 categorias, o procedimento não será executado e nenhum modelo será construído.

Para obter um modelo linear

Essa variável requer a opção de Base de Estatísticas.

Nos menus, escolha:

Analisar > Regressão > Modelos Lineares Automáticos...

1. Certifique-se de que exista pelo menos uma resposta e uma entrada.
2. Clique em **Opções de Criação** para especificar configurações de construção e de modelo opcionais.
3. Clique em **Opções de Modelo** para salvar escores no conjunto de dados ativo e exportar o modelo para um arquivo externo.
4. Clique em **Executar** para executar o procedimento e criar os objetos Modelo.

Objetivos

Qual é o seu objetivo principal? Selecione o objetivo apropriado.

- **Crie um modelo padrão.** O método constrói um modelo único para prever a resposta usando os preditores. De um modo geral, modelos padrão são mais fáceis de interpretar e podem ser mais rápidos para pontuar do que combinações de conjuntos de dados impulsionadas, empacotadas ou grandes.
- **Aprimorar a precisão do modelo (boosting).** O método constrói um modelo de combinação usando boosting, que gera uma sequência de modelos para obter previsões mais exatas. Os conjuntos podem demorar mais para construir e pontuar do que um modelo padrão.

Boosting produz uma sucessão de "modelos de componente", cada um dos quais sendo construído no conjunto de dados inteiro. Antes de construir cada modelo de componente sucessivo, os registros são ponderados com base nos resíduos do modelo de componente anterior. Casos com grandes resíduos recebem ponderações de análise relativamente superiores, para que o próximo modelo de componente se concentre também na predição desses registros. Juntos, esses modelos de componente formam um modelo de combinação. O modelo de combinação pontua novos registros usando uma regra de combinação; as regras disponíveis dependem do nível de medição da resposta.

- **Aprimorar estabilidade do modelo (bagging).** O método constrói um modelo de combinação usando bagging (agregação de bootstrap), que gera vários modelos para obter previsões mais confiáveis. Os conjuntos podem demorar mais para construir e pontuar do que um modelo padrão.

A agregação de bootstrap (bagging) produz réplicas do conjunto de dados de treinamento fazendo amostragem com substituição a partir do conjunto de dados original. Isso cria amostras bootstrap de tamanho igual ao conjunto de dados original. Em seguida, um "modelo de componente" é construído em cada réplica. Juntos, esses modelos de componente formam um modelo de combinação. O modelo de combinação pontua novos registros usando uma regra de combinação; as regras disponíveis dependem do nível de medição da resposta.

- **Crie um modelo para conjuntos de dados muito grandes (requer o servidor IBM SPSS Estatísticas).** O método constrói um modelo de combinação dividindo o conjunto de dados em blocos de dados separados. Escolha esta opção se o seu conjunto de dados for muito grande para construir qualquer um dos modelos acima, ou para construção de modelo incremental. Esta opção pode levar menos tempo para construir, mas pode demorar mais para pontuar do que um modelo padrão. Essa opção requer conectividade do IBM SPSS Estatísticas Server

Consulte ["Combinações"](#) na página 163 para obter configurações relacionadas a boosting, bagging e conjuntos de dados muito grandesboosting e bagging.

Básico

Preparar dados automaticamente. Essa opção permite que o procedimento transforme internamente a resposta e preditores para maximizar o poder preditivo do modelo; qualquer transformação é salva com o modelo e aplicada nos novos dados para escoragem. As versões originais de campos transformados são excluídas do modelo. Por padrão, a preparação de dado automático a seguir é executada.

- **Tratamento de Data e Hora.** Cada preditor de data é transformado em um novo preditor contínuo contendo o tempo decorrido desde uma data de referência (01-01-1970). Cada preditor de tempo é transformado em um novo preditor contínuo contendo o tempo decorrido desde um tempo de referência (00h00min00s).
- **Ajustar nível de medição.** Preditores contínuos com menos de 5 valores distintos são reformulados como preditores ordinais. Preditores ordinais com mais de 10 valores distintos são reformulados como preditores contínuos.
- **Tratamento de valor discrepante.** Valores de preditores contínuos que estão além de um valor de corte (3 desvios padrão a partir da média) são configurados para o valor de corte.
- **Tratamento de valor omissos.** Valores omissos de preditores nominais são substituídos pelo modo da partição de treinamento. Valores omissos de preditores ordinais são substituídos pela mediana da partição de treinamento. Valores omissos de preditores contínuos são substituídos pela média da partição de treinamento.
- **Mesclagem supervisionada.** Isso torna um modelo mais econômico reduzindo o número de campos a serem processados em associação com a resposta. Categorias semelhantes são identificadas com base no relacionamento entre a entrada e a resposta. Categorias que não são significativamente diferentes (ou seja, que têm um valor p maior que 0,1) são mescladas. Se todas as categorias forem mescladas em uma, as versões originais e derivadas do campo serão excluídas do modelo porque elas não têm nenhum valor como um preditor.

Nível de confiança. Esse é o nível de confiança usado para calcular estimativas de intervalo dos coeficientes do modelo na visualização de [Coeficientes](#). Especifique um valor maior que 0 e menor que 100. O padrão é 95.

Seleção de Modelo

Método de seleção de modelo. Escolha um dos métodos de seleção de modelo (detalhes abaixo) ou **Inclua todos os preditores**, o que simplesmente insere todos os preditores disponíveis como termos modelo dos principais efeitos. Por padrão, **Forward stepwise** é usado.

Seleção de Forward Stepwise. Isso inicia sem nenhum efeito no modelo e inclui e remove efeitos um passo por vez até que nada mais possa ser incluído ou removido de acordo com os critérios stepwise.

- **Critérios para entrada/remoção.** Essa é a estatística usada para determinar se um efeito deve ser incluído ou removido a partir do modelo. **Critério de Informações (AICC)** é baseado na probabilidade do conjunto de treinamento dado o modelo e é ajustado para penalizar modelos excessivamente complexos. **Estatísticas F** são baseadas em um teste estatístico da melhoria no erro de modelo. **R-quadrado ajustado** é baseado no ajuste do conjunto de treinamento e é ajustado para penalizar modelos excessivamente complexos. **Critério de Prevenção ao Super Ajuste (ASE)** é baseado no ajuste (erro quadrático de média ou ASE) do conjunto de prevenção ao super ajuste. O conjunto de prevenção ao super ajuste é uma subamostra aleatória de aproximadamente 30% do conjunto de dados original que não é usado para treinar o modelo.

Se qualquer critério diferente de **Estatísticas F** for escolhido, então, em cada passo o efeito que corresponde ao maior aumento positivo no critério será incluído no modelo. Qualquer efeito no modelo que corresponde a uma diminuição no critério é removido.

Se **Estatísticas F** for escolhido como o critério, então, em cada passo o efeito que tiver o menor valor p inferior ao limite especificado, **Incluir os efeitos com valores p inferiores a**, será incluído no modelo. O padrão é 0,05. Qualquer efeito no modelo com um valor p maior que o limite especificado, **Remover efeitos com valores p maiores que**, será removido. O padrão é 0,10.

- **Customizar número máximo de efeitos no modelo final.** Por padrão, todos os efeitos disponíveis podem ser inseridos no modelo. Como alternativa, se o algoritmo stepwise terminar um passo com o número máximo de efeitos, o algoritmo para com o conjunto atual de efeitos.
- **Customizar número máximo de passos.** O algoritmo stepwise para após um determinado número de passos. Por padrão, esse é 3 vezes o número de efeitos disponíveis. Como alternativa, especifique um número máximo de número inteiro positivo de passos.

Melhor Seleção de Subconjuntos. Isso verifica "todos possíveis" modelos ou pelo menos um maior subconjunto de possíveis modelos do que forward stepwise, para escolher o melhor de acordo com o melhor critério de subconjuntos. **O Critério de Informação (AICC)** é baseado na verossimilhança do conjunto de treinamento dado ao modelo e é ajustado para penalizar modelos excessivamente complexos. **R-quadrado ajustado** é baseado no ajuste do conjunto de treinamento e é ajustado para penalizar modelos excessivamente complexos. **Critério de Prevenção ao Super Ajuste (ASE)** é baseado no ajuste (erro quadrático de média ou ASE) do conjunto de prevenção ao super ajuste. O conjunto de prevenção ao super ajuste é uma subamostra aleatória de aproximadamente 30% do conjunto de dados original que não é usado para treinar o modelo.

O modelo com o maior valor do critério é escolhido como o melhor modelo.

Nota: A seleção dos melhores subconjuntos é computacionalmente mais intensiva do que a seleção forward stepwise. Quando a seleção de melhores subconjuntos é executada em conjunção com boosting, bagging ou conjuntos de dados muito grandes, isso pode levar consideravelmente mais tempo para construir do que um modelo padrão construído usando a seleção forward stepwise.

Combinações

Essas configurações determinam o comportamento da combinação que ocorre quando boosting, bagging ou conjuntos de dados muito grandes são solicitados em Objetivos. Opções que não se aplicam ao objetivo selecionado são ignoradas.

Bagging e Conjuntos de Dados Muito Grandes. Ao pontuar uma combinação, essa é a regra usada para combinar os valores preditos a partir dos modelos base para calcular o valor de escore de combinação.

- **Regra de combinação padrão para variáveis de resposta contínua.** Valores preditos de combinação para variáveis de resposta contínua podem ser combinados usando a média ou a mediana dos valores preditos a partir dos modelos base.

Observe que quando o objetivo é aprimorar a precisão do modelo, as seleções de regra de combinação são ignoradas. Boosting sempre usa um voto de maioria ponderada para escorear variáveis resposta categórica e uma mediana ponderada para escorear variáveis de resposta contínua.

Boosting e Bagging. Especifique o número de modelos base para construir quando o objetivo for aprimorar a precisão ou a estabilidade do modelo; para bagging, esse é o número de amostras bootstrap. Ele deve ser um número inteiro positivo.

Avançado

Replicar resultados. Configurar uma semente aleatória permite que você replique análises. O gerador de números aleatórios é usado para escolher quais registros estão no conjunto de prevenção ao super ajuste. Especifique um número inteiro ou clique em **Gerar**, que criará um número inteiro pseudoaleatório entre 1 e 2147483647, inclusive. O padrão é 54752075.

Opções de Modelo

Salve valores preditos no conjunto de dados. O nome de variável padrão é *PredictedValue*.

Modelo de exportação. Isso grava o modelo em um arquivo externo .zip . É possível usar esse arquivo de modelo para aplicar as informações de modelo a outros arquivos de dados para propósitos de escoragem. Especifique um nome do arquivo exclusivo, válido. Se a especificação do arquivo se referir a um arquivo existente, então, o arquivo será sobrescrito.

Sumarização do Modelo

A visualização de Sumarização do Modelo é uma captura instantânea, sumarização de visão rápida do modelo e de seu ajuste.

Tabela. A tabela identifica algumas configurações de modelo de alto nível, incluindo:

- O nome da resposta especificado na guia [Campos](#),
- Se a preparação de dado automático foi executada conforme especificado nas configurações [Básicas](#),
- O método de seleção de modelo e o critério de seleção especificados nas configurações de [Seleção de Modelo](#). O valor do critério de seleção para o modelo final também é exibido e é apresentado em formato menor, que é melhor.

Gráfico. O gráfico exibe a precisão do modelo final, que é apresentada em formato maior, que é melhor. O valor é $100 \times$ o valor de R^2 ajustado para o modelo final.

Preparação de Dado Automático

Essa visualização mostra informações sobre quais campos foram excluídos e como campos transformados foram derivados no passo de preparação de dado automático (ADP). Para cada campo que foi transformado ou excluído, a tabela lista o nome do campo, o seu papel na análise e a ação tomada pelo passo de ADP. Campos são ordenados por ordem alfabética ascendente de nomes de campo. As possíveis ações tomadas para cada campo incluem:

- **Duração da derivação: meses** calcula o tempo decorrido em meses a partir dos valores em um campo que contém datas para a data do sistema atual.
- **Duração da derivação: horas** calcula o tempo decorrido em horas a partir dos valores em um campo que contém horas para o tempo do sistema atual.
- **Mudar nível de medição de contínuo para ordinal** reformula campos contínuos com menos de 5 valores exclusivos como campos ordinais.
- **Mudar nível de medição de ordinal para contínuo** reformula campos ordinais com mais de 10 valores exclusivos como campos contínuos.
- **Aparar valores discrepantes** configura valores de preditores contínuos que estão além de um valor de corte (3 desvios padrão a partir da média) para o valor de corte.
- **Substituir valores omissos** substitui valores omissos de campos nominais com os campos de modo, ordinais pelos campos de mediana e contínuos com a média.
- **Mesclar categorias para maximizar associação com resposta** identifica categorias do preditor "semelhantes" com base no relacionamento entre a entrada e a resposta. Categorias que não são significativamente diferentes (ou seja, que têm um valor p maior que 0,05) são mescladas.
- **Excluir preditor de constante / após o tratamento de valor discrepante / após a combinação de categorias** remove preditores que têm um valor único, possivelmente após outras ações de ADP terem sido tomadas.

Importância do Preditor

Normalmente, você desejará focar os seus esforços de modelagem nos campos preditores que importam mais e considerar descartar ou ignorar aqueles que menos importam. O gráfico de importância do preditor ajuda você a executar isso, indicando a importância relativa de cada preditor para estimar o modelo. Como os valores são relativos, a soma dos valores para todos os preditores na exibição é 1,0. A importância do preditor não é relacionada com a precisão do modelo. Ela é relacionada apenas com a importância de cada preditor em fazer uma predição, não se a predição é exata ou não.

Predito por Observado

Isso exibe um gráfico de dispersão categorizado dos valores preditos no eixo vertical pelos valores observados no eixo horizontal. Idealmente, os pontos devem estar em uma linha de 45 graus; essa visualização pode lhe dizer se algum registro foi particularmente previsto de forma inválida pelo modelo.

Resíduos

Isso exibe um gráfico de diagnóstico de resíduos do modelo.

Estilos de gráfico. Existem estilos de exibição diferentes, que são acessíveis a partir da lista suspensa de **Estilos**.

- **Histograma.** Esse é um histograma categorizado dos resíduos estudentizados com uma sobreposição da distribuição normal. Modelos lineares assumem que os resíduos têm uma distribuição normal, assim, o histograma deve, idealmente, aproximar bem a linha suave.
- **Gráfico P-P.** Esse é um gráfico de probabilidade-probabilidade categorizado comparando os resíduos estudentizados a uma distribuição normal. Se a inclinação dos pontos criados em gráfico for menos acentuada que a linha normal, os resíduos mostram maior variabilidade que uma distribuição normal; se a inclinação for mais acentuada, os resíduos mostram menos variabilidade que uma distribuição normal. Se os pontos criados em gráfico tiverem uma curva em formato S, então, a distribuição de resíduos será desviada.

Valores Discrepantes

Essa tabela lista registros que exercem uma influência indevida sobre o modelo e exibe o ID de registro (se especificado na guia Campos), o valor de resposta e a distância de Cook. A distância de Cook é uma medida de quanto os resíduos de todos os registros mudariam se um determinado registro fosse excluído do cálculo dos coeficientes do modelo. Uma distância de Cook grande indica que excluir um registro muda os coeficientes substancialmente e deve, portanto, ser considerada influente.

Registros influentes devem ser examinados cuidadosamente para determinar se é possível fornecer a eles menos peso na estimativa do modelo, truncar os valores discrepantes para algum limite aceitável ou remover os registros influentes completamente.

Efeitos

Essa visualização exibe o tamanho de cada efeito no modelo.

Estilos. Existem estilos de exibição diferentes, que são acessíveis a partir da lista suspensa de **Estilos**.

- **Diagrama.** Esse é um gráfico no qual os efeitos são ordenados da parte superior até a inferior diminuindo a importância do preditor. Linhas de conexão no diagrama são ponderadas com base na significância do efeito, com maior largura da linha correspondendo a efeitos mais significativos (valores p menores). Passar o mouse sobre uma linha de conexão revela uma dica de ferramenta que mostra o valor p e a importância do efeito. Esse é o padrão.
- **Tabela.** Essa é uma tabela ANOVA para o modelo global e os efeitos do modelo individuais. Os efeitos individuais são ordenados da parte superior até a inferior diminuindo a importância do preditor. Observe que, por padrão, a tabela é reduzida para mostrar somente os resultados para o modelo global. Para ver os resultados para os efeitos do modelo individuais, clique na célula de **Modelo Corrigido** na tabela.

Importância do preditor. Há uma régua de controle de Importância do Preditor que controla quais preditores são mostrados na visualização. Isso não muda o modelo, mas simplesmente permite que você se concentre nos preditores mais importantes. Por padrão, os 10 efeitos principais são exibidos.

Significância. Há uma régua de controle de Significância que controla adicionalmente quais efeitos são mostrados na visualização, além daqueles mostrados com base na importância do preditor. Efeitos com valores de significância maiores que o valor da régua de controle são ocultados. Isso não muda o modelo, mas simplesmente permite que você se concentre nos efeitos mais importantes. Por padrão o valor é 1,00, de forma que nenhum efeito seja filtrado com base na significância.

Coefficientes

Essa visualização exibe o valor de cada coeficiente no modelo. Observe que fatores (preditores categóricos) são codificados pelo indicador dentro do modelo, de forma que **efeitos** contendo fatores geralmente terão múltiplos **coeficientes** associados; um para cada categoria, exceto a categoria correspondente ao parâmetro (referência) redundante.

Estilos. Existem estilos de exibição diferentes, que são acessíveis a partir da lista suspensa de **Estilos**.

- **Diagrama.** Esse é um gráfico que exibe o intercepto primeiro e, em seguida, ordena efeitos da parte superior até a inferior diminuindo a importância do preditor. Dentro de efeitos que contêm fatores, coeficientes são ordenados por ordem ascendente de valores dos dados. Linhas de conexão no diagrama são coloridas com base no sinal do coeficiente (veja a chave do diagrama) e ponderadas com base na significância do coeficiente, com maior largura da linha correspondendo a coeficientes mais significativos (valores p menores). Passar o mouse sobre uma linha de conexão revela uma dica de ferramenta que mostra o valor do coeficiente, o seu valor p e a importância do efeito com o qual o parâmetro está associado. Esse é o estilo padrão.
- **Tabela.** Isso mostra os valores, testes de significância e intervalos de confiança para os coeficientes do modelo individuais. Após o intercepto, os efeitos são ordenados da parte superior até a inferior diminuindo a importância do preditor. Dentro de efeitos que contêm fatores, coeficientes são ordenados por ordem ascendente de valores dos dados. Observe que, por padrão, a tabela é reduzida para mostrar somente o coeficiente, a significância e a importância de cada parâmetro de modelo. Para ver o erro padrão, a estatística t e o intervalo de confiança, clique na célula de **Coeficiente** na tabela. Passar o mouse sobre o nome de um parâmetro de modelo na tabela revela uma dica de ferramenta que mostra o nome do parâmetro, o efeito com o qual o parâmetro está associado e (para preditores categóricos), os rótulos de valor associados com o parâmetro de modelo. Isso pode ser especialmente útil para ver as novas categorias criadas quando a preparação de dado automático mescla categorias semelhantes de um preditor categórico.

Importância do preditor. Há uma régua de controle de Importância do Preditor que controla quais preditores são mostrados na visualização. Isso não muda o modelo, mas simplesmente permite que você se concentre nos preditores mais importantes. Por padrão, os 10 efeitos principais são exibidos.

Significância. Há uma régua de controle de Significância que controla adicionalmente quais coeficientes são mostrados na visualização, além daqueles mostrados com base na importância do preditor. Coeficientes com valores de significância maiores que o valor da régua de controle são ocultados. Isso não muda o modelo, mas simplesmente permite que você se concentre nos coeficientes mais importantes. Por padrão o valor é 1,00, de forma que nenhum coeficiente seja filtrado com base na significância.

Médias Estimadas

Esses são gráficos exibidos para preditores significativos. O gráfico exibe o valor estimado pelo modelo da resposta no eixo vertical para cada valor do preditor no eixo horizontal, mantendo todos os outros preditores constantes. Ele fornece uma visualização útil dos efeitos dos coeficientes de cada preditor na resposta.

Nota: se nenhum preditor for significativo, nenhuma média estimada será produzida.

Sumarização de Construção de Modelo

Quando um algoritmo de seleção de modelo diferente de **Nenhum** for escolhido nas configurações de Seleção de Modelo, isso fornece alguns detalhes do processo de construção de modelo.

Forward stepwise. Quando forward stepwise for o algoritmo de seleção, a tabela exibirá os últimos 10 passos no algoritmo stepwise. Para cada passo, o valor do critério de seleção e os efeitos no modelo nesse passo são mostrados. Isso lhe dá uma noção de quanto cada passo contribui com o modelo. Cada coluna permite que você ordene as linhas, de forma que seja possível ver mais facilmente quais efeitos estão no modelo em um passo específico.

Melhores subconjuntos. Quando melhores subconjuntos for o algoritmo de seleção, a tabela exibirá os 10 modelos principais. Para cada modelo, o valor do critério de seleção e os efeitos no modelo são mostrados. Isso lhe dá uma noção da estabilidade dos modelos principais; se eles tendem a ter muitos efeitos semelhantes com algumas diferenças, então, é possível estar bastante confiante no modelo "principal"; se eles tendem a ter efeitos muito diferentes, então, alguns dos efeitos podem ser muito semelhantes e devem ser combinados (ou um removido). Cada coluna permite que você ordene as linhas, de forma que seja possível ver mais facilmente quais efeitos estão no modelo em um passo específico.

Regressão linear

A Regressão Linear estima os coeficientes da equação linear, envolvendo uma ou mais variáveis independentes, que melhor preveem o valor da variável dependente. Por exemplo, é possível tentar prever o total de vendas anual de um vendedor (a variável dependente) a partir de variáveis independentes como idade, educação e anos de experiência.

Exemplo. O número de jogos vencidos por um time de basquete em uma temporada está relacionado ao número médio de pontos que a equipe marca por jogo? Um gráfico de dispersão indica que essas variáveis estão linearmente relacionadas. O número de jogos vencidos e o número médio de pontos marcados pelo adversário também estão linearmente relacionados. Essas variáveis possuem um relacionamento negativo. Conforme o número de jogos vencidos aumenta, o número médio de pontos marcados pelo adversário diminui. Com a regressão linear, é possível modelar o relacionamento dessas variáveis. Um bom modelo pode ser utilizado para prever quantos jogos os times irão vencer.

Estatísticas. Para cada variável: número de casos válidos, média e desvio padrão. Para cada modelo: coeficientes de regressão, matriz de correlações, correlações de parte ou parciais, R múltiplo, R^2 , R^2 ajustado, mudança em R^2 , erro padrão da estimativa, tabela de análise de variância, valores preditos e resíduos. Além disso, intervalos de confiança de 95% para cada coeficiente de regressão, matriz de variância-covariância, fator de inflação de variância, tolerância, teste de Durbin-Watson, medidas de distância (de Mahalanobis, Cook e valores de ponto de alavanca), DfBeta, DfFit, intervalos de predição e informações de diagnóstico entre casos. Gráficos: de dispersão, gráficos parciais, histogramas e gráficos de probabilidade normal.

Considerações de Dados de Regressão Linear

Dados. As variáveis dependentes e independentes devem ser quantitativas. Variáveis categóricas, como religião, campo de estudo principal ou região de residência, precisam ser recodificadas para variáveis binárias (simuladas) ou para outros tipos de variáveis de contraste.

Suposições. Para cada valor da variável independente, a distribuição da variável dependente deve ser normal. A variância da distribuição da variável dependente deve ser constante para todos os valores da variável independente. O relacionamento entre a variável dependente e cada variável independente deve ser linear, e todas as observações devem ser independentes.

Para obter uma análise de regressão linear

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Regressão > Linear...

2. Na caixa de diálogo Regressão Linear, selecione uma variável dependente numérica.
3. Selecione uma ou mais variáveis independentes numéricas.

Como opção, você pode:

- Agrupar variáveis independentes em blocos e especificar métodos de entrada diferentes para diferentes subconjuntos de variáveis.
- Escolher uma variável de seleção para limitar a análise a um subconjunto de casos que possuem um ou mais valores específicos para esta variável.
- Selecionar uma variável de identificação do caso para identificar pontos nos gráficos.
- Selecionar uma variável Ponderação de WLS numérica para uma análise de quadrados mínimos ponderados.

WLS. Permite obter um modelo de mínimos quadrados ponderados. Os pontos de dados são ponderados pelo recíproco de suas variâncias. Isso significa que as observações com variâncias grandes causam menos impacto na análise do que as observações associadas a variâncias pequenas. Se o valor da variável de ponderação for zero, negativo ou omissa, o caso será excluído da análise.

Métodos de Seleção de Variável de Regressão Linear

A seleção de método permite especificar como variáveis independentes são inseridas na análise. Usando métodos diferentes, é possível construir uma variedade de modelos de regressão a partir do mesmo conjunto de variáveis.

- *Inserir (Regressão)*. Um procedimento para seleção de variáveis em que todas as variáveis em um bloco são inseridas em um único passo.
- *Stepwise*. Em cada etapa, a variável independente não na equação que tem a menor probabilidade de F é inserida, se essa probabilidade for suficientemente pequena. As variáveis que já estiverem na equação de regressão serão removidas se a probabilidade de F for suficientemente grande. O método finalizará quando não houver mais variáveis elegíveis para inclusão ou remoção.
- *Remover*. Um procedimento para seleção de variáveis em que todas as variáveis em um bloco são removidas em um único passo.
- *Eliminação Backward*. Um procedimento de seleção de variáveis no qual todas as variáveis são inseridas na equação, em seguida, removidas sequencialmente. A variável com a menor correlação parcial com a variável dependente é considerada primeiro para remoção. Se ela atender ao critério para eliminação, ela será removida. Após a primeira variável ser removida, a variável restante na equação com a menor correlação parcial é a próxima a ser considerada. O procedimento é interrompido quando não houver variáveis na equação que satisfaçam os critérios de remoção.
- *Seleção Forward*. Um procedimento de seleção de variáveis stepwise no qual as variáveis são inseridas sequencialmente no modelo. A primeira variável considerada para entrada na equação é aquela com a maior correlação positiva ou negativa com a variável dependente. Esta variável será inserida na equação somente se ela satisfizer os critérios para a entrada. Se a primeira variável for inserida, a variável independente que não estiver na equação e que possuir a maior correlação parcial é considerada a próxima. O procedimento é interrompido quando não houver variáveis que atendam ao critério de entrada.

Os valores de significância em sua saída baseiam-se no ajuste de um modelo único. Portanto, os valores de significância são geralmente inválidos quando um método stepwise (stepwise, forward ou backward) é utilizado.

Todas as variáveis devem transmitir o critério de tolerância para serem inseridas na equação, independentemente do método de entrada especificado. O nível de tolerância padrão é 0,0001. Além disso, uma variável não será inserida se ela fizer com que a tolerância de outra variável já no modelo caia abaixo do critério de tolerância.

Todas as variáveis independentes selecionadas são incluídas em um modelo de regressão único. Entretanto, é possível especificar métodos de entrada diferentes para subconjuntos diferentes de variáveis. Por exemplo, é possível inserir um bloco de variáveis no modelo de regressão utilizando a seleção stepwise e um segundo bloco utilizando a seleção forward. Para incluir um segundo bloco de variáveis no modelo de regressão, clique em **Avançar**.

Regra do Conjunto de Regressão Linear

Os casos definidos pela regra de seleção são incluídos na análise. Por exemplo, se selecionar uma variável, escolher **igual a** e digitar 5 para o valor, então apenas os casos para os quais a variável selecionada tiver um valor igual a 5 serão incluídos na análise. Um valor da sequência de caracteres também é permitido.

Gráficos de Regressão Linear

Os gráficos podem ajudar na validação das suposições de normalidade, linearidade e igualdade das variâncias. Os gráficos também são úteis para detectar valores discrepantes, observações incomuns e casos influentes. Após salvá-los como novas variáveis, valores preditos, resíduos e outras informações de diagnóstico estão disponíveis no Editor de Dados para construir gráficos com as variáveis independentes. Os gráficos a seguir estão disponíveis:

Gráficos de dispersão. É possível representar quaisquer dois dos seguintes itens: a variável dependente, valores preditos padronizados, resíduos padronizados, resíduos excluídos, valores preditos ajustados, resíduos Estudentizados ou resíduos excluídos Estudentizados. Represente os resíduos padronizados com relação aos valores preditos padronizados para verificar a linearidade e a igualdade das variâncias.

Lista de variáveis de origem. Lista a variável dependente (DEPENDNT) e as variáveis preditas e residuais a seguir: Valores preditos padronizados (*ZPRED), Resíduos padronizados (*ZRESID), Resíduos excluídos (*DRESID), Valores preditos ajustados (*ADJPRED), Resíduos estudentizados (*SRESID), Resíduos excluídos estudentizados (*SDRESID).

Produzir todos os gráficos parciais. Exibe gráficos de dispersão de resíduos de cada variável independente e os resíduos da variável dependente quando ambas as variáveis são regredidas separadamente do restante das variáveis independentes. Pelo menos duas variáveis independentes devem estar na equação para que um gráfico parcial seja produzido.

Gráficos de Resíduos Padronizados. É possível obter histogramas de resíduos padronizados e gráficos de probabilidade normal comparando a distribuição de resíduos padronizados com uma distribuição normal.

Se quaisquer gráficos forem solicitados, estatísticas básicas serão exibidas para os valores preditos padronizados e resíduos padronizados (*DRESID e *ZRESID).

Regressão Linear: Salvando novas variáveis

É possível salvar valores preditos, resíduos e outras estatísticas úteis para informações de diagnósticos. Cada seleção inclui uma ou mais novas variáveis no seu arquivo de dados ativos.

Valores Preditos. Valores que o modelo de regressão prevê para cada caso.

- *Não padronizado.* O valor que o modelo prediz para a variável dependente.
- *Padronizado.* Uma transformação de cada valor previsto em sua forma padronizada. Ou seja, o valor predito médio é subtraído do valor predito, e a diferença é dividida pelo desvio padrão dos valores preditos. Os valores preditos padronizados possuem uma média de 0 e um desvio padrão de 1.
- *Ajustado.* O valor predito para um caso quando esse caso é excluído do cálculo dos coeficientes de regressão.
- *S.E. de predições significam.* Erros padrão dos valores preditos Uma estimativa do desvio padrão do valor médio da variável dependente para os casos que tiverem os mesmos valores das variáveis independentes.

Distâncias. Medidas para identificar casos com combinações de valores incomuns para as variáveis independentes e casos que podem ter um grande impacto no modelo de regressão.

- *Mahalanobis.* Uma medida de quanto os valores de um caso nas variáveis independentes diferem da média de todos os casos.. Uma distância de Mahalanobis grande identifica um caso como tendo valores extremos em uma ou mais variáveis independentes.
- *Cook.* Uma medida de quanto os resíduos de todos os casos mudariam se um caso em particular fosse excluído do cálculo dos coeficientes de regressão. Um D de Cook grande indica que excluir um caso do cálculo das estatísticas de regressão altera os coeficientes substancialmente.
- *Valores de ponto de alavanca.* Medidas a influência de um ponto no ajuste da regressão. O ponto de alavanca centralizado varia de 0 (nenhuma influência sobre o ajuste) a $(N-1)/N$.

Intervalos de Predição. Os limites superior e inferior para intervalos de predição de média e individuais.

- *Média.* Limites inferior e superior (duas variáveis) para o intervalo de predição da resposta média predita.
- *Indivíduo.* Limites inferior e superior (duas variáveis) para o intervalo de predição da variável dependente para um caso único.
- *Intervalo de confiança.* Insira um valor entre 1 e 99.99 para especificar o nível de confiança para os dois Intervalos de Previsão.. Média ou Individual deve ser selecionado antes de inserir esse valor. Os valores de intervalo de confiança típicos são de 90, 95 e 99.

Residuais. O valor real da variável dependente menos o valor predito pela equação de regressão.

- *Não padronizado.* A diferença entre um valor observado e o valor predito pelo modelo
- *Padronizado.* O resíduo dividido por uma estimativa de seu desvio padrão Resíduos padronizados, também conhecidos como resíduos de Pearson, possuem uma média de 0 e um desvio padrão de 1.
- *Estudentizado.* O residual dividido por uma estimativa de seu desvio-padrão que varia de caso para caso, dependendo da distância de valores de cada caso sobre as variáveis independentes a partir dos meios das variáveis independentes. Às vezes referido como resíduos estudados internamente.
- *Excluído.* O resíduo para um caso em que esse caso é excluído do cálculo dos coeficientes de regressão Ele é a diferença entre o valor da variável dependente e o valor predito ajustado.
- *Studentized excluído.* O resíduo excluído para um caso dividido por seu erro padrão A diferença entre um residual deletado Studentizado e seu residual de Studentizado associado indica quanta diferença eliminando um caso faz em sua própria predição. Às vezes referido como resíduos estudados externamente.

Estatísticas de Influência. A mudança nos coeficientes de regressão ($DfBeta[s]$) e nos valores preditos ($DfFit$) que resulta da exclusão de um caso específico. Valores $DfBetas$ e $DfFit$ padronizados também estão disponíveis junto da razão de covariância.

- *$DfBetas$.* A diferença no valor beta é a mudança no coeficiente de regressão resultante da exclusão de um determinado caso. Um valor é calculado para cada termo no modelo, incluindo a constante.
- *$DfBeta$ Padronizado.* Diferença padronizada no valor beta. A mudança no coeficiente de regressão resultante da exclusão de um caso específico. Você pode querer analisar casos com valores absolutos maiores que 2 divididos pela raiz quadrada de N , em que N é o número de casos. Um valor é calculado para cada termo no modelo, incluindo a constante.
- *$DfFit$.* A diferença no valor de ajuste é a mudança no valor predito que resulta da exclusão de um caso específico.
- *$DfFit$ Padronizado.* Diferença padronizada no valor de ajuste A mudança no valor predito resultante da exclusão de um caso específico. Você pode querer examinar valores padronizados que, em valor absoluto, excedem 2 vezes a raiz quadrada de p/N , em que p é o número paramétricas no modelo e N é o número de casos.
- *Razão de covariância.* A razão do determinante da matriz de covariâncias com um caso específico excluído do cálculo dos coeficiente de regressão para o determinante da matriz de covariâncias com todos os casos incluídos. Se a razão estiver próxima de 1, o caso não altera significativamente a matriz de covariâncias.

Estatísticas de coeficiente. Salva os coeficientes de regressão em um conjunto de dados ou em um arquivo de dados. Conjuntos de dados estão disponíveis para uso subsequente na mesma sessão, mas não são salvos como arquivos, a menos que sejam salvos explicitamente antes do término da sessão. Os nomes do conjunto de dados devem estar de acordo com as regras de nomenclatura de variáveis.

Exportar informações de modelo em arquivo XML. As estimativas paramétrica e (opcionalmente) suas covariâncias são exportadas no arquivo especificado em formato XML (PMML). É possível usar esse arquivo de modelo para aplicar as informações de modelo a outros arquivos de dados para propósitos de escoragem.

Estatísticas de Regressão Linear

As seguintes estatísticas estão disponíveis:

Coefficientes de Regressão- Estimativas exibe o coeficiente de Regressão B , o erro padrão de B , o coeficiente beta padronizado, o valor t para B e o nível de significância bicaudal de t . Os **intervalos de confiança** exibem intervalos de confiança com o nível de confiança especificado para cada coeficiente de regressão ou uma matriz de covariância. **Matriz de covariâncias** exibe uma matriz de variâncias-covariâncias de coeficientes de regressão com covariâncias fora da diagonal e variâncias na diagonal. Uma matriz de correlações também é exibida.

Ajuste de modelo- As variáveis que são inseridas e removidas do modelo são listadas e as seguintes 'estatísticas de qualidade do ajuste' são exibidas: múltiplas R , R^2 e ajustadas R^2 , erro padrão da estimativa e uma tabela de análise de variância.

Mudança de R ao quadrado- A mudança na estatística R^2 que é produzida incluindo ou excluindo uma variável independente. Se a alteração de R^2 associada a uma variável for grande, isso significa que a variável é uma boa preditora da variável dependente.

Descritivo- Fornece o número de casos válidos, a média e o desvio padrão para cada variável na análise.. Uma matriz de correlações com um nível de significância de um fator e o número de casos para cada correlação também são exibidos.

Correlação Semiparcial. A correlação entre a variável dependente e uma variável independente quando os efeitos lineares das outras variáveis independentes no modelo foram removidos da variável independente. Ela está relacionada à mudança no R -quadrado quando uma variável é incluída em uma equação. Às vezes é chamada de correlação semiparcial.

Correlação Parcial. A correlação que permanece entre duas variáveis após remover a correlação que é devido à sua associação mútua com outras variáveis. A correlação entre a variável dependente e uma variável independente quando os efeitos lineares das outras variáveis independentes no modelo tiverem sido removidos de ambas.

Diagnóstico de Colinearidade- Colinearidade (ou multicolinearidade) é a situação indesejável quando uma variável independente é uma função linear de outras variáveis independentes. Autovalores da matriz de produtos cruzados escalados e não centralizados, índices de condição e proporções de decomposição de variância são exibidos junto de fatores de inflação de variância (VIF) e tolerâncias para variáveis individuais.

Crítérios de seleção- Inclui o critério de informações de Akaike (AIC), o critério de predição de Amemiya (PC), o erro quadrático médio do critério de predição (Cp) e o critério Bayesiano de Schwarz (SBC). As estatísticas são exibidas na tabela de Resumo do Modelo

Resíduos- É possível selecionar '**PRESS Statistic**' para usar como uma estatística de validação cruzada para comparar diferentes modelos. Isso também exibe o teste '**Durban-Watson**' para correlação serial dos resíduos.. Escolha as informações de '**Diagnóstico de Caso**' para os casos que atendem ao critério de seleção (valores discrepantes acima de n desvios padrão).

Opções de regressão linear

As opções a seguir estão disponíveis:

Crítérios de Método Avançados Essas opções se aplicam quando o método de seleção de variáveis forward, backward ou stepwise é especificado. As variáveis podem ser inseridas ou removidas do modelo dependendo da significância (probabilidade) do valor F ou do próprio valor F .

- *Usar Probabilidade de F .* Uma variável será inserida no modelo se o nível de significância de seu valor F for menor que o valor de entrada e será removida se o nível de significância for maior que o valor de Remoção. A Entrada deve ser menor que Remoção, e ambos os valores devem ser positivos. Para inserir mais variáveis no modelo, aumente o valor de Entrada. Para remover mais variáveis do modelo, diminua o valor de Remoção.
- *Usar valor de F .* Uma variável será inserida no modelo se seu valor F for maior que o valor de Entrada e será removida se o valor F for menor que o valor de Remoção. A Entrada deve ser maior que Remoção, e ambos os valores devem ser positivos. Para inserir mais variáveis no modelo, diminua o valor de Entrada. Para remover mais variáveis do modelo, aumente o valor de Remoção.

Tolerância. Por padrão, o valor é 0,0001 Tolerância é a proporção da variância de uma variável na equação que não é considerada por outras variáveis independentes na equação. A tolerância mínima para qualquer variável na equação se a variável considerada foi incluída na análise é a tolerância mínima de uma variável que não está incluída na equação. As variáveis devem passar nos testes de tolerância e de tolerância mínima para entrar e permanecer em uma equação de regressão Se uma variável for aprovada nos critérios de tolerância, ela será elegível para inclusão com base no método em vigor

Incluir constante na equação. Por padrão, o modelo de regressão inclui um termo constante. Desmarcar esta opção força a regressão por meio da origem, o que raramente é feito. Alguns resultados de regressão por meio da origem não são comparáveis com os resultados de regressão que incluem uma constante. Por exemplo, R^2 não pode ser interpretado de maneira habitual.

Valores omissos. É possível escolher uma das seguintes opções:

- **Excluir listwise dos casos.** Apenas casos com valores válidos para todas as variáveis são incluídos na análise.
- **Excluir casos entre pares.** Casos com dados completos para o par de variáveis que estão sendo correlacionadas são utilizados para calcular o coeficiente de correlação no qual a análise de regressão é baseada. Graus de liberdade são baseados no N mínimo entre pares.
- **Substituir pela média.** Todos os casos são utilizados para cálculos, com a média da variável substituída por observações omissas.

Recursos Adicionais do Comando REGRESSION

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Gravar uma matriz de correlações ou ler uma matriz no lugar dos dados brutos para obter sua análise de regressão (com o subcomando MATRIX).
- Especificar níveis de tolerância (com o subcomando CRITERIA).
- Obter diversos modelos para as mesmas variáveis dependentes ou diferentes (com os subcomandos METHOD e DEPENDENT).
- Obter estatísticas adicionais (com os subcomandos DESCRIPTIVES e STATISTICS).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Regressão ordinal

Regressão Ordinal lhe permite modelar a dependência de uma resposta ordinal politômica em um conjunto de preditores, que podem ser fatores ou covariáveis. O design de Regressão Ordinal é baseado na metodologia de McCullagh (1980, 1998) e o procedimento é referido como PLUM na sintaxe.

A análise de regressão linear padrão envolve minimizar a soma das diferenças quadráticas entre uma variável de resposta (dependente) e uma combinação ponderada de variáveis preditoras (independentes). Os coeficientes estimados refletem como as mudanças feitas nos preditores afetam a resposta. A resposta é considerada como numérica, no sentido de que mudanças no nível da resposta são equivalentes por todo o intervalo da resposta. Por exemplo, a diferença de altura entre uma pessoa de 1,50 m de altura e uma pessoa de 1,40 m de altura é de 10 cm, que tem o mesmo significado que a diferença de altura entre uma pessoa de 2,10 m de altura e uma pessoa de 2 m de altura. Esses relacionamentos não necessariamente se mantêm para variáveis ordinais, em que a escolha e o número de categorias de resposta podem ser bastante arbitrários.

Exemplo, Regressão Ordinal poderia ser usada para estudar a reação do paciente à dosagem de medicamentos. As possíveis reações podem ser classificadas como *nenhuma*, *suave*, *moderada* ou *grave*. A diferença entre uma reação suave e moderada é difícil ou impossível de quantificar e baseia-se na percepção. Além disso, a diferença entre uma resposta suave e moderada pode ser maior ou menor que a diferença entre uma resposta moderada e grave.

Estatísticas e gráficos. Frequências observadas e esperadas e frequências acumulativas, resíduos de Pearson para frequências e frequências acumulativas, probabilidades observadas e esperadas, probabilidades acumulativas observadas e esperadas de cada categoria de resposta por padrão de covariável, matrizes de correlação e de covariâncias assintóticas de estimativas paramétrica, qui-quadrado de Pearson e qui-quadrado de razão de verossimilhança, estatísticas de qualidade de ajuste, histórico de iteração, teste de suposição de linhas paralelas, estimativas dos parâmetro, erros padrão, intervalos de confiança e estatísticas R^2 de Cox e Snell, de Nagelkerke e McFadden.

Considerações de Dados de Regressão Ordinal

Dados. A variável dependente é considerada como ordinal e pode ser numérica ou sequência de caracteres. A ordenação é determinada pela ordenação dos valores da variável dependente em ordem ascendente. O valor mais baixo define a primeira categoria. Variáveis de fator são consideradas categóricas. Variáveis covariáveis devem ser numéricas. Observe que usar mais de uma covariável contínua pode facilmente resultar na criação de uma tabela de probabilidades de célula muito grande.

Suposições. Somente uma variável de resposta é permitida e ela deve ser especificada. Além disso, para cada padrão distinto de valores ao longo das variáveis independentes, as respostas são consideradas variáveis multinomiais independentes.

Procedimentos relacionados. A regressão logística nominal usa modelos semelhantes para variáveis dependentes nominais.

Obtendo uma Regressão Ordinal

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Regressão > Ordinal...

2. Selecione uma variável dependente.

3. Clique em **OK**.

Opções de Regressão Ordinal

A caixa de diálogo Opções lhe permite ajustar parâmetros usados no algoritmo de estimação iterativa, escolher um nível de confiança para as suas estimativas paramétrica e selecionar uma função de ligação.

Iterações. É possível customizar o algoritmo iterativo.

- **Máximo de iterações.** Especifique um número inteiro não negativo. Se 0 for especificado, o procedimento retorna as estimativas iniciais.
- **Máximo de redução para metade do passo.** Especifique um número inteiro positivo.
- **Convergência de log da verossimilhança.** O algoritmo parará se a mudança absoluta ou relativa no log da verossimilhança for menor que esse valor. O critério não será usado se 0 for especificado.
- **Convergência de Parâmetro.** O algoritmo parará se a mudança absoluta ou relativa em cada uma das estimativas paramétrica for menor que esse valor. O critério não será usado se 0 for especificado.

Intervalo de confiança. Especifique um valor maior ou igual a 0 e menor que 100.

Delta. O valor incluído em frequências de célula zero. Especifique um valor não negativo menor que 1.

Tolerância à singularidade. Usado para verificar se há preditores altamente dependentes. Selecione um valor a partir da lista de opções.

Função de ligação. A função de ligação é uma transformação da probabilidades acumulativas que permite estimação do modelo. As cinco funções de link a seguir estão disponíveis.

- **Logit.** $f(x) = \log(x / (1-x))$. Normalmente usado para categorias distribuídas uniformemente.
- **Log-log complementar.** $f(x) = \log(-\log(1-x))$. Geralmente usada quando categorias superiores são mais prováveis.
- **Log-log negativo.** $f(x) = -\log(-\log(x))$. Geralmente usada quando categorias inferiores são mais prováveis.
- **Probit.** $f(x) = \Phi^{-1}(x)$. Geralmente usada quando a variável latente é normalmente distribuída.
- **Cauchit (Cauchy inverso).** $f(x) = \tan(\pi(x - 0.5))$. Geralmente usada quando a variável latente possui muitos valores extremos.

Saída de Regressão Ordinal

A caixa de diálogo Saída permite produzir tabelas para exibição no Visualizador e salvar variáveis no arquivo de trabalho.

Exibição. Produz tabelas para:

- **Imprimir histórico de iteração para cada n passo(s).** As estimativas de log da verossimilhança e paramétrica são impressas para a frequência de iteração de impressão especificada. A primeira e última iterações são sempre impressas.
- **Qualidade de estatísticas de ajuste.** As estatísticas de Pearson e de qui-quadrado de razão de verossimilhança. Elas são calculadas com base na classificação especificada na lista de variáveis.
- **Estatística de sumarização.** Estatísticas R^2 de Cox e Snell, de Nagelkerke e de McFadden.
- **Estimativas paramétrica.** Estimativas de parâmetros, erros padrão e intervalos de confiança.
- **Correlação assintótica de estimativas de parâmetros.** Matriz de correlações de estimativas de parâmetros.
- **Covariância assintótica de estimativas de parâmetros.** Matriz de covariâncias de estimativas de parâmetros.
- **Informações de célula.** Frequências observadas e esperadas e frequências acumulativas, resíduos de Pearson para frequências e frequências acumulativas, probabilidades observadas e esperadas, probabilidades acumulativas observadas e esperadas de cada categoria de resposta por padrão de covariável. Observe que para modelos com muitos padrões de covariável (por exemplo, modelos com covariáveis contínuas), essa opção pode gerar uma tabela muito grande e pesada.
- **Teste de linhas paralelas.** Teste da hipótese de que parâmetros de localização são equivalentes ao longo dos níveis da variável dependente. Isso está disponível somente para o modelo somente para local.

Variáveis salvas. Salva as variáveis a seguir no arquivo de trabalho:

- **Probabilidades de resposta estimada.** Probabilidades estimadas de modelo de classificação de um padrão de covariável/fator nas categorias de resposta. Há tantas probabilidades quanto o número de categorias de resposta.
- **Categoria predita.** A categoria de resposta que tem a probabilidade máxima estimada para um padrão de covariável/fator.
- **Probabilidade de categoria predita.** Probabilidade estimada de classificação de um padrão de covariável/fator na categoria predita. Essa probabilidade também é o máximo das probabilidades estimadas do padrão de covariável/fator.
- **Probabilidade de categoria real.** Probabilidade estimada de classificação de um padrão de covariável/fator na categoria real.

Imprimir log da verossimilhança. Controla a exibição do log da verossimilhança. **Incluir a constante de multinômio** lhe dá o valor integral da probabilidade. Para comparar os seus resultados ao longo de produtos que não incluem a constante, é possível escolher excluí-la.

Modelo de Localização de Regressão Ordinal

A caixa de diálogo Localização permite especificar o modelo de localização para a sua análise.

Especificar modelo. Um modelo dos principais efeitos contém os efeitos principais de covariável e fator, mas nenhum efeito de interação. É possível criar um modelo customizado para especificar subconjuntos de interações de fatores ou interações de covariáveis.

Fatores/covariáveis. Os fatores e covariáveis são listados.

Modelo de localização. O modelo depende dos efeitos principais e dos efeitos de interação que você selecionar.

Para os fatores e covariáveis selecionados:

Interação

Cria o termo de interação de nível mais alto de todas as variáveis selecionadas. Esse é o padrão.

Efeitos principais

Cria um termo dos principais efeitos para cada variável selecionada.

Todos de 2 fatores

Cria todas as interação de dois fatores das variáveis selecionadas.

Todos de 3 fatores

Cria todas as interações de três fatores possíveis das variáveis selecionadas.

Todos de 4 fatores

Cria todas as interações de quatro fatores possíveis das variáveis selecionadas.

Todos de 5 fatores

Cria todas as interações de cinco fatores possíveis das variáveis selecionadas.

Termos de construção e termos customizados**Construir termos**

Use esta opção quando quiser incluir termos não aninhados de um tipo específico (como efeitos principais) para todas as combinações de um conjunto selecionado de fatores e covariáveis.

Construir termos customizados

Use esta opção quando quiser incluir termos aninhados ou quando quiser construir explicitamente qualquer variável de termo por variável. A construção de um termo aninhado envolve as seguintes etapas:

Modelo de Escala de Regressão Ordinal

A caixa de diálogo Escala permite especificar o modelo de escala para a sua análise.

Fatores/covariáveis. Os fatores e covariáveis são listados.

Modelo de escala. O modelo depende dos efeitos principais e de interação que você selecionar.

Para os fatores e covariáveis selecionados:

Interação

Cria o termo de interação de nível mais alto de todas as variáveis selecionadas. Esse é o padrão.

Efeitos principais

Cria um termo dos principais efeitos para cada variável selecionada.

Todos de 2 fatores

Cria todas as interação de dois fatores das variáveis selecionadas.

Todos de 3 fatores

Cria todas as interações de três fatores possíveis das variáveis selecionadas.

Todos de 4 fatores

Cria todas as interações de quatro fatores possíveis das variáveis selecionadas.

Todos de 5 fatores

Cria todas as interações de cinco fatores possíveis das variáveis selecionadas.

Termos de construção e termos customizados**Construir termos**

Use esta opção quando quiser incluir termos não aninhados de um tipo específico (como efeitos principais) para todas as combinações de um conjunto selecionado de fatores e covariáveis.

Construir termos customizados

Use esta opção quando quiser incluir termos aninhados ou quando quiser construir explicitamente qualquer variável de termo por variável. A construção de um termo aninhado envolve as seguintes etapas:

Recursos Adicionais do Comando PLUM

É possível customizar sua Regressão Ordinal se colar suas seleções em uma janela de sintaxe e editar a sintaxe de comando PLUM resultante. O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Criar testes de hipótese customizados ao especificar hipóteses nulas como combinações lineares paramétricas.

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Regressão de rede elástica linear

Linear Elastic Net usa a classe Python `sklearn.linear_model.ElasticNet` para estimar modelos de regressão linear regularizados para uma variável dependente em uma ou mais variáveis independentes. A regularização combina penalidades L1 (Lasso) e L2 (Ridge). A extensão inclui modos opcionais para exibir gráficos de rastreo para diferentes valores de alfa para uma determinada razão L1 e para selecionar a razão L1 e os valores de hiperparâmetro alfa com base na validação cruzada. Quando um modelo único é encaixado ou a validação cruzada é usada para selecionar a proporção de pênalti e / ou alfa, uma partição de dados de holdout pode ser usada para estimar o desempenho fora da amostra.

Além de adequar um modelo com valores especificados da proporção de L1 de pênaltis e parâmetro de regularização alfa, rede elástica linear pode exibir um traço de valores de coeficiente para uma gama de valores alfa para uma determinada proporção, ou facilitar a escolha do valor de hiperparâmetros via validação de cruzamento k-fold em grades especificadas de valores. Se um único modelo for ajustado ou a seleção de razão e / ou alfa por meio de validação cruzada for executada, o modelo final poderá ser aplicado aos dados mantidos que são criados por uma partição dos dados de entrada para obter uma estimativa válida do desempenho fora da amostra do modelo.

Obtenção de uma análise de Regressão Líquida Elástica Linear

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Regressão > Alternativas de OLS Lineares > Elastic Net

O diálogo permite especificar uma variável que designa cada caso no dataset ativo para a amostra de treinamento ou holdout.

2. Selecione uma variável de destino numérica. Somente uma variável de destino é necessária para executar uma análise.
3. Especificar um dependente numérico.
4. Especificar pelo menos uma variável de fator categórico ou variável de covariado numérico.

Opcionalmente, **Partition** fornece uma maneira de criar um subconjunto de holdout ou teste dos dados de entrada para estimativa de desempenho fora de amostra do modelo especificado ou escolhido. Todo o particionamento é realizado após a exclusão listwise de quaisquer casos com dados inválidos para qualquer variável utilizada pelo procedimento. Observe que para validação do crossvalidação, folds ou partições dos dados de treinamento são criados em Python. Os dados de validação criados pela partição não são usados na estimação, independentemente do modo em vigor.

A partição pode ser definida especificando a proporção de casos que são designados aleatoriamente a cada amostra (em **partições de treinamento e de suspensão**) ou por uma variável que designa cada caso à amostra de treinamento ou de validação. Não é possível especificar treinamentos e variáveis. Se a partição não for especificada, uma amostra holdout é criada de aproximadamente 30% dos dados de entrada é criada.

O **Treinamento%** especifica o número relativo de casos no dataset ativo para atribuir aleatoriamente a amostra de treinamento. O treinamento padrão é 70%.

Regressão Líquida Elástica Lineares: Opções

A guia Opções fornece opções para:

Modo

Esta seleção fornece opções para especificar um dos modos a seguir:

Ajuste com proporção de L1 especificado e alfa

Quando você seleciona esse modo, um único modelo é ajustado para os dados de treinamento usando valores de regularização alfa e L1 especificados. Este é o padrão. Se uma partição for

especificada, o modelo único ou final ajustado será aplicado aos dados de teste retidos para estimar o desempenho fora da amostra.

Em **Plotar**, gráficos de valores observados e / ou resíduos versus valores preditos podem ser selecionados

Em **Salvar**, você pode especificar valores previstos e resíduos para salvar.

Gráfico de rastreo

Ao selecionar esse modo, três gráficos para os dados de treinamento são exibidos como uma função de alfa para o conjunto especificado de valores de alfa:

- Um traço de coeficientes de regressão.
- Um gráfico de R^2 .
- Um complô de erro quadrado médio (MSE).

Apesar de a partição ser honrada, nenhum resultado para dados de teste realizado são fornecidos porque nenhum modelo final resulta deste modo.

L1 razão e / ou seleção alfa por meio de validação cruzada

Ao selecionar esse modo, uma procura de grade com validação cruzada para avaliar modelos é executada e os melhores valores de razão e alfa são escolhidos com base na melhor média R^2 sobre as dobras de validação. O campo **Número de dobras de validação cruzada** pode ser usado para alterar o valor padrão de cinco divisões ou dobras para validação cruzada. Se uma partição for especificada, o modelo único ou final ajustado será aplicado aos dados de teste retidos para estimar o desempenho fora da amostra.

Em **Exibir**, é possível selecionar para mostrar informações básicas sobre apenas o modelo com o valor escolhido de razão e alfa (**Melhor**), informações básicas sobre todos os modelos comparados (**Comparar modelos**) ou informações completas sobre todas as divisões ou dobras para todos os modelos (**Comparar modelos e dobras**). **Best** é o padrão.

Em **Plot**, gráficos da média R^2 e / ou MSE sobre as dobras de validação podem ser selecionados. Também podem ser selecionados gráficos de valores observados e / ou de resíduos versus valores preditos

Em **Salvar**, você pode especificar valores previstos e resíduos para salvar.

Especificar proporções L1 individuais

Ao selecionar esse modo para o modo **Ajustar com a razão L1 especificada e o modo alfa** ou **Gráfico de rastreo**, é possível especificar um único valor de proporção de penalidade L1. Quando selecionado para a proporção **L1 e / ou seleção alfa por meio do modo de validação cruzada**, é possível especificar diversos valores..

Especificar grade de valores alfa

Ao selecionar esse modo para o modo **L1 de proporção e / ou seleção alfa por meio da validação cruzada**, uma grade de valores alfa exclusivos pode ser especificada de um valor **Start** (value1) para um valor **End** (value2) com o incremento de **By** (value3). Se especificado, apenas um conjunto válido de [value1 TO value2 BY value3] será permitido. Ele deve satisfazer esse $0 \leq \text{value1} \leq \text{value2} \leq 1$. Nos casos em que $\text{value1} = \text{value2}$, isso é equivalente a especificar um único value1, independentemente de value3.

Os gráficos são exibidos usando a métrica especificada para os eixos X horizontais dos valores alfa variáveis..

Especificar alphas individuais

Ao selecionar esse modo para o modo **Ajustar com a razão L1 especificada e o modo alfa**, é possível especificar um único valor de regularização alpha. Quando selecionado para o modo **Gráfico de rastreo** ou **L1 e / ou seleção alfa por meio de validação cruzada**, é possível especificar diversos valores.

Especificar grade de valores alfa

Quando você seleciona esse modo para o modo **Gráfico de Rastreo** ou **L1 e / ou seleção alfa por meio de validação cruzada**, uma grade de valores alfa exclusivos pode ser especificada

de um valor **Start** (value1) para um valor **End** (value2) com o incremento de **By** (value3). Se especificado, apenas um conjunto válido de [value1 TO value2 BY value3] será permitido. Deve satisfazer esse $0 \leq \text{value1} \leq \text{value2} \leq 1$. Nos casos em que value1 = value2, é equivalente a especificação de um único value1, independentemente de value3.

A métrica **Alpha** para intervalos de valores pode ser **Linear** ou **Base 10 logarítmica** (10 é elevado à potência de valores especificados).

Os gráficos são exibidos usando a métrica especificada para os eixos X horizontais dos valores alfa variáveis..

Crítérios

Análises de controles.

Incluir intercepto

Este critério inclui uma intercepção no (s) modelo (s) ajustado (s). Observe que o procedimento de extensão não centra ou padroniza a variável dependente, e a interceptação não é penalizada durante a estimação.

Preditores padronizados

Padroniza todas as variáveis independentes.

Número de dobras de validação cruzada

O número de divisões ou dobras para a avaliação de validação cruzada de modelos Deve ser um valor inteiro positivo maior que 1. O padrão é 5.

Python estado aleatório

O valor da configuração random_state em Python usado enquanto você executa a avaliação de validação cruzada de modelos. Ele permite a replicação de resultados que envolvem números pseudo aleatórios. O valor deve ser um número inteiro no intervalo de 0 a $2^{32}-1$. O padrão é 0.

Limite de tempo (minutos)

O número de minutos permitido para que os cálculos do modelo sejam executados. Se você especificar 0, o cronômetro é desligado. O valor padrão é 5 segundos.

Exibir

Esta opção especifica a quantia de saída a ser exibida para o modo **L1 de proporção e / ou seleção alfa por meio de validação cruzada** .

Melhor

Exibe apenas resultados básicos para o melhor modelo escolhido. Isso é configurado por padrão

Comparar modelos

Exibe resultados básicos para todos os modelos avaliados.

Comparar modelos e pastas

Exibe resultados de verbose completos para cada divisão ou dobra para cada modelo avaliado.

Gráfico

Esta opção especifica gráficos de valores observados ou residuais versus valores preditos e, com validação cruzada, especificação de gráficos de erro quadrático médio (MSE) e / ou R médio² sobre dobras de validação cruzada versus valores alfa.

Média de erro quadrático médio de validação cruzada (MSE) versus alfa

Para a **L1 razão e / ou seleção alfa via validação cruzada** modo, exibe um gráfico de linha de média MSE sobre dobras de validação cruzada versus alfa para o especificado ou selecionado melhor L1 valor de razão. Para o modo **Trace plot** , uma parcela similar é produzida automaticamente com base nos dados completos de treinamento.

Média de validação cruzada R Square versus alfa

Para a **L1 razão e / ou seleção alfa por meio de validação cruzada** modo, exibe um gráfico de linha de média R² sobre dobras de validação cruzada versus alfa para o melhor valor de

razão L1 especificado ou selecionado. Para o modo **Trace plot**, uma parcela similar é produzida automaticamente com base nos dados completos de treinamento.

Observado versus Previsto

Exibe um gráfico de dispersão de valores observados em relação aos preditos para o modelo especificado ou melhor.

Resíduos versus Previsto

Exibe um gráfico de dispersão de valores residuais em relação aos preditos para o modelo especificado ou melhor.

Salvar

Especifica variáveis para salvar no conjunto de dados ativos.

Valores preditos

Economiza valores previstos do modelo especificado ou melhor para o conjunto de dados ativos.

Também é possível especificar um **Nome de variável customizada**

Resíduos

Guarde resíduos das previsões de modelo especificado ou melhor para o conjunto de dados ativos.

Também é possível especificar um **Nome de variável customizada**

Regressão linear lasso

O Lasso linear usa a classe Python `sklearn.linear_model.Lasso` para estimar modelos de regressão linear regularizados de perda L1 para uma variável dependente em uma ou mais variáveis independentes e inclui modos opcionais para exibir gráficos de rastreo e selecionar o valor de hiperparâmetro alfa com base na validação cruzada. Quando um modelo único é montado ou a validação cruzada é usada para selecionar alfa, uma partição de dados de holdout pode ser usada para estimar o desempenho fora da amostra.

Além de encaixar um modelo com um valor especificado do parâmetro de regularização alfa, lasso linear pode exibir um traço de valores de coeficiente para uma gama de valores alfa, ou facilitar a escolha do valor de hiperparâmetro via crossvalidação de k-fold em grades especificadas de valores. Se um único modelo for ajustado ou a seleção alfa por meio de validação cruzada for executada, o modelo final poderá ser aplicado aos dados retidos criados por uma partição dos dados de entrada para obter uma estimativa válida do desempenho fora da amostra do modelo.

Obtendo uma análise de Lasso Regressão Linear

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Regressão > Alternativas de OLS Lineares > Lasso

O diálogo permite especificar uma variável que designa cada caso no dataset ativo para a amostra de treinamento ou holdout.

2. Selecione uma variável de destino numérica. Somente uma variável de destino é necessária para executar uma análise.
3. Especificar um dependente numérico.
4. Especificar pelo menos uma variável de fator categórico ou variável de covariado numérico.

Opcionalmente, **Partition** fornece uma maneira de criar um subconjunto de holdout ou teste dos dados de entrada para estimativa de desempenho fora de amostra do modelo especificado ou escolhido. Todo o particionamento é realizado após a exclusão listwise de quaisquer casos com dados inválidos para qualquer variável utilizada pelo procedimento. Observe que para validação do crossvalidação, folds ou partições dos dados de treinamento são criados em Python. Os dados de holdout criados pela partição não são usados em estimação, independentemente do modo em vigor.

A partição pode ser definida especificando a proporção de casos aleatoriamente atribuídos a cada amostra (sob **Partituras de Treinamento e Holdout**), ou por uma variável que atribui cada caso à amostra

de treinamento ou holdout. Não é possível especificar treinamentos e variáveis. Se a partição não for especificada, uma amostra holdout é criada de aproximadamente 30% dos dados de entrada é criada.

O **Treinamento%** especifica o número relativo de casos no dataset ativo para atribuir aleatoriamente a amostra de treinamento. O treinamento padrão é 70%.

Regressão Linear Lasso: Opções

A guia Opções fornece opções para:

Modo

Esta seleção fornece opções para especificar um dos modos a seguir:

Ajuste com alfa especificado

Ao selecionar esse modo, um único modelo é ajustado aos dados de treinamento usando apenas um valor de regularização alfa. Isso é configurado por padrão. Se uma partição for especificada, o modelo único ou final ajustado será aplicado aos dados de teste retidos para estimar o desempenho fora da amostra.

Em **Plotar**, gráficos de valores observados e / ou resíduos versus valores preditos podem ser selecionados

Em **Salvar**, você pode especificar valores previstos e resíduos para salvar.

Gráfico de rastreo

Ao selecionar esse modo, três gráficos para os dados de treinamento são exibidos como uma função de alfa para o conjunto especificado de valores de alfa:

- Um traço traço de coeficientes de regressão.
- Um gráfico de R^2 .
- Um complô de erro quadrado médio (MSE).

Apesar de a partição ser honrada, nenhum resultado para dados de teste realizado são fornecidos porque nenhum modelo final resulta deste modo.

Seleção alfa por meio de validação cruzada

Ao selecionar uma procura de grade com validação cruzada para avaliar modelos e escolher o melhor alfa com base na melhor média, R^2 sobre as dobras de validação. O campo **Número de dobras de validação cruzada** pode ser usado para alterar o valor padrão de cinco divisões ou dobras para validação cruzada. Se uma partição for especificada, o modelo único ou final ajustado será aplicado aos dados de teste retidos para estimar o desempenho fora da amostra.

Em **Exibir**, é possível selecionar para mostrar informações básicas sobre apenas o modelo com o valor escolhido de alfa (**Melhor**), informações básicas sobre todos os modelos comparados (**Comparar modelos**) ou informações completas sobre todas as divisões ou dobras para todos os modelos (**Comparar modelos e dobras**). **Best** é o padrão.

Em **Plot**, gráficos da média R^2 e / ou MSE sobre as dobras de validação podem ser selecionados. Também podem ser selecionados gráficos de valores observados e / ou de resíduos versus valores preditos

Em **Salvar**, você pode especificar valores previstos e resíduos para salvar.

Especificar alphas individuais

Ao selecionar o modo **Ajustar com alpha especificado**, é possível especificar um único valor de regularização alfa. Ao selecionar o modo **Gráfico de rastreo** ou **Seleção alfa por meio de validação cruzada**, é possível especificar diversos valores.

Valor(es)

Especificar um ou mais valores positivos de regularização alfa. Vários valores podem ser especificados individualmente ou como intervalos. O padrão é 1.

Especificar grade de valores alfa

Ao selecionar o modo **Gráfico de rastreo** ou **Seleção alfa por meio de validação cruzada**, uma grade de valores alfa exclusivos pode ser especificada a partir de um valor de **Início** (value1) para um valor de **Término** (value2) com o incremento de **Por** (value3). Se especificado, apenas um conjunto válido de [value1 TO value2 BY value3] será permitido. Ele deve satisfazer esse $0 \leq \text{value1} \leq \text{value2} \leq 1$. Nos casos em que $\text{value1} = \text{value2}$, isso é equivalente a especificar um único value1, independentemente de value3.

A métrica **Alpha** para intervalos de valores pode ser **Linear** ou **Base 10 logarítmica** (10 é elevado à potência de valores especificados).

Os gráficos são exibidos usando a métrica especificada para os eixos X horizontais dos valores alfa variáveis..

Crítérios

Análises de controles.

Incluir intercepto

Inclui uma interceptação no (s) modelo (s) montado (s). Observe que o procedimento de extensão não centra ou padroniza a variável dependente, e a interceptação não é penalizada durante a estimação.

Preditores padronizados

Padroniza todas as variáveis independentes.

Número de dobras de validação cruzada

O número de divisões ou dobras para a avaliação de validação cruzada de modelos Deve ser um valor inteiro positivo maior que 1. O padrão é 5.

Python estado aleatório

O valor da configuração random_state em Python usado ao executar a avaliação de validação cruzada de modelos. Permite a replicação de resultados que envolvem números pseudo aleatórios. Deve ser um número inteiro na faixa de 0 $2^{32}-1$. O padrão é 0.

Limite de tempo (minutos)

O número de minutos permitido para que os cálculos do modelo sejam executados. Se você especificar 0, o cronômetro é desligado. O valor padrão é 5 segundos.

Exibir

Especifica a quantidade de saída a ser exibida para o modo **Seleção Alpha via validação cruzada**.

Melhor

Exibe apenas resultados básicos para o melhor modelo escolhido. Esse é o padrão.

Comparar modelos

Exibe resultados básicos para todos os modelos avaliados.

Comparar modelos e pastas

Exibe resultados de verbose completos para cada divisão ou dobra para cada modelo avaliado.

Gráfico

Especifica gráficos de valores observados ou residuais versus valores preditos e, com validação cruzada, especificação de gráficos de erro quadrático médio médio (MSE) e / ou R médio² sobre dobras de validação cruzada versus valores alfa.

Média de erro quadrático médio de validação cruzada (MSE) versus alfa

Para o modo **Seleção Alfa por meio de validação cruzada**, exibe um gráfico de linha de média MSE sobre dobras de validação cruzada versus alfa. Para o modo **Trace plot**, uma parcela similar é produzida automaticamente com base nos dados completos de treinamento.

Média de validação cruzada R Square versus alfa

Para o modo **Seleção Alfa por meio de validação cruzada**, exibe um gráfico de linha da média R^2 sobre dobras de validação cruzada versus alfa. Para o modo **Trace plot**, uma parcela similar é produzida automaticamente com base nos dados completos de treinamento.

Observado versus Previsto

Exibe um gráfico de dispersão de valores observados em relação aos preditos para o modelo especificado ou melhor.

Resíduos versus Previsto

Exibe um gráfico de dispersão de valores residuais em relação aos preditos para o modelo especificado ou melhor.

Salvar

Especifica variáveis para salvar no conjunto de dados ativos.

Valores preditos

Economiza valores previstos do modelo especificado ou melhor para o conjunto de dados ativos. Também é possível especificar um **Nome de variável customizada**

Resíduos

Guarde resíduos das previsões de modelo especificado ou melhor para o conjunto de dados ativos. Também é possível especificar um **Nome de variável customizada**

Regressão de Ridge linear

O Linear Ridge usa a classe Python `sklearn.linear_model.Ridge` para estimar L2 ou modelos de regressão linear regularizados de perda quadrática para uma variável dependente em uma ou mais variáveis independentes e inclui modos opcionais para exibir gráficos de rastreamento e para selecionar o valor de hiperparâmetro alfa com base na validação cruzada. Quando um modelo único é montado ou a validação cruzada é usada para selecionar alfa, uma partição de dados de holdout pode ser usada para estimar o desempenho fora da amostra.

Além de encaixar um modelo com um valor especificado do parâmetro de regularização alfa, o ridge linear pode exibir um traço de rastro de valores de coeficientes para uma gama de valores alfa, ou facilitar a escolha do valor de hiperparâmetro via crossvalidação de k-fold em grades especificadas de valores. Se um único modelo for ajustado ou a seleção alfa por meio de validação cruzada for executada, o modelo final poderá ser aplicado aos dados retidos criados por uma partição dos dados de entrada para obter uma estimativa válida do desempenho fora da amostra do modelo.

Obtendo uma análise de regressão de Linear Ridge Regression

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Regressão > Alternativas de OLS Lineares > Ridge

O diálogo permite especificar uma variável que designa cada caso no dataset ativo para a amostra de treinamento ou holdout.

2. Selecione uma variável de destino numérica. Somente uma variável de destino é necessária para executar uma análise.
3. Especificar um dependente numérico.
4. Especificar pelo menos uma variável de fator categórico ou variável de covariado numérico.

Opcionalmente, **Partition** fornece uma maneira de criar um subconjunto de holdout ou teste dos dados de entrada para estimativa de desempenho fora de amostra do modelo especificado ou escolhido. Todo o particionamento é realizado após a exclusão listwise de quaisquer casos com dados inválidos para qualquer variável utilizada pelo procedimento. Observe que para validação do crossvalidação, folds ou partições dos dados de treinamento são criados em Python. Os dados de validação criados pela partição não são usados na estimação, independentemente do modo em vigor.

A partição pode ser definida especificando a proporção de casos que são designados aleatoriamente a cada amostra (em **partições de treinamento e de suspensão**) ou por uma variável que designa cada caso à amostra de treinamento ou de validação. Não é possível especificar treinamentos e variáveis. Se a partição não for especificada, uma amostra holdout é criada de aproximadamente 30% dos dados de entrada é criada.

O **Treinamento%** especifica o número relativo de casos no dataset ativo para atribuir aleatoriamente a amostra de treinamento. O treinamento padrão é 70%.

Regressão Linear Ridge: Opções

A guia Opções fornece opções para:

Modo

Esta seleção fornece opções para especificar um dos modos a seguir:

Ajuste com alfa especificado

Ao selecionar essa opção, um único modelo é ajustado aos dados de treinamento que usam apenas um valor de regularização alfa. Isso é configurado por padrão. Se uma partição for especificada, o modelo único ou final ajustado será aplicado aos dados de teste retidos para estimar o desempenho fora da amostra.

Em **Plotar**, gráficos de valores observados e / ou resíduos versus valores preditos podem ser selecionados

Em **Salvar**, você pode especificar valores previstos e resíduos para salvar.

Gráfico de rastreo

Ao selecionar essa opção, três gráficos para os dados de treinamento são exibidos como uma função de alfa para o conjunto especificado de valores de alfa:

- Um traço de rastro de coeficientes de regressão.
- Um gráfico de R^2 .
- Um complô de erro quadrado médio (MSE).

Apesar de a partição ser honrada, nenhum resultado para dados de teste realizado são fornecidos porque nenhum modelo final resulta deste modo.

Seleção alfa por meio de validação cruzada

Ao selecionar essa opção, uma procura de grade com validação cruzada para avaliar modelos é feita e o melhor alfa é escolhido com base na melhor média R^2 sobre as dobras de validação. O campo **Número de dobras de validação cruzada** pode ser usado para alterar o valor padrão de cinco divisões ou dobras para validação cruzada. Se uma partição for especificada, o modelo único ou final ajustado será aplicado aos dados de teste retidos para estimar o desempenho fora da amostra.

Em **Exibir**, é possível selecionar para mostrar informações básicas sobre apenas o modelo com o valor escolhido de alfa (**Melhor**), informações básicas sobre todos os modelos comparados (**Comparar modelos**) ou informações completas sobre todas as divisões ou dobras para todos os modelos (**Comparar modelos e dobras**). **Best** é o padrão.

Em **Plot**, gráficos da média R^2 e / ou MSE sobre as dobras de validação podem ser selecionados. Também podem ser selecionados gráficos de valores observados e / ou de resíduos versus valores preditos

Em **Salvar**, você pode especificar valores previstos e resíduos para salvar.

Especificar alphas individuais

Ao selecionar o modo **Ajustar com alpha especificado**, é possível especificar um único valor de regularização alfa. Ao selecionar o modo **Gráfico de rastreo** ou **Seleção alfa por meio de validação cruzada**, é possível especificar diversos valores.

Valor(es)

Especificar um ou mais valores positivos de regularização alfa. É possível especificar diversos valores individualmente, ou como intervalos,. O padrão é 1.

Especificar grade de valores alfa

Ao selecionar o modo **Gráfico de rastreamento** ou **Seleção alfa por meio de validação cruzada**, uma grade de valores alfa exclusivos pode ser especificada a partir de um valor de **Início** (value1) para um valor de **Término** (value2) com o incremento de **Por** (value3). Se especificado, apenas um conjunto válido de [value1 TO value2 BY value3] será permitido. Ele deve satisfazer esse $0 \leq \text{value1} \leq \text{value2} \leq 1$. Nos casos em que $\text{value1} = \text{value2}$, isso é equivalente a especificar um único value1, independentemente de value3.

A métrica **Alpha** para intervalos de valores pode ser **Linear** ou **Base 10 logarítmica** (10 é elevado à potência de valores especificados).

Os gráficos são exibidos usando a métrica especificada para os eixos X horizontais dos valores alfa variáveis..

Crítérios

Análises de controles.

Incluir intercepto

Este critério inclui uma interceptação num ou mais modelos ajustados. Observe que o procedimento de extensão não centra ou padroniza a variável dependente, e a interceptação não é penalizada durante a estimação.

Preditores padronizados

Esse critério padroniza todas as variáveis independentes..

Número de dobras de validação cruzada

Use esses critérios para configurar o número de divisões ou dobras para a avaliação de validação cruzada de modelos O número deve ser um valor de número inteiro positivo maior que 1. A configuração padrão é 5.

Python estado aleatório

O valor da configuração random_state em Python é usado ao executar a avaliação de validação cruzada de modelos. Permite a replicação de resultados que envolvem números pseudo aleatórios. Deve ser um número inteiro na faixa de 0 a $2^{32}-1$. O padrão é 0.

Limite de tempo (minutos)

O número de minutos permitido para que os cálculos do modelo sejam executados. Se você especificar 0, o cronômetro é desligado. O valor padrão é 5 segundos.

Exibir

Esta seção especifica a quantidade de saída a ser exibida para o modo **Seleção Alfa via validação cruzada**.

Melhor

Ele exibe apenas os resultados básicos para o melhor modelo escolhido Isso é configurado por padrão

Comparar modelos

Também exibe resultados básicos para todos os modelos avaliados.

Comparar modelos e pastas

Por fim, ele exibe resultados detalhados completos para cada divisão ou dobra para cada modelo avaliado

Gráfico

Especifica gráficos de valores observados ou residuais versus valores preditos, com validação cruzada, especificação de gráficos de erro quadrático médio (MSE) e / ou R^2 sobre dobras de validação cruzada versus valores alfa.

Média de erro quadrático médio de validação cruzada (MSE) versus alfa

O modo **Seleção Alfa por meio de validação cruzada** exibe um gráfico de linha de média MSE sobre dobras de validação cruzada versus alfa. Para o modo **Trace plot**, uma parcela similar é produzida automaticamente com base nos dados completos de treinamento.

Média de validação cruzada R Square versus alfa

O modo **Seleção alfa por meio de validação cruzada** exibe um gráfico de linha da média R^2 sobre dobras de validação cruzada versus alfa. Para o modo **Trace plot**, uma parcela similar é produzida automaticamente com base nos dados completos de treinamento.

Observado versus Previsto

Ele exibe um gráfico de dispersão de valores observados versus preditos para o modelo especificado ou melhor.

Resíduos versus Previsto

Também exibe um gráfico de dispersão de resíduos versus valores preditos para o modelo especificado ou melhor.

Salvar

Especifica variáveis para salvar no conjunto de dados ativos.

Valores preditos

Economiza valores previstos do modelo especificado ou melhor para o conjunto de dados ativos. Caso contrário, é possível especificar um **Nome de variável customizada**.

Resíduos

Guarde resíduos das previsões de modelo especificado ou melhor para o conjunto de dados ativos. Caso contrário, é possível especificar um **Nome de variável customizada**.

Filtros de séries temporais

Na análise de séries temporais, é essencial remover os valores que estão saindo de um intervalo determinado e causando flutuações incomuns na série temporal. Um bom filtro deve ser capaz de remover as raízes unitárias e os componentes cíclicos, ou o filtro deve ser capaz de isolar as flutuações dos dados em uma determinada frequência.

A filtragem de séries temporais é uma técnica vital na econometria e na análise de séries temporais, geralmente empregada para decompor uma série temporal em componentes cíclicos e de tendência. Isso é especialmente importante em macroeconomia e finanças, onde é essencial identificar as flutuações do ciclo de negócios ou as tendências econômicas de longo prazo.

Os filtros de série temporal amplamente usados são o filtro Hodrick-Prescott (HP), o filtro Baxter-King (BK) e o filtro Christiano-Fitzgerald (CF).

Obtenção de filtros de séries temporais

Os filtros de série temporal estão disponíveis como um procedimento de extensão com o plug-in Python. Portanto, instale o módulo de extensão para executar o procedimento.

conclua as etapas a seguir para executar o procedimento para Filtros de série temporal.

1. Vá para **DataDefine > date and time** para gerar as variáveis de data.
2. Depois de definir a data e a hora, clique em **Analyze > ForecastingTime > Series Filters (TSF)**.
3. Selecione o filtro de série temporal que você deseja aplicar ao conjunto de dados.
4. Selecione as variáveis e mova-as para a lista de variáveis do filtro de série temporal apropriado.

5. Defina o valor de **Lambda** para o filtro Hodrick-Prescott (HP) ou defina os valores de **Low**, **High** e **K** para o filtro Baxter-King (BK) e o filtro Christiano-Fitzgerald (CF).

Opcionalmente, você pode selecionar **Drift** para o filtro Christiano-Fitzgerald (CF).

6. Clique em **Executar**.

Filtros de série temporal: Opções

A caixa de diálogo Filtros de série temporal contém as seguintes opções.

Importante: Antes de definir as opções, vá para **DataDefine > date and time** para gerar as variáveis de data.

HP (Hodrick-Prescott)

O filtro **Hodrick-Prescott (HP)** é uma ferramenta usada na macroeconomia para ajustar uma tendência suave às séries temporais.

O filtro Hodrick-Prescott separa uma série temporal y_t em um componente de tendência τ_t e um componente cíclico c_t .

$y_t = \tau_t + c_t + \epsilon_t$ onde, ϵ_t é o componente de erro (ou ruído).

Os componentes são determinados pela minimização da função de perda quadrática e o filtro HP é explicitamente dado pela fórmula,

$$HP = [\lambda L^2 - 4\lambda L + (1 + 6\lambda) - 4\lambda L^{-1} + \lambda L^{-2}]^{-1}$$

em que λ denota o parâmetro de suavização (valor positivo) e L denota o operador de defasagem, que é derivado da condição de primeira ordem para o problema de minimização.

Escolha uma variável para o filtro HP na lista de variáveis e defina um valor para **Lambda**.

O parâmetro de suavização λ determina o equilíbrio entre ajuste e suavização. Quanto maior for o valor de λ , maior será a penalidade. Quando você analisa dados trimestrais, o valor padrão de 1600 é recomendado para λ . Além disso, λ deve ser $1600/44 = 6.25$ para dados anuais, e $1600 * 34 = 129.600$ para dados mensais. Quando $\lambda = 0$, isso significa que a saída da série de filtros HP corresponde exatamente à série de entrada. Por outro lado, valores mais altos de λ produzem séries de resultados mais suaves.

BK (Baxter-King)

O **Baxter-King (BK)** é um filtro passa-banda comumente usado na análise de séries temporais para isolar componentes cíclicos dos dados, geralmente em estudos macroeconômicos. Seu objetivo é remover o ruído de alta frequência (curto prazo) e os componentes de baixa frequência (tendência de longo prazo), concentrando-se nos ciclos de interesse de médio prazo, normalmente entre 1.5 e 8 anos. O filtro BK pressupõe a estacionariedade da série temporal subjacente. Na lista de variáveis, escolha 1 ou 2 variáveis para o filtro BK.

Defina os valores apropriados em **Low** (período mínimo), **High** (período máximo) e **K** (comprimento do atraso).

CF (Christiano-Fitzgerald)

O filtro **Christiano-Fitzgerald (CF)** é outro filtro passa-banda usado para separar uma série temporal em componentes cíclicos e de tendência. Esse filtro é semelhante ao filtro Baxter King (BK), que também funciona com base em um filtro passa-banda ideal, em que o filtro BK pressupõe uma média móvel simétrica para aproximar o filtro passa-banda, mas o filtro CF pressupõe que a série temporal está seguindo a aleatoriedade sem o desvio. A filtragem CF é implementada por meio da estimativa de um filtro ideal sob a premissa de que os dados são gerados por um passeio aleatório ou por um processo do tipo ARIMA.

Na lista de variáveis, escolha 1 ou 2 variáveis para o filtro CF. Defina os valores apropriados em **Low**, **High** e **K**. Selecione **Drift** se necessário para o filtro CF.

Lambda, **Low** e **High** podem ser quaisquer valores flutuantes. O valor de **K** deve ser um número inteiro. Veja os valores a seguir:

Baixo	1.5 (anual) e 6 (trimestral)
Alta	8 (anual) e 32 (trimestral)
k	3 (anual) e 12 (trimestral)

Curva de estimação

O procedimento Curva de Estimação produz estatísticas de regressão de curva de estimação e gráficos relacionados para 11 modelos de regressão de curva de estimação diferentes. Um modelo separado é produzido para cada variável dependente. Também é possível salvar valores preditos, resíduos e intervalos de predição como novas variáveis.

Exemplo. Um provedor de serviços da Internet monitora a porcentagem de tráfego de e-mail infectado por vírus em suas redes ao longo do tempo. Um gráfico de dispersão revela que o relacionamento é não linear. É possível ajustar um modelo quadrático ou cúbico nos dados e verificar a validade das suposições e a Qualidade do ajuste do modelo.

Estatísticas. Para cada modelo: coeficientes de regressão, R múltiplo, R^2 , R^2 ajustado, erro padrão da estimativa, tabela de análise de variância, valores preditos, resíduos e intervalos de predição. Modelos: linear, logarítmico, inverso, quadrático, cúbico, potência, composto, curva S, logístico, crescimento e exponencial.

Considerações de Dados de Curva de Estimação

Dados. As variáveis dependentes e independentes devem ser quantitativas. Se selecionar **Tempo** a partir do conjunto de dados ativo como a variável independente (ao invés de selecionar uma variável), o procedimento Curva de Estimação gera uma variável de tempo em que o período de tempo entre os casos é uniforme. Se **Tempo** for selecionado, a variável dependente deverá ser uma medida de séries temporais. A análise de séries temporais requer uma estrutura de arquivo de dados na qual cada caso (linha) representa um conjunto de observações em um tempo diferente, e o período de tempo entre os casos é uniforme.

Suposições. Analise seus dados graficamente para determinar como as variáveis independentes e dependentes estão relacionadas (linearmente, exponencialmente, etc.). Os resíduos de um bom modelo devem ser distribuídos aleatoriamente e normais. Se um modelo linear for utilizado, as suposições a seguir devem ser atendidas: Para cada valor da variável independente, a distribuição da variável dependente deve ser normal. A variância da distribuição da variável dependente deve ser constante para todos os valores da variável independente. O relacionamento entre a variável dependente e a variável independente deve ser linear, e todas as observações devem ser independentes.

Para Obter uma Curva de Estimação

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Regressão > Curva de Estimação...

2. Selecione uma ou mais variáveis dependentes. Um modelo separado é produzido para cada variável dependente.

3. Selecione uma variável independente (ou selecione uma variável no conjunto de dados ativo ou selecione **Tempo**).

4. Opcionalmente:

- Selecione uma variável para rotular casos em gráficos de dispersão. Para cada ponto no gráfico de dispersão, é possível utilizar a ferramenta Seleção de Ponto para exibir o valor da variável Rótulo Case.
- Clique em **Salvar** para salvar valores preditos, resíduos e intervalos de predição como novas variáveis.

As seguintes opções também estão disponíveis:

- **Incluir constante na equação.** Estima um termo constante na equação de regressão. A constante é incluída por padrão.

- **Modelos de gráfico.** Representa os valores da variável dependente e cada modelo selecionado com relação à variável independente. Um gráfico separado é produzido para cada variável dependente.
- **Exibir tabela ANOVA.** Exibe uma tabela de análise de variância resumida para cada modelo selecionado.

Modelos de Curva de Estimação

É possível escolher um ou mais modelos de regressão de estimativa de curva. Para determinar qual modelo utilizar, crie um gráfico de seus dados. Se as variáveis aparentarem estar relacionadas linearmente, use um modelo de regressão linear simples. Quando suas variáveis não estiverem linearmente relacionadas, tente transformar seus dados. Quando uma transformação não ajuda, poderá ser necessário um modelo mais complicado. Visualize um gráfico de dispersão de seus dados; se o gráfico for semelhante a uma função matemática conhecida, ajuste os dados para esse tipo de modelo. Por exemplo, se seus dados forem semelhantes a uma função exponencial, utilize um modelo exponencial.

Linear. Modelo cuja equação é $Y = b_0 + (b_1 * t)$. Os valores de série são modelados como uma função linear de tempo.

Logarítmico. Modelo cuja equação é $Y = b_0 + (b_1 * \ln(t))$.

Inverso. Modelo cuja equação é $Y = b_0 + (b_1 / t)$.

Quadrático. Modelo cuja equação é $Y = b_0 + (b_1 * t) + (b_2 * t^2)$. O modelo quadrático pode ser usado para modelar uma série que "decola" ou uma série que amortece.

Cúbico. Modelo que é definido pela equação $Y = b_0 + (b_1 * t) + (b_2 * t^2) + (b_3 * t^3)$.

Potência. Modelo cuja equação é $Y = b_0 * (t^{b_1})$ ou $\ln(Y) = \ln(b_0) + (b_1 * \ln(t))$.

Composto. Modelo cuja equação é $Y = b_0 * (b_1^t)$ ou $\ln(Y) = \ln(b_0) + (\ln(b_1) * t)$.

Curva S. Modelo cuja equação é $Y = e^{(b_0 + (b_1/t))}$ ou $\ln(Y) = b_0 + (b_1/t)$.

Logístico. Modelo cuja equação é $Y = 1 / (1/u + (b_0 * (b_1^t)))$ ou $\ln(1/y - 1/u) = \ln(b_0) + (\ln(b_1) * t)$ em que u é o valor limite superior. Após selecionar Logística, especifique o valor limite superior a ser usado na equação de regressão. O valor deve ser um número positivo maior que o maior valor de variável dependente.

Crescimento. Modelo cuja equação é $Y = e^{(b_0 + (b_1 * t))}$ ou $\ln(Y) = b_0 + (b_1 * t)$.

Exponencial. Modelo cuja equação é $Y = b_0 * (e^{(b_1 * t)})$ ou $\ln(Y) = \ln(b_0) + (b_1 * t)$.

Salvar na Curva de Estimação

Salvar Variáveis. Para cada modelo selecionado, é possível salvar valores preditos, resíduos (valor observado da variável dependente menos o valor predito do modelo) e intervalos de predição (limites superior e inferior). Os novos nomes de variáveis e rótulos descritivos são exibidos em uma tabela na janela de saída.

Prever Casos. No conjunto de dados ativo, se selecionar **Tempo** ao invés de uma variável como a variável independente, será possível especificar um período de previsão além do término da série temporal. É possível escolher uma das seguintes alternativas:

- **Prever a partir do período de estimação até o último caso.** Prevê valores para todos os casos no arquivo, com base nos casos no período de estimação. O período de estimação, exibido na parte inferior da caixa de diálogo, é definido com a caixa de subdiálogo Intervalo da opção Selecionar Casos no menu de Dados. Se nenhum período de estimativa foi definido, todos os casos são usados para prever valores.
- **Prever através de.** Prevê valores por meio da data, hora ou número de observação especificado, com base nos casos no período de estimação. Esse recurso pode ser utilizado para prever valores além do último caso na série temporal. As variáveis de data definidas atualmente determinam quais caixas de texto estão disponíveis para especificar o término do período de predição. Se não houver nenhuma variável de data definida, será possível especificar o número de observação final (caso).

Utilize a opção Definir Datas no menu Dados para criar variáveis de data.

Regressão por quadrados mínimos parciais

O procedimento Regressão por Quadrados Mínimos Parciais estima modelos de regressão de quadrados mínimos parciais (PLS, também conhecido como "projeção para estrutura latente"). O PLS é uma técnica preditiva que é uma alternativa para a regressão por quadrados mínimos (OLS) ordinária, correlação canônica ou modelagem de equação estrutural, e é particularmente útil quando variáveis preditoras estão altamente correlacionadas ou quando o número de preditores excede o número de casos.

O PLS combina os recursos de análise de componentes principais e de diversas regressões. Ele primeiro extrai um conjunto de fatores latentes que explicam o máximo de covariância possível entre as variáveis independentes e dependentes. Em seguida, um passo de regressão prevê valores das variáveis dependentes utilizando a decomposição das variáveis independentes.

Tabelas

Proporção da variância explicada (por fator latente), ponderações de fatores latentes, carregamentos de fatores latentes, a importância de variável independente na projeção (VIP) e as estimativas de parâmetros de regressão (por variável dependente) são todos produzidos por padrão.

Gráficos

Importância de variável na projeção (VIP), escores de fatores, ponderações de fatores para os três primeiros fatores latentes e a distância para o modelo são todos produzidos a partir da guia [Opções](#).

Considerações de dados

Nível de medição

Variáveis dependentes e independentes (preditoras) podem ser de escala, nominais ou ordinais. O procedimento supõe que o nível de medição apropriado foi designado para todas as variáveis, embora seja possível alterar temporariamente o nível de medição para uma variável clicando com o botão direito na variável na lista de variáveis de origem e selecionando um nível de medição no menu pop-up. Variáveis categóricas (nominais ou ordinais) são tratadas de maneira equivalente pelo procedimento.

Codificação de variável categórica

O procedimento recodifica temporariamente variáveis dependentes categóricas utilizando uma codificação um-de-c durante o procedimento. Se houver as categorias c de uma variável, então a variável é armazenada como vetores c , com a primeira categoria denotada $(1, 0, \dots, 0)$, a próxima categoria $(0, 1, 0, \dots, 0)$, ..., e a categoria final $(0, 0, \dots, 0, 1)$. Variáveis dependentes categóricas são representadas utilizando codificação simulada, isto é, simplesmente omite o indicador correspondente para a categoria de referência.

Ponderações de frequência

Valores de ponderação são arredondados para o número inteiro mais próximo antes do uso. Casos com ponderações omissas ou ponderações menores que 0,5 não são utilizados na análise.

Valores omissos

Os valores omissos do usuário e do sistema são tratados como inválidos.

Ajustando novamente a escala

Todas as variáveis de modelo são centralizadas e padronizadas, incluindo variáveis indicadoras representando as variáveis categóricas.

Obtendo a regressão parcial por quadrados mínimos

Nos menus, escolha:

Analisar > Regressão > Quadrados Mínimos Parciais ...

1. Selecione pelo menos uma variável dependente.
2. Selecione pelo menos uma variável independente.

Como opção, você pode:

- Especificar uma categoria de referência para variáveis dependentes categóricas (nominais ou ordinais).

- Especificar uma variável a ser utilizada como um identificador exclusivo para a saída de casos e conjuntos de dados salvos.
- Especificar um limite superior no número de fatores latentes a serem extraídos.

Pré-requisitos

O Procedimento de Reregressão de Squares Menos Squares é um comando de extensão Python e requer a funcionalidade Python, que é uma parte do seu produto IBM SPSS Estatísticas. Ele requer também as bibliotecas Python NumPy e SciPy, que estão gratuitamente disponíveis.

Nota: Para os usuários que trabalham no modo de análise distribuída (requer o IBM SPSS Estatísticas Server), o NumPy e o SciPy devem estar instalados no servidor. Entre em contato com seu administrador de sistema para obter assistência.

Usuários do Windows e Mac

Para Windows e Mac, o NumPy e SciPy devem ser instalados para uma versão separada do Python 3.10 da versão que está instalada com o IBM SPSS Estatísticas. Se você não tiver uma versão separada do Python 3.10, será possível fazer download dele a partir do <http://www.python.org>. Em seguida, instale o NumPy e o SciPy para o Python versão 3.10. Os instaladores estão disponíveis a partir do <http://www.scipy.org/Download>.

Para permitir o uso do NumPy e SciPy, deve-se configurar sua localização do Python para a versão do Python 3.10 na qual você instalou o NumPy e o SciPy. O local de Python é configurado a partir da guia Locais do arquivo no diálogo Opções (Editar > Opções).

Usuários do Linux

Sugerimos que você mesmo faça download da origem e construa o NumPy e o SciPy. A origem está disponível a partir do <http://www.scipy.org/Download>. É possível instalar o NumPy e o SciPy para a versão Python 3.10 que é instalada com o IBM SPSS Estatísticas. Ele está no diretório Python sob o local onde IBM SPSS Estatísticas está instalado.

Se optar por instalar o NumPy e o SciPy em uma versão do Python 3.10 diferente da versão que está instalada com o IBM SPSS Estatísticas, então deve-se configurar sua localização do Python para apontar para essa versão. O local do Python é configurado na guia Locais de arquivo da caixa de diálogo Opções (**Editar > Opções**).

Usuários do Windows e Unix

O NumPy e o SciPy devem ser instalados, no servidor, para uma versão separada do Python 3.10 da versão que está instalada com o IBM SPSS Estatísticas. Se não houver uma versão separada do Python 3.10 no servidor, então ela poderá ser transferida por download a partir do <http://www.python.org>. O NumPy e o SciPy para Python 3.10 estão disponíveis a partir do <http://www.scipy.org/Download>. Para possibilitar o uso do NumPy e SciPy, a localização do Python para o servidor deve ser configurada para a versão do Python 3.10 em que o NumPy e SciPy estão instalados. A localização do Python é configurada a partir do IBM SPSS Statistics Administration Console.

Modelo

Especificar efeitos do modelo. Um modelo de efeitos principal contém todos os efeitos principais de fator e covariáveis. Selecione **Customizado** para especificar interações. Deve-se indicar todos os termos a serem incluídos no modelo.

Fatores e Covariáveis. Os fatores e covariáveis são listados.

Modelo. O modelo depende da natureza de seus dados. Após selecionar **Customizado**, é possível selecionar os efeitos e interações principais que forem de interesse em sua análise.

Construir termos

Para os fatores e covariáveis selecionados:

Interação. Cria o termo de interação de nível mais alto de todas as variáveis selecionadas. Esse é o padrão.

Efeitos principais. Cria um termo dos principais efeitos para cada variável selecionada.

Todos os 2 fatores. Cria todas as interações de dois fatores das variáveis selecionadas.

Todos 3 fatores. Cria todas as interações de três fatores possíveis das variáveis selecionadas.

Todos os 4 fatores. Cria todas as interações de quatro fatores possíveis das variáveis selecionadas.

Todos os 5 fatores. Cria todas as interações de cinco fatores possíveis das variáveis selecionadas.

Opções

A guia Opções permite ao usuário salvar e criar um gráfico de estimativas de modelo para casos individuais, fatores latentes e preditores.

Para cada tipo de dados, especifique o nome de um conjunto de dados. Os nomes dos conjuntos de dados devem ser exclusivos. Se especificar o nome de um conjunto de dados existente, seu conteúdo será substituído; caso contrário, um novo conjunto de dados será criado.

- **Salvar estimativas para casos individuais.** Salva as seguintes estimativas de modelo de casos: valores preditos, residuais, distância para modelo de fator latente e escores dos fatores latentes. Também cria um gráfico dos escores dos fatores latentes.
- **Salvar estimativas para fatores latentes.** Salva carregamentos e ponderações de fatores latentes. Também cria um gráfico das ponderações de fatores latentes.
- **Salvar estimativas para variáveis independentes.** Salva estimativas do parâmetro de regressão e a importância de variável para projeção (VIP). Também cria um gráfico de uma VIP por fator latente.

Análise do vizinho mais próximo

A Análise do Vizinho Mais Próximo é um método de classificação de casos com base na sua similaridade com outros casos. Em aprendizado por máquina, ela foi desenvolvida como uma maneira de reconhecer padrões de dados sem requerer uma correspondência exata com nenhum dos padrões ou casos armazenados. Os casos semelhantes estão próximos uns dos outros e os casos dissimilares estão distantes. Portanto, a distância entre dois casos é uma medida de sua dissimilaridade.

Os casos que estiverem próximos uns dos outros são chamados de “vizinhos”. Quando um novo caso (validação) é apresentado, sua distância de cada um dos casos no modelo é calculada. As classificações dos casos mais similares – os vizinhos mais próximos – são verificadas e o novo caso é colocado na categoria que contiver o maior número de vizinhos mais próximos.

É possível especificar o número de vizinhos mais próximos a serem examinados; este valor é denominado k .

A análise do vizinho mais próximo também pode ser utilizada para calcular valores para uma variável resposta contínua. Nesta situação, a média ou mediana do valor dos vizinhos mais próximos é utilizada para obter o valor predito para o novo caso.

Considerações de Dados de Análise do Vizinho Mais Próximo












Resposta e recursos. A resposta e os recursos podem ser:

- *Nominal.* Uma variável pode ser tratada como nominal quando seus valores representam categorias sem uma classificação intrínseca (por exemplo, o departamento da empresa na qual um funcionário trabalha). Exemplos de variáveis nominais incluem região, código de endereçamento postal e filiação religiosa.
- *Ordinal.* Uma variável pode ser tratada como ordinal quando seus valores representam categorias com alguma classificação intrínseca (por exemplo, níveis de satisfação de serviço de altamente insatisfeito para altamente satisfeito). Exemplos de variáveis ordinais incluem escores de atitude que representam o grau de satisfação ou de confiança e os escores de classificação de preferência.

- *scale*. Uma variável pode ser tratada como escala (contínua) quando seus valores representam categorias ordenadas com uma métrica significativa, para que as comparações de distância entre valores sejam apropriadas. Exemplos de variáveis de escala incluem idade em anos e rendimento em milhares de dólares.

As variáveis Nominais e Ordinais são tratadas de forma equivalente pela Análise do Vizinheiro Mais Próximo. O procedimento supõe que o nível de medição apropriado foi designado para cada variável, no entanto, é possível alterar temporariamente o nível de medição para uma variável clicando com o botão direito na variável na lista de variáveis de origem e selecionando um nível de medição no menu pop-up.

Um ícone ao lado de cada variável na lista de variáveis identifica o nível de medição e o tipo de dados:

Tabela 1. Ícones do nível de medição				
	Numérico	Sequência	Data	Hora
Escala (Contínua)		n/d		
Ordinal				
Nominal				

Codificação de variável categórica. O procedimento recodifica temporariamente preditores categóricos e variáveis dependentes utilizando a codificação um-de-c durante o procedimento. Se houver *c* categorias de uma variável, então a variável é armazenada como *c* vetores, com a primeira categoria denotada (1,0,...,0), a próxima categoria (0,1,0,...,0),..., e a categoria final (0,0,...,0,1).

Esse esquema de codificação aumenta a dimensionalidade do espaço do recurso. Em particular, o número total de dimensões é o número de preditores de escala mais o número de categorias em todos os preditores categóricos. Como resultado, esse esquema de codificação pode levar a um treinamento mais lento. Se o treinamento de seus vizinhos mais próximos continuar muito lentamente, você pode tentar reduzir o número de categorias em seus preditores categóricos ao combinar categorias semelhantes ou descartar casos que possuam categorias extremamente raras antes de executar o procedimento.

Toda a codificação um-de-c baseia-se nos dados de treinamento, mesmo se uma amostra de validação estiver definida (consulte “Partições” na página 194). Assim, se a amostra de validação contiver casos com categorias do preditor que não estiverem presentes nos dados de treinamento, então esses casos não serão escorados. Se a amostra de validação contiver casos com categorias de variável dependente que não estiverem presentes nos dados de treinamento, então esses casos serão escorados.

Escalando novamente. Os recursos de escala são normalizados por padrão. Todo o reajuste de escala é executado com base nos dados de treinamento, mesmo se uma amostra de validação estiver definida (consulte “Partições” na página 194). Se especificar uma variável para definir partições, é importante que os recursos tenham distribuições semelhantes entre as amostras de treinamento e de validação. Utilize, por exemplo, o procedimento [Explorar](#) para examinar as distribuições entre as partições.

Ponderações de frequência. As ponderações de frequência são ignoradas por este procedimento.

Replicando resultados. O procedimento usa a geração de número aleatório durante a designação aleatória de partições e dobras de validação cruzada. Se desejar replicar seus resultados de modo exato, além de utilizar as mesmas configurações do procedimento, configure um valor semente para o Mersenne Twister (consulte “Partições” na página 194), ou utilize variáveis para definir partições e dobras de validação cruzada.

Para obter uma análise do vizinho mais próximo

Nos menus, escolha:

Analisar > Classificar > Vizinheiro Mais Próximo...

1. Especifique um ou mais recursos, que podem ser considerados variáveis ou preditores independentes se houver uma resposta.

Destino (opcional). Se nenhum destino (variável ou resposta) for especificado, então o procedimento localizará somente os k vizinhos mais próximos, e nenhuma classificação ou predição será feita.

Normalizar recursos de escala. As variáveis normalizadas possuem o mesmo intervalo de valores, que pode melhorar o desempenho do algoritmo de estimação. A normalização ajustada, $[2 \cdot (x - \min) / (\max - \min)] - 1$, é usada. Os valores normalizados ajustados estão entre -1 e 1 .

Identificador de caso focal (opcional). Isso permite marcar os casos de interesse especial. Por exemplo, um pesquisador deseja determinar se os escores de teste a partir de um distrito escolar - o caso focal - são comparáveis com aqueles de distritos escolares semelhantes. Ele utiliza a análise do vizinho mais próximo para localizar os distritos escolares que forem mais semelhantes com relação a um determinado conjunto de recursos. Em seguida, ele compara os escores de teste do distrito escolar focal com aqueles dos vizinhos mais próximos.

Casos focais também podem ser utilizados em estudos clínicos para selecionar casos de controle que sejam semelhantes aos casos clínicos. Os casos focais são exibidos nos k vizinhos mais próximos e na tabela de distância, nos gráficos de espaço de variáveis, no gráfico de peers e no mapa de quadrante. Informações sobre casos focais são salvas nos arquivos especificados na guia Saída.

Os casos com um valor positivo na variável especificada são tratados como casos focais. É inválido especificar uma variável sem valores positivos.

Rótulo case (opcional). Os casos são rotulados utilizando esses valores no gráfico de espaço da variável, no gráfico de peers e no mapa de quadrante.

Campos com nível de medição desconhecido

O alerta de Nível de Medição é exibido quando o nível de medição para uma ou mais variáveis (campos) no conjunto de dados é desconhecido. Como o nível de medição afeta o cálculo de resultados para este procedimento, todas as variáveis devem ter um nível de medição definido.

Dados de varredura. Lê os dados no conjunto de dados ativo e designa o nível de medição padrão para quaisquer campos com um nível de medição desconhecido atualmente. Se o conjunto de dados for grande, isso poderá demorar algum tempo.

Designar Manualmente. Abre um diálogo que lista todos os campos com um nível de medição desconhecido. É possível utilizar este diálogo para designar o nível de medição para esses campos. Também é possível designar o nível de medição na Visualização de Variável do Editor de Dados.

Como o nível de medição é importante para este procedimento, não é possível acessar o diálogo para executar este procedimento até que todos os campos possuam um nível de medição definido.

Vizinhos

Número de Vizinhos Mais Próximos (k). Especifique o número de vizinhos mais próximos. Observe que utilizar um número maior de vizinhos não resultará necessariamente em um modelo mais preciso.

Se uma resposta for especificada na guia Variáveis, será possível especificar, como alternativa, um intervalo de valores e permitir que o procedimento escolha o "melhor" número de vizinhos dentro desse intervalo. O método de determinação do número de vizinhos mais próximos depende se a seleção de variável é solicitada na guia Recursos.

- Se a seleção de variável estiver em vigor, então a seleção de variável será executada para cada valor de k no intervalo solicitado, e o k , junto do conjunto de recursos acompanhante, com a menor taxa de erro (ou a menor soma dos quadrados dos erros se a resposta for escalar) será selecionado.
- Se a seleção de variável não estiver em vigor, então a validação cruzada da dobra V será utilizada para selecionar o "melhor" número de vizinhos. Consulte a guia Partição para controlar sobre designação de dobras.

Cálculo de Distância. Esta é a métrica utilizada para especificar a métrica de distância utilizada para medir a similaridade de casos.

- **Métrica euclidiana.** A distância entre dois casos, x e y , é a raiz quadrada da soma, em todas as dimensões, das diferenças quadráticas entre os valores para os casos.
- **Métrica de City Block.** A distância entre dois casos é a soma, em todas as dimensões, das diferenças absolutas entre os valores para os casos. Essa métrica também é chamada de distância de Manhattan.

Opcionalmente, se uma resposta for especificada na guia Variáveis, será possível optar por ponderar recursos pela sua importância normalizada ao calcular distâncias. A importância de recurso para um preditor é calculada pela razão entre a taxa de erros ou a soma dos quadrados dos erros do modelo com o preditor removido do modelo com a taxa de erros ou a soma dos quadrados dos erros do modelo completo. A importância normalizada é calculada ao reponderar os valores de importância de variável para que a soma deles seja 1.

Predições para Variável Resposta Escalar. Se uma variável resposta escalar for especificada na guia Variáveis, isso especifica se o valor predito é calculado com base na média ou no valor mediano nos vizinhos mais próximos.

Recursos

A guia Recursos permite solicitar e especificar opções para seleção de variáveis quando uma resposta é especificada na guia Variáveis. Por padrão, todas as variáveis são consideradas para seleção de variável, no entanto, é possível, opcionalmente, selecionar um subconjunto de variáveis para forçar no modelo.

Critério de Parada. Em cada passo, o recurso cuja adição ao modelo resulta no menor erro (calculado como a taxa de erros para uma variável resposta categórica e a soma dos erros quadráticos para uma resposta de escala) é considerado para inclusão no conjunto de modelo. A seleção Forward continua até que a condição especificada seja atendida.

- **Número de recursos especificados.** O algoritmo inclui um número fixo de variáveis além daquelas forçadas no modelo. Especifique um número inteiro positivo. Diminuir valores do número para seleção cria um modelo mais simples, sob risco de perder variáveis importantes. Aumentar valores do número para seleção capturará todas as variáveis importantes, sob risco de incluir eventualmente variáveis que na realidade aumentam o erro do modelo.
- **Mudança mínima na razão de erro absoluto.** O algoritmo para quando a mudança na razão de erro absoluto indicar que o modelo não poderá ser melhorado ainda mais ao incluir mais variáveis. Especifique um número positivo. Diminuir valores da mudança mínima tende a incluir mais recursos, com o risco de incluir recursos que não agregam muito valor no modelo. Aumentar o valor da mudança mínima tende a excluir mais variáveis, sob risco de perder variáveis que forem importantes para o modelo. O valor “ideal” da mudança mínima dependerá de seus dados e do aplicativo. Consulte o Log de Erro de Seleção de Variável na saída para ajudar a avaliar quais variáveis são mais importantes. Veja o tópico [“Log de erro de seleção de variável”](#) na página 198 para obter mais informações.

Partições

A guia Partições permite dividir o conjunto de dados em conjuntos de treinamento e de validação e, quando aplicável, designar casos em dobras de validação cruzada

Partições de Treinamento e de Validação. Este grupo especifica o método de particionamento do conjunto de dados ativo em amostras de treinamento e de validação. A **amostra de treinamento** compreende os registros de dados utilizados para treinar o modelo de vizinho mais próximo, e alguma porcentagem de casos no conjunto de dados deve ser designada para a amostra de treinamento para obter um modelo. A **amostra de validação** é um conjunto independente de registros de dados utilizados para avaliar o modelo final; o erro para a amostra de validação fornece uma estimativa “honesta” da capacidade preditiva do modelo porque os casos de validação não foram utilizados para construir o modelo.

- **Designar aleatoriamente casos às partições.** Especifique a porcentagem de casos para designar à amostra de treinamento. O restante é designado para a amostra de validação.
- **Usar variável para designar casos.** Especifique uma variável numérica que designa a cada caso no conjunto de dados ativo para a amostra de treinamento ou validação. Casos com um valor positivo na variável são designados para a amostra de treinamento, e casos com um valor de 0 ou um valor

negativo para a amostra de validação. Casos com um valor omissos do sistema são excluídos da análise. Quaisquer valores omissos do usuário para a variável de partição são sempre tratados como válidos.

Dobras de Validação Cruzada. A validação cruzada de dobra V é utilizada para determinar o "melhor" número de vizinhos. Ela não está disponível junto com a seleção de variável por motivos de desempenho.

A validação cruzada divide a amostra em um número de subamostras ou dobras. Em seguida, os modelos de vizinho mais próximo são gerados, excluindo os dados de cada subamostra por vez. O primeiro modelo baseia-se em todos os casos, exceto aqueles na primeira dobra de amostra, o segundo modelo baseia-se em todos os casos, exceto aqueles na segunda dobra de amostra, e assim por diante. Para cada modelo, o erro é estimado ao aplicar o modelo à subamostra excluída ao gerá-lo. O "melhor" número de vizinhos mais próximos é aquele que produz o menor erro entre as dobras.

- **Designar aleatoriamente casos às dobras.** Especifique o número de dobras que devem ser utilizadas para validação cruzada. O procedimento designa aleatoriamente casos às dobras, numerados de 1 a V , que é o número de dobras.
- **Usar variável para designar casos.** Especifique uma variável numérica que designa cada caso no conjunto de dados ativo a uma dobra. A variável deve ser numérica e assumir valores de 1 a V . Se algum valor neste intervalo estiver ausente e em qualquer divisão se os arquivos divididos estiverem em vigor, isso causará um erro.

Configurar semente para Mersenne Twister. Configurar uma semente permite replicar análises. O uso desse controle é semelhante a configurar o Mersenne Twister como o gerador ativo e especificar um ponto inicial fixo no diálogo Geradores de Número Aleatório, com a diferença importante de que configurar a semente neste diálogo irá preservar o estado atual do gerador de número aleatório e restaurar esse estado após a análise ser concluída.

Salvar

Nomes de Variáveis Salvas. A geração de nome automática assegura que você mantenha todo o seu trabalho. Nomes customizados permitem descartar/substituir resultados de execuções anteriores sem primeiro excluir as variáveis salvas no Editor de Dados.

Variáveis para Salvar

- **Valor predito ou categórico.** Isso salva o valor predito para uma variável resposta escalar ou a categoria predita para uma variável resposta categórica.
- **Probabilidade predita.** Isso salva as probabilidades preditas para uma variável resposta categórica. Uma variável separada é salva para cada uma das n primeiras categorias, em que n é especificado no controle **Máximo de categorias a serem salvas para variável resposta categórica**.
- **Variáveis de partição de Treinamento/Validação.** Se os casos forem designados aleatoriamente para as amostras de treinamento e de validação na guia Partições, isso salvará o valor da partição (treinamento ou validação) ao qual o caso foi designado.
- **Variável de dobra de validação cruzada.** Se os casos forem designados aleatoriamente para dobras de validação cruzada na guia Partições, isso salvará o valor da dobra à qual o caso foi designado.

Saída

Saída do visualizador

- **Sumarização do processamento de caso.** Exibe a tabela de sumarização de processamento de caso, que sumariza o número de casos incluídos e excluídos na análise, no total e por amostras de treinamento e de validação.
- **Gráficos e tabelas.** Exibe a saída relacionada a modelo, incluindo tabelas e gráficos. As tabelas na visualização de modelo incluem k vizinhos mais próximos e distâncias para casos focais, classificação de variáveis resposta categórica e uma sumarização de erros. A saída gráfica na visualização de modelo inclui um log de erro de seleção, um gráfico de importância de variável, um gráfico de espaço da variável, um gráfico de peers e um mapa de quadrante. Consulte o tópico [“Visualização do Modelo”](#) na [página 196](#) para obter mais informações

- **Exportar modelo em XML.** É possível usar esse arquivo de modelo para aplicar as informações de modelo a outros arquivos de dados para propósitos de escoragem. Essa opção não estará disponível se arquivos de divisão tiverem sido definidos.
- **Exportar distâncias entre casos focais e k vizinhos mais próximos.** Para cada caso focal, uma variável separada é criada para cada um dos k vizinhos mais próximos do caso focal (a partir da amostra de treinamento) e para as k distâncias mais próximas correspondentes.

Opções

Valores omissos de usuário. Variáveis categóricas devem ter valores válidos para um caso a ser incluído na análise. Estes controles permitem decidir se valores omissos de usuário são tratados como válidos entre variáveis categóricas.

Valores omissos do sistema e valores omissos para variáveis de escala são sempre tratados como inválidos.

Visualização do Modelo

Ao selecionar **Gráficos e tabelas** na guia Saída, o procedimento cria um objeto Modelo de Vizinho Mais Próximo no Visualizador. Ao ativar (clique duas vezes) nesse objeto, você obtém uma visualização interativa do modelo. A visualização do modelo possui uma janela de 2 painéis:

- O primeiro painel exibe uma visão geral do modelo chamado de visualização principal.
- O segundo painel exibe um dos dois tipos de visualizações:

Uma visualização do modelo auxiliar mostra mais informações sobre o modelo, mas não está focada no próprio modelo.

Uma visualização vinculada é uma visualização que mostra detalhes sobre uma variável do modelo quando o usuário realiza drill down na parte da visualização principal.

Por padrão, o primeiro painel mostra o espaço de recursos e o segundo painel mostra o gráfico de importância de variável. Se o gráfico de importância de variável não estiver disponível, ou seja, quando **Ponderar recursos por importância** não foi selecionada na guia Recursos, a primeira visualização disponível no menu suspenso Visualizar será mostrada.

Quando uma visualização não possuir informações disponíveis, seu item de texto no menu suspenso Visualizar será desativado.

Espaço de recurso

O gráfico de espaço da variável é um gráfico interativo do espaço da variável (ou um subespaço, se houver mais de 3 variáveis). Cada eixo representa uma variável no modelo, e a localização dos pontos no gráfico mostra os valores dessas variáveis para casos nas partições de treinamento e de validação.

Chaves. Além dos valores de variável, os pontos no gráfico transmitem outras informações.

- Forma que indica que a partição à qual um ponto pertence, seja Treinamento ou Validação.
- A cor/sombreamento de um ponto indica o valor da resposta para esse caso, com os valores de cores distintos iguais às categorias de uma variável resposta categórica e os sombreamentos indicando o intervalo de valores de uma variável resposta contínua. O valor indicado para a partição de treinamento é o valor observado e, para a partição de validação, é o valor predito. Se nenhuma resposta for especificada, essa chave não será mostrada.
- Estruturas de tópicos mais pesadas indicam que um caso é focal. Casos focais são mostrados vinculados aos seus k vizinhos mais próximos.

Controles e Interatividade. Diversos controles no gráfico permitem explorar o Espaço da Variável.

- É possível escolher qual subconjunto de variáveis deseja mostrar no gráfico e alterar quais variáveis são representadas nas dimensões.

- Os “casos focais” são simplesmente pontos selecionados no gráfico de Espaço da Variável. Se você especificou uma variável de caso focal, os pontos que representam os casos focais serão inicialmente selecionados. No entanto, qualquer ponto pode temporariamente se tornar um caso focal se você selecioná-lo. Os controles “comuns” para seleção de ponto se aplicam; clicar em um ponto seleciona esse ponto e desmarca todos os outros; Controle - Clicar em um ponto o inclui no conjunto de pontos selecionados. Visualizações vinculadas, como o Gráfico de Peers, serão atualizadas automaticamente com base nos casos selecionados no Espaço da Variável.
- É possível alterar o número de vizinhos mais próximos (k) para exibir para casos focais.
- Passar o mouse sobre um ponto no gráfico exibe uma dica de ferramenta com o valor do rótulo case, ou o número do caso se rótulos case não forem definidos, e os valores de resposta observados e preditos.
- O botão “Reconfigurar” permite retornar o Espaço da Variável para seu estado original.

Incluindo e removendo arquivos/variáveis

É possível incluir novos campos/variáveis no espaço de recursos ou remover aqueles que estão sendo exibidos.

Paleta de variáveis

A paleta de variáveis deve ser exibida antes que seja possível incluir e remover variáveis. Para exibir a paleta de variáveis, o Visualizador de Modelo deve estar no modo Em edição e um caso deve ser selecionado no espaço do recurso.

1. Para colocar o Visualizador de Modelo no modo Em edição, a partir dos menus, escolha:

Visualização > Modo de edição

2. Uma vez no modo Em edição, clique em qualquer caso no espaço do recurso.
3. Para exibir a paleta de variáveis, a partir dos menus, escolha:

Visualização > Paletas > Variáveis

A paleta de variáveis lista todas as variáveis no espaço do recurso. O ícone próximo ao nome da variável indica o nível de medição da variável.

4. Para alterar temporariamente o nível de medição de uma variável, clique com o botão direito do mouse na variável na paleta de variáveis e escolha uma opção.

Zonas de variáveis

As variáveis são incluídas em "zonas" no espaço do recurso. Para exibir as zonas, inicie arrastando uma variável da paleta de variáveis ou selecione **Mostrar zonas**.

O espaço do recurso possui zonas para os eixos x , y e z .

Movendo variáveis nas zonas

Aqui estão algumas regras gerais e dicas para mover as variáveis nas zonas:

- Para mover uma variável em uma zona, clique e arraste a variável da paleta de variáveis e solte-a na zona. Se você escolher **Mostrar zonas**, será possível também clicar com o botão direito do mouse em uma zona e selecione uma variável que você deseja incluir na zona.
- Se você arrastar uma variável a partir da paleta de variáveis para uma zona já ocupada por outra variável, a variável antiga será substituída pela nova.
- Se você arrastar uma variável de uma zona para uma zona já ocupada por outra variável, as variáveis trocarão de posições.
- Clicar no X em uma zona remove a variável desta zona.
- Se houver vários elementos gráficos na visualização, cada elemento gráfico pode ter sua própria zona de variáveis associadas. Primeiro, selecione o elemento gráfico.

Importância da variável

Geralmente você desejará focar seus esforços de modelagem nas variáveis que forem mais importantes e considerar descartar ou ignorar aquelas que forem menos importantes. O gráfico de importância de variável ajuda a fazer isso ao indicar a importância relativa de cada variável na estimativa do modelo. Como os valores são relativos, a soma dos valores para todas as variáveis na exibição é 1,0. A importância da variável não se relaciona com a precisão do modelo. Ela está relacionada somente com a importância de cada variável em fazer uma predição, e não se a predição é precisa ou não.

Peers

Este gráfico exibe os casos focais e seus k vizinhos mais próximos em cada recurso e na resposta. Ele estará disponível se um caso focal for selecionado no Espaço de Recursos.

Vinculando comportamento. O gráfico Peers é vinculado ao Espaço da Variável de duas maneiras.

- Casos selecionados (focais) no Espaço da Variável são exibidos no gráfico de Peers, junto de seus k vizinhos mais próximos.
- O valor de k selecionado no Espaço Recurso é usado no gráfico de Peers.

Distâncias de Vizinho Mais Próximo

Esta tabela exibe os k vizinhos mais próximos e as distâncias somente para casos focais. Ela estará disponível se um identificador de caso focal for especificado na guia Variáveis, e exibe somente os casos focais identificados por essa variável.

Cada linha da:

- A coluna **Caso Focal** contém o valor da variável de rótulo case para o caso focal; se rótulos case não forem definidos, essa coluna conterá o número do caso do caso focal.
- A i -ésima coluna no grupo Vizinhos Mais Próximos contém o valor da variável de rotulagem de caso para o i -ésimo vizinho mais próximo do caso focal; se rótulos case não forem definidos, esta coluna conterá o número do caso do i -ésimo vizinho mais próximo do caso focal.
- A i -ésima coluna no grupo Distâncias Mais Próximas contém a distância do i -ésimo vizinho mais próximo do caso focal

Mapa de quadrante

Este gráfico exibe os casos focais e seus k vizinhos mais próximos em um gráfico de dispersão (ou gráfico de pontos, dependendo do nível de medição da resposta) com a resposta no eixo y e uma variável de escala no eixo x , agrupados em painéis por variáveis. Ele estará disponível se houver uma resposta e se um caso focal estiver selecionado no Espaço de Variável.

- As linhas de referência são desenhadas para variáveis contínuas, nas médias da variável na partição de treinamento.

Log de erro de seleção de variável

Pontos no gráfico exibem o erro (a taxa de erros ou a soma dos quadrados dos erros, dependendo do nível de medição da resposta) no eixo y para o modelo com o recurso listado no eixo x (além de todos os recursos à esquerda no eixo x). Este gráfico estará disponível se houver uma seleção de resposta e de variável em vigor.

Log de erro de seleção k

Pontos no gráfico exibem o erro (a taxa de erros ou a soma dos quadrados dos erros, dependendo do nível de medição da resposta) no eixo y para o modelo com o número de vizinhos mais próximos (k) no eixo x . Este gráfico estará disponível se houver uma resposta e uma seleção k estiver em vigor.

k e Log de erro de seleção de variável

Estes são gráficos de seleção de recursos (consulte “Log de erro de seleção de variável ” na página 198), em painéis por k . Este gráfico está disponível se houver um destino, e k e a seleção de recursos estiverem em vigor.

Tabela de Classificação

Esta tabela exibe a classificação cruzada de valores observados versus valores preditos da resposta, por partição. Ela estará disponível se houver uma resposta e for categórica.

- A linha (**Omisso**) na partição Validação contém casos de validação com valores omissos na resposta. Estes casos contribuem com a Amostra de Validação: Valores de Porcentagem Geral, mas não para valores de Porcentagem Correta.

Sumarização de Erro

Esta tabela estará disponível se houver uma variável de destino. Ela exibe o erro associado ao modelo; a soma dos quadrados para uma variável resposta contínua e a taxa de erro (100% – percentual geral correto) para uma variável resposta categórica.

Análise discriminante

A análise discriminante constrói um modelo preditivo para associação ao grupo. O modelo é composto de uma função discriminante (ou, para mais de dois grupos, um conjunto de funções discriminantes) com base nas combinações lineares das variáveis preditoras que fornecem a melhor discriminação entre os grupos. As funções são geradas a partir de uma amostra de casos para os quais a associação ao grupo é conhecida e podem, em seguida, ser aplicadas aos novos casos que tiverem medições para as variáveis preditoras e possuírem associação ao grupo desconhecida.

Nota: A variável de agrupamento pode ter mais de dois valores. Os códigos para a variável de agrupamento devem ser números inteiros, no entanto, é necessário especificar seus valores mínimo e máximo. Casos com valores fora desses limites são excluídos da análise.

Exemplo, Em média, pessoas que vivem em países de zona temperada consomem mais calorias por dia do que pessoas que vivem em zonas tropicais, e uma maior proporção de pessoas nas zonas temperadas representa habitantes das cidades. Um pesquisador deseja combinar essas informações em uma função para determinar quão bem um indivíduo pode diferenciar-se entre os dois grupos de países. O pesquisador acredita que o tamanho da população e informações econômicas também podem ser importantes. A análise discriminante permite estimar os coeficientes da função discriminante linear, que é semelhante ao lado direito de uma equação de regressão linear múltipla. Ou seja, utilizando os coeficientes a , b , c e d , a função é:

$$D = a * \text{climate} + b * \text{urban} + c * \text{population} + d * \text{gross domestic product per capita}$$

Se essas variáveis forem úteis para discriminar entre as duas zonas climáticas, os valores de D irão diferir para países de zonas temperadas e tropicais. Se utilizar um método de seleção de variáveis stepwise, talvez você ache que não é necessário incluir todas as quatro variáveis na função.

Estatísticas. Para cada variável: médias, desvios padrão, ANOVA univariada. Para cada análise: M de Box, matriz de correlações dentro de grupos, matriz de covariâncias dentro de grupos, matriz de covariâncias de grupos separados, matriz de covariâncias totais. Para cada função discriminante canônica: autovalor, porcentagem de variância, correlação canônica, Lambda de Wilks e qui-quadrado. Para cada passo: probabilidades anteriores, coeficientes de função de Fisher, coeficientes função não padronizados, Lambda de Wilks' para cada função canônica.

Considerações de Dados de Análise Discriminante

Dados. A variável de agrupamento deve ter um número limitado de categorias distintas, codificadas como números inteiros. As variáveis independentes que forem nominais devem ser recodificadas em variáveis simuladas ou de contraste.

Suposições. Os casos devem ser independentes. As variáveis preditoras devem ter uma distribuição normal multivariada, e matrizes de variância-covariância dentro de grupo devem ser iguais entre os grupos. A associação ao grupo é considerada mutuamente exclusiva (ou seja, nenhum caso pertence a mais de um grupo) e coletivamente exaustiva (ou seja, todos os casos são membros de um grupo). O procedimento é mais eficiente quando a associação ao grupo for uma variável realmente categórica; se a associação ao grupo for baseada em valores de uma variável contínua (por exemplo, QI alto e QI baixo), considere utilizar regressão linear para aproveitar as informações mais completas que forem oferecidas pela própria variável contínua.

Para obter uma análise discriminante

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Classificar > Discriminante...

2. Selecione uma variável de agrupamento com valor de número inteiro e clique em **Definir Intervalo** para especificar as categorias de interesse.
3. Selecione as variáveis independentes ou preditoras. (Se a sua variável de agrupamento não possuir valores de número inteiro, o menu Recodificação Automática na Transformação criará uma variável que possua).
4. Selecione o método para inserir as variáveis independentes.
 - **Inserir independentes juntas.** Insere simultaneamente todas as variáveis independentes que satisfizerem os critérios de tolerância.
 - **Utilizar o método stepwise.** Usa análise stepwise para controlar entrada e remoção de variável.
5. Opcionalmente, selecione os casos com uma variável de seleção.

Análise Discriminante para Definir Intervalo

Especifique o valor mínimo e máximo da variável de agrupamento para a análise. Casos com valores fora deste intervalo não são utilizados na análise discriminante, mas são classificados em um dos grupos existentes com base nos resultados da análise. Os valores mínimo e máximo devem ser números inteiros.

Selecionar Casos para Análise Discriminante

Para selecionar casos para sua análise:

1. Na caixa de diálogo Análise Discriminante, escolha uma variável de seleção.
2. Clique em **Valor** para inserir um número inteiro como o valor de seleção.

Apenas casos com o valor especificado para a variável de seleção são utilizados para derivar as funções discriminantes. Estatísticas e resultados de classificação são gerados para casos selecionados e não selecionados. Esse processo fornece um mecanismo para classificar casos novos com base em dados existentes anteriormente ou para particionar seus dados em subconjuntos de treinamento e de teste para executar a validação no modelo gerado.

Estatística de Análise Discriminante

Descritivos. As opções disponíveis são médias (incluindo desvios padrão), ANOVAs univariadas e teste *M* de Box.

- *Médias.* Exibe as médias totais e de grupo, bem como os desvios padrão para as variáveis independentes.
- *ANOVAs Univariadas.* Executa um teste de análise de variância unidirecional de igualdade de médias de grupo para cada variável independente.
- *M de Box.* Um teste para a igualdade das matrizes de covariância do grupo. Para amostras suficientemente grandes, um valor *p* não significativo representa que não há evidência suficiente de que as matrizes diferem. O teste é sensível a partidas da normalidade multivariada.

Coefficientes de Função. As opções disponíveis são coeficientes de classificação de Fisher e coeficientes não padronizados.

- *de Fisher.* Exibe os coeficientes de função de classificação do Fisher que podem ser usados diretamente para classificação. Um conjunto separado de coeficientes de função de classificação é obtido para cada grupo, e um caso é designado ao grupo para o qual ele possui o maior escore discriminante (valor da função de classificação).
- *Não padronizado.* Exibe os coeficientes de função discriminante não padronizadas.

Matrizes. As matrizes de coeficientes disponíveis para variáveis independentes são matriz de correlações dentro de grupos, matriz de covariâncias dentro de grupos, matriz de covariâncias separada de grupos e o total de matrizes de covariância.

- *Correlação intragrupos.* Exibe uma matriz de correlações dentro de grupos em conjunto que é obtida pela média das matrizes de covariâncias separadas de todos os grupos antes de calcular as correlações.
- *Covariância intragrupos.* Exibe uma matriz de covariância agrupada dentro de grupos, que pode diferir da matriz de covariâncias totais. A matriz é obtida pela média das matrizes covariâncias separadas para todos os grupos.
- *Covariância de grupos separados.* Exibe matrizes de covariância separadas para cada grupo.
- *Covariância total.* Exibe uma matriz de covariâncias a partir de todos os casos como se fossem de uma única amostra.

Método Stepwise para Análise Discriminante

Método. Selecione a estatística a ser utilizada para inserir ou remover novas variáveis. As alternativas disponíveis são lambda de Wilks, variância inexplicada, distância de Mahalanobis, menor razão F e V de Rao. Com V de Rao, é possível especificar o aumento mínimo em V para uma variável entrar.

- *Lambda de Wilks.* Um método de seleção de variáveis para análise discriminante stepwise que escolhe as variáveis para entrada na equação com base em quanto elas reduzem o lambda de Wilks. Em cada passo, a variável que minimiza o lambda geral de Wilks é inserida.
- *Variância inexplicada.* Em cada passo, a variável que minimiza a soma da variação não explicada entre os grupos é inserida.
- *Distância Mahalanobis.* Uma medida de quanto os valores de um caso nas variáveis independentes diferem da média de todos os casos. Uma distância de Mahalanobis grande identifica um caso como tendo valores extremos em uma ou mais variáveis independentes.
- *Menor proporção F .* Um método de seleção de variáveis na análise stepwise com base na maximização de uma razão F calculada a partir da distância de Mahalanobis entre os grupos.
- *V de Rao.* Uma medida das diferenças entre as médias do grupo. Também chamada de rastreio de Lawley-Hotelling. Em cada passo, a variável que maximiza o aumento no V de Rao é inserida. Após selecionar esta opção, insira o valor mínimo que uma variável deve ter para inserir na análise.

Critérios. As alternativas disponíveis são o **valor de F de uso e a probabilidade de uso de F** . Insira valores para inserir e remover variáveis.

- *Usar valor de F .* Uma variável será inserida no modelo se seu valor F for maior que o valor de Entrada e será removida se o valor F for menor que o valor de Remoção. A Entrada deve ser maior que Remoção, e ambos os valores devem ser positivos. Para inserir mais variáveis no modelo, diminua o valor de Entrada. Para remover mais variáveis do modelo, aumente o valor de Remoção.
- *Usar probabilidade de F .* Uma variável será inserida no modelo se o nível de significância de seu valor F for menor que o valor de entrada e será removida se o nível de significância for maior que o valor de Remoção. A Entrada deve ser menor que Remoção, e ambos os valores devem ser positivos. Para inserir mais variáveis no modelo, aumente o valor de Entrada. Para remover mais variáveis do modelo, diminua o valor de Remoção.

Exibição. Resumo das etapas exibe estatísticas para todas as variáveis após cada etapa; **F para distâncias pareadas** exibe uma matriz de razões F pareadas para cada par de grupos.

Classificação para Análise Discriminante

Probabilidades anteriores. Esta opção determina se os coeficientes de classificação são ajustados para um conhecimento a priori de associação ao grupo.

- **Todos os grupos iguais.** As probabilidades anteriores iguais são assumidas para todos os grupos; isso não tem efeito sobre os coeficientes.
- **Calcular a partir de tamanhos de grupo.** Os tamanhos de grupo observados em sua amostra determinam as probabilidades anteriores de associação ao grupo. Por exemplo, se 50% das observações incluídas na análise caírem no primeiro grupo, 25% no segundo e 25% no terceiro, os coeficientes de classificação serão ajustados para aumentar a probabilidade de associação no primeiro grupo relativo aos outros dois.

Exibição. As opções de exibição disponíveis são resultados entre casos, tabela de sumarização e classificação com exclusão de um item.

- *Resultados do casewise.* Os códigos para o grupo real, o grupo predito, as probabilidades posteriores e os escores discriminantes são exibidos para cada caso.
- *Tabela de resumo.* O número de casos corretamente e incorretamente designados a cada um dos grupos com base na análise discriminante. Às vezes é chamado de "Matriz de Confusão".
- *Classificação com exclusão de um item.* Cada caso na análise é classificado pelas funções derivadas de todos os casos diferentes daquele caso. Também é conhecida como "Método U".

Substituir valores omissos pela média. Selecione esta opção para substituir a média de uma variável independente para um valor omissos somente durante a fase de classificação.

Usar Matriz de Covariâncias. É possível optar por classificar casos utilizando uma matriz de covariâncias dentro de grupos ou uma matriz de covariâncias separada de grupos.

- *Dentro de Grupos.* A matriz de covariâncias dentro de grupos em conjunto é usada para classificar casos.
- *Grupos separados.* Matrizes de covariâncias de grupos separados são usadas para classificação. Como a classificação é baseada nas funções discriminantes (não com base nas variáveis originais), essa opção nem sempre é equivalente à discriminação quadrática.

Gráficos. As opções de gráfico disponíveis são grupos combinados, grupos separados e mapa territorial.

- *Grupos combinados.* Cria um gráfico de dispersão de todos os grupos dos dois primeiros valores da função discriminante. Se houver apenas uma função, um histograma será exibido.
- *Grupos separados.* Cria gráficos de dispersão de grupos separados dos dois primeiros valores da função discriminante. Se houver apenas uma função, histogramas serão exibidos.
- *Mapa territorial.* Um gráfico dos limites usados para classificar os casos em grupos com base em valores da função. Os números correspondem aos grupos nos quais os casos são classificados. A média de cada grupo é indicada por um asterisco dentro de seus limites. O mapa não será exibido se houver apenas uma função discriminante.

Salvamento de Análise Discriminante

É possível incluir novas variáveis em seu arquivo de dados ativos. As opções disponíveis são associação ao grupo predito (uma variável única), escores discriminantes (uma variável para cada função discriminante na solução), e probabilidades de associação ao grupo, dados os escores discriminantes (uma variável para cada grupo).

Também é possível exportar informações de modelo para o arquivo especificado no formato XML. É possível usar esse arquivo de modelo para aplicar as informações de modelo a outros arquivos de dados para propósitos de escoragem.

Recursos Adicionais do Comando DISCRIMINANT

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Executar diversas análises discriminante (com um comando) e controlar a ordem na qual as variáveis são inseridas (com o subcomando ANALYSIS).
- Especificar as probabilidades anteriores para classificação (com o subcomando PRIORS).
- Exibir padrões e matrizes de estrutura girados (com o subcomando ROTATE).
- Limitar o número de funções discriminantes extraídas (com o subcomando FUNCTIONS).
- Restringir classificação para os casos que forem selecionados (ou desmarcados) para a análise (com o subcomando SELECT).
- Ler e analisar uma matriz de correlações (com o subcomando MATRIX).
- Gravar uma matriz de correlações para análise posterior (com o subcomando MATRIX).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Análise fatorial

A análise fatorial tenta identificar variáveis subjacentes, ou **fatores**, que explicam o padrão de correlações dentro de um conjunto de variáveis observadas. A análise fatorial é geralmente utilizada na redução de dados para identificar um número pequeno de fatores que explicam a maior parte da variância que é observada em um número muito maior de variáveis de manifesto. A análise fatorial também pode ser utilizada para gerar hipóteses referentes a mecanismos causais ou para verificar variáveis para análise subsequente (por exemplo, para identificar colinearidade antes de executar uma análise de regressão linear).

O procedimento de análise fatorial oferece um alto grau de flexibilidade:

- Sete métodos de extração de fator estão disponíveis.
- Cinco métodos de rotação estão disponíveis, incluindo oblimin e promax diretos para rotações não ortogonais.
- Três métodos de calcular os escores dos fatores estão disponíveis, e os escores podem ser salvos como variáveis para análise adicional.

Exemplo. Que atitudes subjacentes levam as pessoas a responderem perguntas em uma pesquisa de opinião política da maneira que fazem? Examinar as correlações entre os itens de pesquisa de opinião revela que há uma sobreposição significativa entre os vários subgrupos de itens - perguntas sobre impostos tendem a se correlacionar entre si, perguntas sobre assuntos militares se correlacionam entre si, e assim por diante. Com a análise fatorial, é possível investigar o número de fatores subjacentes e, em muitos casos, identificar o que os fatores representam conceitualmente. Além disso, é possível calcular os escores dos fatores de cada respondente, que podem ser utilizados em análises subsequentes. Por exemplo, é possível construir um modelo de regressão logística para prever o comportamento de voto com base nos escores dos fatores.

Estatísticas. Para cada variável: número de casos válidos, média e desvio padrão. Para cada análise de fator: matriz de correlações de variáveis, incluindo níveis de significância, determinante, e o inverso; matriz de correlações reproduzidas, incluindo anti-imagem; solução inicial (comunalidades, autovalores e a porcentagem da variância explicada); medida da adequação de amostragem de Kaiser-Meyer-Olkin e teste de esfericidade de Bartlett; solução não girada, incluindo carregamentos de fatores, comunalidades e autovalores; e solução girada, incluindo a matriz de padrões girada e a matriz de transformação. Para rotações oblíquas: matrizes de padrão e de estrutura girada, matriz de coeficiente de escore dos fatores e matriz de covariâncias de fatores. Gráficos: scree plot de autovalores e gráfico de carregamento dos dois ou três primeiros fatores.

Considerações de Dados de Análise Fatorial

Dados. As variáveis devem ser quantitativas no nível de *intervalo* ou *razão*. Dados categóricos (como religião ou país de origem) não são adequados para análise fatorial. Os dados para os quais os coeficientes de correlação de Pearson podem ser calculados devem ser adequados para análise fatorial.

Suposições. Os dados devem ter uma distribuição normal bivariada para cada par de variáveis, e as observações devem ser independentes. O modelo de análise fatorial especifica que as variáveis são determinadas por fatores comuns (os fatores estimados pelo modelo) e por fatores exclusivos (que não

se sobrepõem entre as variáveis observadas), e as estimativas calculadas baseiam-se na suposição de que todos os fatores exclusivos não são correlacionados uns com os outros e com os fatores comuns.

Para obter uma análise fatorial

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Redução de Dimensão > Fator...

2. Selecione as variáveis para a análise fatorial.

Selecionar Casos para Análise Fatorial

Para selecionar casos para sua análise:

1. Escolha uma variável de seleção.
2. Clique em **Valor** para inserir um número inteiro como o valor de seleção.

Apenas casos com esse valor para a variável de seleção são usados na análise fatorial.

Descritivas de Análise Fatorial

Estatísticas. Descritivos univariados inclui a média, o desvio-padrão e o número de casos válidos para cada variável. **Solução inicial** exibe comunalidades iniciais, autovalores e a porcentagem da variância explicada.

Matriz de Correlações. As opções disponíveis são coeficientes, níveis de significância, determinante, KMO e teste de esfericidade de Bartlett, inverso, reproduzido e anti-imagem.

- *KMO e Teste de Esfericidade de Bartlett.* A medida Kaiser-Meyer-Olkin de adequação de amostragem testa se as correlações parciais entre variáveis são pequenas. O teste de esfericidade de Bartlett testa se a matriz de correlações é uma matriz de identidade, que indicaria que o modelo de fator é inadequado.
- *Reproduzido.* A matriz de correlações estimada da solução do fator. Os resíduos (diferença entre correlações estimadas e observadas) também são exibidos.
- *Anti-imagem.* A matriz de correlações anti-imagem contém os negativos dos coeficientes de correlação parciais e a matriz de covariâncias anti-imagem contém os negativos das covariâncias parciais. Em um fator de modelo bom, muitos dos elementos fora da diagonal serão pequenos. A medida da adequação de amostragem para uma variável é exibida na diagonal da matriz de correlações anti-imagem.

Extração de Análise Fatorial

Método. Permite especificar o método de extração de fator. Os métodos disponíveis são componentes principais, quadrados mínimos não ponderados, quadrados mínimos generalizados, máxima verossimilhança, fatoração de eixo principal, fatoração alfa e fatoração de imagem.

- *Análise de Componentes Principais.* Um método de extração de fator usado para formar combinações lineares não correlacionadas das variáveis observadas. O primeiro componente possui variância máxima. Componentes sucessivos explicam progressivamente partes menores da variância e nenhum deles se correlaciona com o outro. A análise de componentes principais é utilizada para obter a solução de fator inicial. Ela pode ser usada quando uma matriz de correlações é singular.
- *Método de Quadrados Mínimos Não Ponderados.* Um método de extração de fator que minimiza a soma das diferenças quadráticas entre as matrizes de correlação observadas e reproduzidas (ignorando as diagonais).
- *Método de Quadrados Mínimos Generalizado.* Um método de extração de fator que minimiza a soma das diferenças quadradas entre as matrizes de correlação observadas e reproduzidas. As correlações são ponderadas pelo inverso de sua exclusividade, para que as variáveis com exclusividade alta recebam uma ponderação menor que aquelas com exclusividade baixa.
- *Método de Máxima Verossimilhança.* Um método de extração de fator que produz estimativas de parâmetros que provavelmente produzirão a matriz de correlações observadas se a amostra for de

uma distribuição normal multivariada. As correlações são ponderadas pelo inverso da exclusividade das variáveis, e um algoritmo iterativo é utilizado.

- **Método de eixo principal de análise fatorial.** Um método de extrair fatores da matriz de correlação original, com coeficientes de correlação múltipla quadrados colocados na diagonal como estimativas iniciais das comunalidades. Esses carregamentos de fatores são utilizados para estimar novas comunalidades que substituem as estimativas de comunalidades antigas na diagonal. As iterações continuam até que as mudanças nas comunalidades de uma iteração para a próxima satisfaçam o critério de convergência para a extração.
- **Fatoração alfa.** Um método de extração de fatores que considera as variáveis na análise como uma amostra do universo de variáveis potenciais. Esse método maximiza a confiabilidade alfa dos fatores.
- **Método de imagem de análise fatorial.** Um método de extração de fatores desenvolvido por Guttman e baseado na teoria da imagem. A parte comum da variável, chamada de imagem parcial, é definida como sua regressão linear em variáveis restantes, ao invés de uma função de fatores hipotéticos.

Analisar. Permite especificar uma matriz de correlações ou uma matriz de covariâncias.

- **Matriz de correlações.** Útil se variáveis em sua análise forem medidas em escalas diferentes.
- **Matriz de covariâncias.** Útil quando desejar aplicar sua análise fatorial a diversos grupos com diferentes variâncias para cada variável.

Extrair. É possível reter todos os fatores cujos autovalores excederem um valor especificado ou reter um número específico de fatores.

Exibição. Permite solicitar a solução de fator não girada e um scree plot dos autovalores.

- **Solução de Fator Não Girado.** Exibe carregamentos de fatores não girados (matriz padrão de fator), comunalidades e os autovalores para a solução de fator.
- **Gráfico de escarpa.** Um gráfico da variância que está associada a cada fator. Esse gráfico é utilizado para determinar quantos fatores devem ser mantidos. Normalmente, o gráfico mostra uma divisão distinta entre a inclinação íngreme dos fatores grandes e o acompanhamento gradual do restante (o scree).

Máximo de Iterações para Convergência. Permite especificar o número máximo de passos que o algoritmo pode utilizar para estimar a solução.

Rotação de Análise Fatorial

Método. Permite selecionar o método de rotação de fator e se aplicar a normalização do Kaiser. Os métodos disponíveis são varimax, oblimin direto, quartimax, equamax ou promax.

- **Método Varimax.** Um método de rotação ortogonal que minimiza o número de variáveis que possuem altos carregamentos em cada fator. Este método simplifica a interpretação dos fatores.
- **Método de Oblimin direto.** Um método para rotação oblíqua (não ortogonal). Quando delta é igual a 0 (o padrão), as soluções são mais oblíquas. Conforme delta se torna mais negativo, os fatores se tornam menos oblíquos. Para substituir o delta padrão de 0, insira um número menor ou igual a 0,8.
- **Método Quartimax.** Um método de rotação que minimiza o número de fatores necessários para explicar cada variável. Este método simplifica a interpretação das variáveis observadas.
- **Método Equamax.** Um método de rotação que é uma combinação do método varimax, que simplifica os fatores, e o método quartimax, que simplifica as variáveis. O número de variáveis que são altamente carregadas em um fator e o número de fatores necessários para explicar uma variável são minimizados.
- **Rotação Promax.** Uma rotação oblíqua, que permite que os fatores sejam correlacionados. Essa rotação pode ser calculada mais rapidamente do que uma rotação oblimin direta, sendo útil para conjuntos de dados grandes.
- **Aplicar a normalização Kaiser.** Por padrão, permite aplicar a normalização do Kaiser quando uma rotação é especificada.

Exibição. Permite incluir a saída na solução girada, bem como carregar gráficos para os primeiros dois ou três fatores.

- **Solução Girada.** Um método de rotação deve ser selecionado para obter uma solução girada. Para rotações ortogonais, a matriz de padrões girada e a matriz de transformação de fator são exibidas. Para rotações oblíquas, as matrizes de correlação de padrão, de estrutura e de fator são exibidas.
- **Gráfico de Carregamento de Fator.** Gráfico de carregamento de fatores tridimensionais dos três primeiros fatores. Para uma solução de dois fatores, um gráfico bidimensional é mostrado. O gráfico não será exibido se apenas um fator for extraído. Os gráficos exibem soluções giradas se a rotação for solicitada.

Máximo de Iterações para Convergência. Permite especificar o número máximo de passos que o algoritmo pode utilizar para executar a rotação.

Escores de Análise Fatorial

Salvar como variáveis. Cria uma nova variável para cada fator na solução final.

Método. Os métodos alternativos para calcular os escores dos fatores são de regressão, Bartlett e Anderson-Rubin.

- **Método de regressão.** Um método para estimar coeficientes de escore de fator. Os escores que são produzidos têm uma média de 0 e uma variância igual à correlação múltipla quadrada entre os escores dos fatores estimados e os valores de fatores reais. Os escores podem ser correlacionados mesmo quando fatores forem ortogonais.
- **Escores de Bartlett.** Um método de estimar coeficientes de escore de fator. As pontuações que são produzidas têm uma média de 0. A soma de quadrados dos fatores únicos sobre a gama de variáveis é minimizada.
- **Método de Anderson-Rubin.** Um método de estimar coeficientes de escore fatorial; uma modificação do método de Bartlett que assegura a ortogonalidade dos fatores estimados. Os escores que são produzidos possuem uma média de 0, um desvio padrão de 1 e são não correlacionados.

Exibir matriz do coeficiente de escore dos fatores. Mostra os coeficientes pelos quais as variáveis são multiplicadas para obter os escores dos fatores. Também mostra as correlações entre os escores dos fatores.

Opções de Análise Fatorial

Valores omissos. Permite especificar como os valores omissos são manipulados. As opções disponíveis são excluir casos *listwise*, excluir casos *entre pares* ou substituir pela média.

Formato de Exibição de Coeficiente. Permite controlar os aspectos das matrizes de saída. É possível ordenar os coeficientes pelo tamanho e suprimir coeficientes com valores absolutos que forem menores que o valor especificado.

Recursos Adicionais do Comando FACTOR

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Especificar critérios de convergência para a iteração durante a extração e rotação.
- Especificar gráficos de fatores girados individuais.
- Especificar quantos escores de fatores devem ser salvos.
- Especificar valores diagonais para o método de fatoração do eixo principal.
- Gravar matrizes de correlações ou matrizes de Carregamentos Fatoriais no disco para análise posterior.
- Ler e analisar as matrizes de correlações ou matrizes de Carregamentos Fatoriais.

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Escolhendo um Procedimento para Clusterização

Análises de cluster podem ser executadas utilizando o procedimento de Análise de Cluster TwoStep, Hierárquica ou por K-Médias. Cada procedimento usa um algoritmo diferente para criar clusters, e cada um possui opções não disponíveis nos outros.

Análise de Cluster TwoStep. Para muitos aplicativos, o procedimento de Análise de Cluster TwoStep será o método de escolha. Ele fornece os seguintes recursos exclusivos:

- Seleção automática do melhor número de clusters, além de medidas de escolha entre os modelos de cluster.
- Capacidade de criar modelos de cluster simultaneamente com base em variáveis categóricas e contínuas.
- Capacidade de salvar o modelo de cluster em um arquivo XML externo e, em seguida, ler esse arquivo e atualizar o modelo de cluster utilizando dados mais recentes.

Além disso, o procedimento de Análise de Cluster TwoStep pode analisar arquivos de dados grandes.

Análise de Cluster Hierárquica. O procedimento de Análise de Cluster Hierárquica é limitado a arquivos de dados menores (centenas de objetos a serem armazenados em cluster) e possui os seguintes recursos exclusivos:

- Capacidade para armazenar em cluster casos ou variáveis.
- Capacidade para calcular um intervalo de soluções possíveis e salvar as associações de cluster para cada uma dessas soluções.
- Vários métodos para formação do cluster, transformação de variável e medir a dissimilaridade entre os clusters.

Contanto que todas as variáveis sejam do mesmo tipo, o procedimento de Análise de Cluster Hierárquica pode analisar variáveis de intervalo (contínuas), de contagem ou binárias.

Análise de Cluster por K-Médias. O procedimento Análise de Cluster por K-Médias é limitado a dados contínuos, requer a especificação do número de cluster antecipadamente e possui os seguintes recursos exclusivos:

- Capacidade para salvar distâncias de centros do cluster para cada objeto.
- Capacidade de ler centros do cluster iniciais e de salvar centros do cluster finais em um arquivo do IBM SPSS Estatísticas externo.

Além disso, o procedimento de Análise de Cluster por K-Médias pode analisar arquivos de dados grandes.

Análise de cluster de dois passos

O procedimento Análise de Cluster TwoStep é uma ferramenta exploratória projetada para revelar agrupamentos naturais (ou clusters) dentro de um conjunto de dados que de outra forma não seriam aparentes. O algoritmo utilizado por este procedimento possui vários recursos desejáveis que o diferenciam das técnicas tradicionais de clusterização:

- **Manipulação de variáveis categóricas e contínuas.** Ao considerar variáveis a serem independentes, uma distribuição multinomial normal conjunta pode ser colocada em variáveis categóricas e contínuas.
- **Seleção automática do número de clusters.** Ao comparar os valores de um critério de escolha de modelo em diferentes soluções de clusterização, o procedimento poderá determinar automaticamente o número ideal de clusters.
- **Escalabilidade.** Ao construir uma árvore de recursos do cluster (CF) que sumariza os registros, o algoritmo TwoStep permite analisar arquivos de dados grandes.

Exemplo, As empresas de varejo e de produtos do consumidor aplicam regularmente técnicas de armazenamento em cluster a dados que descrevem os hábitos de compra, sexo, idade, nível de renda, etc. de seus clientes. Essas empresas customizam suas estratégias de desenvolvimento de marketing e de produtos para aumentar as vendas e criar fidelidade à marca.

Medida de Distância. Esta seleção determina como a similaridade entre dois clusters é calculada.

- **Log da verossimilhança.** A medida de probabilidade coloca uma distribuição de probabilidade nas variáveis. Variáveis contínuas são consideradas como sendo distribuídas normalmente, ao passo que as variáveis categóricas são consideradas como sendo multinomiais. Todas as variáveis são consideradas independentes.
- **Euclidiana.** A medida Euclidiana é a distância em "linha reta" entre dois clusters. Ela pode ser utilizada somente quando todas as variáveis forem contínuas.

Número de Clusters. Essa seleção permite especificar como o número de clusters deve ser determinado.

- **Determinar automaticamente.** O procedimento irá determinar automaticamente o "melhor" número de clusters, utilizando os critérios especificados no grupo de Critério de Armazenamento em Cluster. Opcionalmente, insira um número inteiro positivo que especifica o número máximo de clusters que o procedimento deve considerar.
- **Especificar fixo.** Permite corrigir o número de clusters na solução. Insira um número inteiro positivo.

Contagem de Variáveis Contínuas. Este grupo fornece uma sumarização das especificações de padronização de variável contínua feitas na caixa de diálogo Opções. Consulte o tópico [“Opções de Análise de Cluster TwoStep”](#) na página 209 para obter mais informações.

Critério de clusterização. Esta seleção determina como o algoritmo de clusterização automático determina o número de clusters. O Critério de Informação Bayesiano (BIC) ou o Akaike Information Criterion (AIC) podem ser especificados.

Considerações de Dados de Análise de Cluster TwoStep

Dados. Este procedimento funciona com variáveis contínuas e categóricas. Os casos representam objetos a serem armazenados em cluster, e as variáveis representam atributos nos quais o clusterização é baseado.

Ordem de Caso. Observe que a árvore de recursos do cluster e a solução final podem depender da ordem de casos. Para minimizar os efeitos da ordem, ordene aleatoriamente os casos. Talvez você queira obter várias soluções diferentes com casos classificados em diferentes ordens aleatórias para verificar a estabilidade de uma determinada solução. Em situações em que isso é difícil devido a tamanhos de arquivos extremamente grandes, diversas execuções com uma amostra de casos classificados em diferentes ordens aleatórias podem ser substituídas.

Suposições. A medida de distância de probabilidade supõe que as variáveis no modelo de cluster são independentes. Além disso, cada variável contínua é considerada como tendo uma distribuição normal (gaussiana), e cada variável categórica é considerada como tendo uma distribuição multinomial. Teste interno empírico indica que o procedimento é bastante robusto para violações da suposição de independências e de suposições de distribuição, mas é necessário reconhecer o quão bem essas suposições são atendidas.

Utilize o procedimento [Correlações Bivariadas](#) para testar a independência das duas variáveis contínuas. Utilize o procedimento [Crosstabs](#) para testar a independência das duas variáveis categóricas. Utilize o procedimento [Médias](#) para testar a independência entre uma variável contínua e uma variável categórica. Utilize o procedimento [Explorar](#) para testar a normalidade de uma variável contínua. Utilize o procedimento [Teste Qui-Quadrado](#) para testar se uma variável categórica possui uma distribuição multinomial especificada.

Para obter uma análise de cluster duas etapas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Classificar > Cluster TwoStep...

2. Selecione uma ou mais variáveis categóricas ou contínuas.

Como opção, você pode:

- Ajustar os critérios pelos quais clusters são construídos.
- Selecionar as configurações para tratamento de ruído, alocação de memória, padronização de variável e entrada de modelo de cluster.

- Solicitar a saída do visualizador de modelo.
- Salvar resultados do modelo no arquivo de trabalho ou em um arquivo XML externo.

Opções de Análise de Cluster TwoStep

Tratamento de Valor Discrepante. Este grupo permite tratar valores discrepantes especialmente durante clusterização se a árvore de recursos de cluster (CF) for preenchida. A árvore CF estará cheia se ela não puder aceitar mais nenhum caso em um nó folha e nenhum nó folha puder ser dividido.

- Se selecionar tratamento de ruído e a árvore CF for preenchida, a árvore crescerá novamente após colocar os casos nas folhas esparsas em uma folha de "ruído". Uma folha será considerada esparsa se ela contiver menos do que a porcentagem especificada de casos do tamanho máximo de folha. Após a árvore ter crescido novamente, os valores discrepantes serão colocados na árvore CF, se possível. Caso contrário, os valores discrepantes serão descartados.
- Se você não selecionar tratamento de ruído e a árvore CF for preenchida, ela crescerá novamente utilizando um limite de mudança de distância maior. Após a clusterização final, os valores que não puderem ser designados a um cluster serão rotulados como valores discrepantes. O cluster de valor discrepante recebe um número de identificação de -1 e não é incluído na contagem do número de clusters.

Alocação de Memória. Este grupo permite especificar a quantia máxima de memória em megabytes (MB) que o algoritmo de cluster deve utilizar. Se o procedimento exceder esse máximo, ele utilizará o disco para armazenar informações que não couberem na memória. Especifique um número maior ou igual a 4.

- Consulte o administrador do sistema para obter o maior valor que pode ser especificado em seu sistema.
- O algoritmo poderá falhar ao localizar o número correto ou especificado de clusters se esse valor for muito baixo.

Padronização de variável. O algoritmo de clusterização funciona com variáveis contínuas padronizadas. Quaisquer variáveis contínuas que não estiverem padronizadas devem ser deixadas como variáveis na lista A Serem Padronizadas. Para economizar tempo e esforço computacional, é possível selecionar quaisquer variáveis contínuas que já tiverem sido padronizadas como variáveis na lista Padronizadas Assumidas.

Opções Avançadas

CrITÉrios de Ajuste de Árvore CF. As seguintes configurações de algoritmo de clusterização se aplicam especificamente à árvore de recursos de cluster (CF) e devem ser alteradas com cuidado:

- **Limite de Mudança da Distância Inicial.** Este é o limite inicial utilizado para crescer a árvore CF. Se inserir um determinado caso em uma folha da árvore CF gerar uma tensão menor que o limite, a folha não será dividida. Se a tensão exceder o limite, a folha será dividida.
- **Máximo de ramificações (por nó folha).** O número máximo de nós filhos que um nó folha pode ter.
- **Profundidade máxima da árvore.** O número máximo de níveis que a árvore CF pode ter.
- **Número Máximo de Nós Possíveis.** Isso indica o número máximo de nós de árvore CF que podem potencialmente ser gerados pelo procedimento, com base na função $(b^{d+1} - 1) / (b - 1)$, em que b é o máximo de ramificações e d é a profundidade máxima da árvore. Lembre-se de que sobrepor uma árvore CF grande poderá esgotar os recursos do sistema e prejudicar o desempenho do procedimento. No mínimo, cada nó requer 16 bytes.

Atualização do Modelo de Cluster. Este grupo permite importar e atualizar um modelo de cluster gerado em uma análise anterior. O arquivo de entrada contém a árvore CF em formato XML. Em seguida, o modelo será atualizado com os dados no arquivo ativo. Os nomes de variáveis devem ser selecionados na caixa de diálogo principal na mesma ordem em que eles foram especificados na análise anterior. O arquivo XML permanece inalterado, a menos que você grave especificamente as informações do novo modelo no mesmo nome de arquivo. Veja o tópico [“Saída da Análise de Cluster TwoStep” na página 210](#) para obter mais informações.

Se uma atualização do modelo de cluster for especificada, as opções referentes à geração da árvore CF que foram especificadas para o modelo original serão utilizadas. Mais especificamente, as configurações de critérios de ajuste de medida de distância, de tratamento de ruído, de alocação de memória ou de árvore CF para o modelo salvo são utilizadas, e todas as configurações para essas opções nas caixas de diálogo são ignoradas.

Nota: Ao executar uma atualização do modelo de cluster, o procedimento supõe que nenhum dos casos selecionados no conjunto de dados ativo foi utilizado para criar o modelo de cluster original. O procedimento também supõe que os casos usados na atualização do modelo são provenientes da mesma população que os casos utilizados para criar o modelo original, ou seja, as médias e variâncias de variáveis contínuas e os níveis de variáveis categóricas são considerados os mesmos nos dois conjuntos de casos. Se os seus conjuntos de casos "novos" e "antigos" forem provenientes de populações heterogêneas, deve-se executar o procedimento de Análise de Cluster TwoStep nos conjuntos de casos combinados para obter os melhores resultados.

Saída da Análise de Cluster TwoStep

Saída. Este grupo fornece opções para exibir os resultados de clusterização.

- **Tabelas dinâmicas.** Os resultados são exibidos em tabelas dinâmicas.
- **Gráficos e tabelas no Visualizador de Modelo.** Os resultados são exibidos no Visualizador de Modelo.
- **Campos de avaliação.** Isso calcula os dados do cluster para as variáveis que não forem utilizadas na criação do cluster. Campos de avaliação podem ser exibidos ao longo dos recursos de entrada no visualizador de modelo ao selecioná-los no subdiálogo Exibir. Campos com valores omissos são ignorados.

Trabalhando com Arquivo de Dados. Este grupo permite salvar as variáveis no conjunto de dados ativo.

- **Criar variável de associação de cluster.** Esta variável contém um número de identificação do cluster para cada caso. O nome dessa variável é *tsc_n*, em que *n* é um número inteiro positivo indicando o ordinal da operação de salvamento do conjunto de dados ativo concluída por este procedimento em uma determinada sessão.

Arquivos XML. O modelo de cluster final e a árvore CF são dois tipos de arquivos de saída que podem ser exportados em formato XML.

- **Exportar modelo final.** O modelo de cluster final é exportado no arquivo especificado em formato XML (PMML). É possível usar esse arquivo de modelo para aplicar as informações de modelo a outros arquivos de dados para propósitos de escoragem.
- **Exportar árvore CF.** Esta opção permite salvar o estado atual da árvore de cluster e atualizá-la posteriormente usando dados mais recentes.

O Visualizador de Cluster

Modelos de cluster são usados normalmente para localizar grupos (ou clusters) de registros semelhantes com base nas variáveis examinadas, onde a semelhança entre membros do mesmo grupo é alta e a semelhança entre membros de grupos diferentes é baixa. Os resultados podem ser usados para identificar associações que não iriam, de outra maneira, ser aparentes. Por exemplo, através da análise de cluster de preferências do cliente, nível de receita e hábitos de compra, pode ser possível identificar os tipos de clientes que são mais propensos a responder a uma campanha de marketing específica.

Existem duas abordagens para interpretar os resultados em uma exibição de cluster:

- Examine clusters para determinar características exclusivas para esse cluster. *Um cluster contém todos os solicitantes de crédito de alta renda? Esse cluster contém mais registros que os outros?*
- Examine campos ao longo de clusters para determinar como os valores são distribuídos entre clusters. *O nível de educação de uma pessoa determina a associação em um cluster? Um escore de risco de crédito alto se distingue entre associação em um cluster ou outro?*

Usando as visualizações principais e as várias visualizações vinculadas no Visualizador de Cluster, é possível ganhar insight para ajudá-lo a responder essas perguntas.

Para ver informações sobre o modelo de cluster, ative (clique duas vezes) no objeto Visualizador de Modelo no Visualizador.

Visualizador de Cluster

O Visualizador de Cluster é composto de dois painéis, a visualização principal à esquerda e a visualização vinculada ou auxiliar à direita. Existem duas visualizações principais:

- Sumarização do Modelo (o padrão). Consulte o tópico [“Visualização de Sumarização do Modelo” na página 211](#) para obter mais informações
- Clusters. Consulte o tópico [“Visualização de Clusters” na página 211](#) para obter mais informações

Existem quatro visualizações vinculadas/auxiliares:

- Importância do Preditor. Consulte o tópico [“Visualização de Importância do Preditor de Cluster” na página 213](#) para obter mais informações
- Tamanhos do Cluster (o padrão). Consulte o tópico [“Visualização de Tamanhos de Cluster” na página 213](#) para obter mais informações
- Distribuição da Célula. Consulte o tópico [“Visualização de Distribuição de Célula” na página 213](#) para obter mais informações
- Comparação do Cluster. Consulte o tópico [“Visualização de Comparação do Cluster” na página 213](#) para obter mais informações

Visualização de Sumarização do Modelo

A visualização de Sumarização do Modelo mostra uma captura instantânea ou uma sumarização do modelo de cluster, incluindo uma medida de Silhueta de coesão e separação do cluster que é sombreada para indicar resultados insatisfatórios, justos ou bons. Essa captura instantânea lhe permite verificar rapidamente se a qualidade é insatisfatória e, nesse caso, você pode decidir retornar para o nó de modelagem para corrigir as configurações de modelo de cluster para produzir um melhor resultado.

Os resultados insatisfatórios, justos e bons são baseados no trabalho de Kaufman e Rousseeuw (1990) relativos à interpretação de estruturas de cluster. Na visualização de Sumarização do Modelo, um bom resultado equivale a dados que refletem a classificação de Kaufman e Rousseeuw como evidência razoável ou forte de estrutura de cluster, resultado justo reflete a sua classificação de evidência fraca e insatisfatório reflete a sua classificação de evidência insignificante.

As médias de medida de silhueta, sobre todos os registros, $(B-A) / \max(A,B)$, em que A é a distância do registro para o seu centro do cluster e B é a distância do registro para o centro do cluster mais próximo ao qual ele não pertence. Um coeficiente de silhueta 1 significaria que todos os casos estão localizados diretamente em seus centros do cluster. Um valor 1 significaria que todos os casos estão localizados nos centros do cluster de algum outro cluster. Um valor 0 significa, em média, que os casos estão equidistantes entre o seu próprio centro do cluster e o outro cluster mais próximo.

A sumarização inclui uma tabela que contém as informações a seguir:

- **Algoritmo.** O algoritmo de clusterização usado, por exemplo, "TwoStep".
- **Variáveis de Entrada.** O número de campos, também conhecido como **entradas** ou **preditores**.
- **Clusters.** O número de clusters na solução.

Visualização de Clusters

A visualização de Clusters contém uma grade de cluster por variáveis que inclui nomes, tamanhos e perfis de cluster para cada cluster.

As colunas na grade contém as informações a seguir:

- **Cluster.** Os números do cluster criados pelo algoritmo.
- **Rótulo.** Qualquer rótulo aplicado a cada cluster (em branco por padrão). Clique duas vezes na célula para inserir um rótulo que descreve os conteúdos do cluster; por exemplo, "Compradores de carros de luxo".

- **DESCRIPTION.** Qualquer descrição dos conteúdos do cluster (em branco por padrão). Clique duas vezes na célula para inserir uma descrição do cluster; por exemplo, "+ de 55 anos de idade, profissionais, que ganham acima de \$100.000 por ano".
- **Tamanho.** O tamanho de cada cluster como uma porcentagem da amostra geral de cluster. Cada tamanho de célula dentro da grade exibe uma barra vertical que mostra a porcentagem de tamanho dentro do cluster, uma porcentagem de tamanho em formato numérico e as contagens de caixa do cluster.
- **Variáveis.** As entradas individuais ou preditores, ordenados por importância geral por padrão. Se quaisquer colunas tiverem tamanhos iguais elas serão mostradas em ordenação ascendente dos números do cluster.

A importância geral da variável é indicada pela cor do sombreado de segundo plano da célula; a variável mais importante é mais escura; a variável menos importante é sem sombreado. Um guia acima da tabela indica a importância conectada a cada cor da célula da variável.

Quando você passa o mouse sobre uma célula, o nome/rótulo completo da variável e o valor de importância para a célula é exibido. Informações adicionais podem ser exibidas, dependendo da visualização e do tipo de variável. Na visualização de Centros do Cluster, isso inclui a estatística de célula e o valor da célula; por exemplo: "Média: 4,32". Para variáveis categóricas a célula mostra o nome da categoria mais frequente (modal) e a sua porcentagem.

Dentro da visualização de Clusters, é possível selecionar várias maneiras para exibir as informações do cluster:

- Transpor clusters e variáveis. Consulte o tópico [“Transpor Clusters e Variáveis” na página 212](#) para obter mais informações
- Ordenar variáveis. Consulte o tópico [“Ordenar Variáveis” na página 212](#) para obter mais informações
- Ordenar clusters. Consulte o tópico [“Ordenar Clusters” na página 212](#) para obter mais informações
- Selecionar conteúdos da célula. Consulte o tópico [“Conteúdos da Célula” na página 213](#) para obter mais informações

Transpor Clusters e Variáveis

Por padrão, clusters são exibidos como colunas e variáveis são exibidas como linhas. Para inverter essa exibição, clique no botão **Transpor Clusters e Variáveis** à esquerda dos botões **Ordenar Variáveis Por**. Por exemplo, talvez você queira fazer isso quando tiver muitos clusters exibidos, para reduzir a quantia de rolagem horizontal necessária para ver os dados.

Ordenar Variáveis

Os botões **Ordenar Variáveis Por** lhe permitem selecionar como as células da variável são exibidas:

- **Importância Geral.** Esse é o padrão de ordenação. Variáveis são ordenadas em ordem decrescente de importância geral e a ordenação é a mesma ao longo de clusters. Se qualquer variável tiver valores de importância ligados, as variáveis ligadas são listadas em ordenação ascendente dos nomes de variáveis.
- **Importância Dentro do Cluster.** Variáveis são ordenadas em relação à sua importância para cada cluster. Se qualquer variável tiver valores de importância ligados, as variáveis ligadas são listadas em ordenação ascendente dos nomes de variáveis. Quando essa opção é escolhida, a ordenação geralmente varia ao longo de clusters.
- **Nome.** Variáveis são ordenadas por nome em ordem alfabética.
- **Ordem de dados.** Variáveis são ordenadas por sua ordem no conjunto de dados.

Ordenar Clusters

Por padrão, clusters são ordenados em ordem decrescente de tamanho. Os botões **Ordenar Clusters Por** permitem que você os ordene por nome em ordem alfabética ou, se você criou rótulos exclusivos, em ordem alfanumérica de rótulo em vez disso.

Variáveis que têm o mesmo rótulo são ordenadas por nome do cluster. Se clusters forem ordenados por rótulo e você editar o rótulo de um cluster, a ordenação será atualizada automaticamente.

Conteúdos da Célula

Os botões de **Células** lhe permitem mudar a exibição dos conteúdos da célula para variáveis e campos de avaliação.

- **Centros do Cluster.** Por padrão, células exibem nomes/rótulos de variável e a tendência central para cada combinação de cluster/variável. A média é mostrada para campos contínuos e o modo (categoria que ocorre mais frequentemente) com porcentagem de categoria para campos categóricos.
- **Distribuições Absolutas.** Mostra nomes/rótulos de variável e distribuições absolutas das variáveis dentro de cada cluster. Para variáveis categóricas, a exibição mostra gráficos de barras sobrepostos com categorias ordenadas em ordem crescente dos valores dos dados. Para variáveis contínuas, a exibição mostra um gráfico de densidade suave que usa os mesmos terminais e intervalos para cada cluster.

A exibição de cor vermelha sólida mostra a distribuição de cluster, enquanto a exibição mais pálida representa os dados gerais.

- **Distribuições Relativas.** Mostra nomes/rótulos de variável e distribuições relativas nas células. Em geral, as exibições são semelhantes às aquelas mostradas para distribuições absolutas, exceto que distribuições relativas são exibidas em vez disso.

A exibição de cor vermelha sólida mostra a distribuição de cluster, enquanto a exibição mais pálida representa os dados gerais.

- **Visualização Básica.** Onde houver muitos clusters, pode ser difícil ver todos os detalhes sem rolagem. Para reduzir a quantidade de rolagem, selecione essa visualização para mudar a exibição para uma versão mais compacta da tabela.

Visualização de Importância do Preditor de Cluster

A visualização de Importância do Preditor mostra a importância relativa de cada campo na estimativa do modelo.

Visualização de Tamanhos de Cluster

A visualização de Tamanhos de Cluster mostra um gráfico de pizza que contém cada cluster. O tamanho da porcentagem de cada cluster é mostrado em cada fatia; passe o mouse sobre cada fatia para exibir a contagem dessa fatia.

Abaixo do gráfico, uma tabela lista as informações de tamanho a seguir:

- O tamanho do menor cluster (ambas: uma contagem e uma porcentagem do todo).
- O tamanho do maior cluster (ambas: uma contagem e uma porcentagem do todo).
- A razão de tamanho do maior cluster para o menor cluster.

Visualização de Distribuição de Célula

A visualização de Distribuição de Célula mostra um gráfico expandido, mais detalhado, da distribuição dos dados para qualquer célula de variável que você selecionar na tabela no painel principal de Clusters.

Visualização de Comparação do Cluster

A visualização de Comparação do Cluster consiste em um layout de estilo em grade, com variáveis nas linhas e clusters selecionados nas colunas. Essa visualização o ajuda a entender melhor os fatores que compõem os clusters; ela também lhe permite ver diferenças entre clusters não apenas conforme comparados com os dados gerais, mas uns com os outros.

Para selecionar clusters para exibição, clique na parte superior da coluna de cluster no painel principal de Clusters. Use Ctrl-clique ou pressione Shift e clique para selecionar ou cancelar a seleção de mais de um cluster para comparação.

Nota: É possível selecionar até cinco clusters para exibição.

Clusters são mostrados na ordem em que eles foram selecionados, enquanto a ordem de campos é determinada pela opção **Ordenar Variáveis Por**. Quando você seleciona **Importância Dentro do Cluster**, os campos são sempre ordenados por importância geral.

Os gráficos de segundo plano mostram as distribuições gerais de cada variável:

- Variáveis categóricas são mostradas como gráficos de pontos, em que o tamanho do ponto indica a categoria mais frequente/modal para cada cluster (por variável).
- Variáveis contínuas são exibidas como diagramas de caixa, que mostram medianas gerais e as amplitudes interquartis.

Sobrepostos nessas visualizações de segundo plano estão diagramas de caixa para clusters selecionados:

- Para variáveis contínuas, marcadores de ponto quadrado e linhas horizontais indicam a amplitude mediana e interquartil para cada cluster.
- Cada cluster é representado por uma cor diferente, mostrada na parte superior da visualização.

Navegando no Visualizador de Cluster


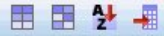
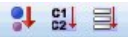

O Visualizador de Cluster é uma exibição interativa. É possível:

- Selecionar um campo ou cluster para visualizar mais detalhes.
- Comparar clusters para selecionar itens de interesse.
- Alterar a exibição.
- Transpor eixos.

Usando as Barras de Ferramentas

Você controla as informações mostradas em ambos os painéis: esquerdo e direito usando as opções da barra de ferramentas. É possível mudar a orientação da exibição (de cima para baixo, da esquerda para a direita ou da direita para a esquerda) usando os controles da barra de ferramentas. Além disso, também é possível reconfigurar o visualizador para as configurações padrão e abrir uma caixa de diálogo para especificar os conteúdos da visualização de Clusters no painel principal.

As opções **Ordenar Variáveis Por**, **Ordenar Clusters Por**, **Células** e **Exibir** estão disponíveis somente quando você seleciona a visualização de **Clusters** no painel principal. Consulte o tópico “[Visualização de Clusters](#)” na página 211 para obter mais informações

Tabela 2. Ícones da barra de ferramentas	
Ícone	Tópico
	Consulte Transpor Clusters e Variáveis
	Consulte Ordenar Variáveis Por
	Consulte Ordenar Clusters Por
	Consulte Células

Exibição de Visualização de Cluster de Controle

Para controlar o que é mostrado na visualização de Clusters no painel principal, clique no botão **Exibir**; o diálogo Exibir é aberto.

Variáveis. Selecionado por padrão. Para ocultar todas as variáveis de entrada, cancele a seleção da caixa de seleção.

Campos de avaliação. Escolha os campos de avaliação (campos não usados para criar o modelo de cluster, mas enviados para o visualizador de modelo para avaliar os clusters) para exibir; nenhum é

mostrado por padrão. *Nota* O campo de avaliação deve ser uma sequência de caracteres com mais de um valor. Esta caixa de seleção fica indisponível se nenhum campo de avaliação estiver disponível.

Descrições do Cluster. Selecionado por padrão. Para ocultar todas as células de descrição do cluster, cancele a seleção da caixa de seleção.

Tamanhos do Cluster. Selecionado por padrão. Para ocultar todas as células de tamanho do cluster, cancele a seleção da caixa de seleção.

Número Máximo de Categorias. Especifica o número máximo de categorias para exibir em gráficos de variáveis categóricas; o padrão é 20.

Filtrando Registros

Se você quiser saber mais sobre os casos em um determinado cluster ou grupo de clusters, é possível selecionar um subconjunto de registros para posterior análise com base nos clusters selecionados.

1. Selecione os clusters na visualização de Cluster do Visualizador de Cluster. Para selecionar vários clusters, use Ctrl-clique
2. Nos menus, escolha:
Gerar > Filtrar Registros...
3. Insira um nome de variável de filtro. Registros a partir dos clusters selecionados receberão um valor 1 para esse campo. Todos os outros registros receberão um valor 0 e serão excluídos de análises subsequentes até você mudar o status do filtro.
4. Clique em **OK**.

Análise de cluster hierárquica

Este procedimento tenta identificar grupos de casos (ou variáveis) relativamente homogêneos com base nas características selecionadas, utilizando um algoritmo que inicia com cada caso (ou variável) em um cluster separado e combina clusters até restar somente um. É possível analisar variáveis brutas, ou escolher a partir de uma variedade de transformações de padronização. Medidas de distância ou de similaridade são geradas pelo procedimento Proximidades. As estatísticas são exibidas em cada estágio para ajudá-lo a selecionar a melhor solução.

Exemplo. Há grupos identificáveis de programas de televisão que atraem públicos semelhantes para dentro de cada grupo? Com a análise de cluster hierárquica, é possível agrupar programas de televisão (casos) em grupos homogêneos com base nas características do telespectador. Esse processo pode ser utilizado para identificar segmentos para marketing. Ou é possível agrupar cidades (casos) em grupos homogêneos, de modo que cidades comparáveis possam ser selecionadas para testar as várias estratégias de marketing.

Estatísticas. Planejamento de aglomeração, matriz de distância (ou similaridade) e associação de cluster para uma solução única ou para um intervalo de soluções. Gráficos: dendrogramas e gráficos icicle.

Considerações de Dados de Análise de Cluster Hierárquica

Dados. As variáveis podem ser quantitativas, binárias ou dados de contagem. O ajuste de escala de variáveis é uma consideração importante - as diferenças no ajuste de escala podem afetar uma ou mais de suas soluções de cluster. Se as suas variáveis possuírem diferenças grandes no ajuste de escala (por exemplo, uma variável é medida em dólares e a outra é medida em anos), considere padronizá-las (esse processo pode ser feito automaticamente pelo procedimento Ajuste de Escala Hierárquica).

Ordem de caso. Se distâncias ou similaridades empatadas existirem nos dados de entrada ou ocorrerem entre clusters atualizados durante a junção, a solução de cluster resultante poderá depender da ordem dos casos no arquivo. Talvez você queira obter várias soluções diferentes com casos classificados em diferentes ordens aleatórias para verificar a estabilidade de uma determinada solução.

Suposições. As medidas de distância ou de similaridade utilizadas devem ser apropriadas para os dados analisados (consulte o procedimento Proximidades para obter mais informações sobre as opções de medidas de distância e de similaridade). Além disso, deve-se incluir todas as variáveis relevantes em

sua análise. Omissão de variáveis influentes pode resultar em uma solução enganosa. Como a análise de cluster hierárquica é um método exploratório, os resultados devem ser tratados como tentativa até que eles sejam confirmados com uma amostra independente.

Para obter uma análise de cluster hierárquica

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Classificar > Cluster Hierárquico...

2. Se estiver armazenando casos em cluster, selecione pelo menos uma variável numérica. Se estiver armazenando variáveis em cluster, selecione pelo menos três variáveis numéricas.

Opcionalmente, é possível selecionar uma variável de identificação para rotular casos.

Método de Análise de Cluster Hierárquica

Método de Cluster. As alternativas disponíveis são ligação entre grupos, ligação dentro de grupos, vizinho mais próximo, vizinho mais distante, clusterização de centroide, clusterização de mediana e o método de Ward.

Medida. Permite especificar a medida de distância ou de similaridade ser utilizada em cluster. Selecione o tipo de dados e a medida de distância ou de similaridade adequada:

- **Intervalo.** As alternativas disponíveis são distância euclidiana, distância euclidiana quadrática, cosseno, correlação de Pearson, Chebychev, bloco, Minkowski e customizado.
- **Contagens.** As alternativas disponíveis são medida de qui-quadrado e medida de fi-quadrado.
- **Binário.** As alternativas disponíveis são distância euclidiana, distância euclidiana quadrática, diferença de tamanho, diferença padrão, variância, dispersão, forma, correspondência simples, correlação fi de 4 pontos, lambda, *D* de Anderberg, divisão, Hamann, Jaccard, Kulczynski 1, Kulczynski 2, Lance e Williams, Ochiai, Rogers e Tanimoto, Russel e Rao, Sokal e Sneath 1, Sokal e Sneath 2, Sokal e Sneath 3, Sokal e Sneath 4, Sokal e Sneath 5, *Y* de Yule e *Q* de Yule.

Transformar Valores. Permite padronizar valores de dados para casos ou valores antes de calcular proximidades (não disponível para dados binários). Os métodos de padronização disponíveis são escores *z*, intervalo -1 a 1, intervalo 0 a 1, magnitude máxima de 1, média de 1 e desvio padrão de 1.

Transformar Medidas. Permite transformar os valores gerados pela medida de distância. Eles são aplicados após a medida de distância ter sido calculada. As alternativas disponíveis são valores absolutos, sinal de mudança e reajuste de escala para o intervalo 0-1.

Estatísticas de Análise de Cluster Hierárquica

Planejamento de aglomeração. Exibe os casos ou clusters combinados em cada estágio, as distâncias entre os casos ou clusters que estão sendo combinados e o último nível do cluster no qual um caso (ou variável) se uniu ao cluster.

Matriz de proximidade. Fornece as distâncias ou similaridades entre os itens.

Associação de Cluster. Exibe o cluster ao qual cada caso é designado em um ou mais estágios na combinação de clusters. As opções disponíveis são solução única e intervalo de soluções.

Gráficos de Análise de Cluster Hierárquica

Dendrograma. Exibe um *dendrograma*. Dendrogramas podem ser utilizados para avaliar a coesão dos clusters formados e pode fornecer informações sobre o número apropriado de clusters a serem mantidos.

Icicle. Exibe um *gráfico icicle*, incluindo todos os clusters ou um intervalo de clusters especificado. Os gráficos icicle exibem informações sobre como os casos são combinados em clusters em cada iteração da análise. A orientação permite selecionar um gráfico vertical ou horizontal.

Análise de Cluster Hierárquica para Salvar Novas Variáveis

Associação de Cluster. Permite salvar as associações de cluster para uma solução única ou um intervalo de soluções. As variáveis salvas podem, então, ser utilizadas em análises subsequentes para explorar outras diferenças entre os grupos.

Recursos Adicionais da Sintaxe do Comando CLUSTER

O procedimento Cluster Hierárquico utiliza a sintaxe de comando do CLUSTER. O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Utilizar vários métodos de clusterização em uma análise única.
- Ler e analisar uma matriz de proximidade.
- Gravar uma matriz de proximidade no disco para análise posterior.
- Especificar quaisquer valores para potência e raiz na medida de distância customizada (Potência).
- Especificar nomes para variáveis salvas.

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Análise de cluster por K-médias

Este procedimento tenta identificar grupos de casos relativamente homogêneos com base em características selecionadas, utilizando um algoritmo que possa manipular números grandes de casos. No entanto, o algoritmo requer que você especifique o número de clusters. É possível especificar centros do cluster iniciais se você souber essas informações. É possível selecionar um dos dois métodos para classificar casos, atualizar os centros do cluster iterativamente ou somente classificar. É possível salvar a associação de cluster, informações de distância e centros do cluster finais. Opcionalmente, é possível especificar uma variável cujos valores são utilizados para rotular a saída entre casos. Também é possível solicitar estatísticas F de análise de variância. Embora essas estatísticas sejam oportunistas (o procedimento tenta formar grupos que diferem), o tamanho relativo das estatísticas fornece informações sobre a contribuição de cada variável para a separação dos grupos.

Exemplo. Quais são alguns grupos identificáveis de programas de televisão que atraem públicos semelhantes para dentro de cada grupo? Com a análise de cluster por k -médias, é possível agrupar programas de televisão (casos) em k grupos homogêneos com base nas características do telespectador. Esse processo pode ser utilizado para identificar segmentos para marketing. Ou é possível agrupar cidades (casos) em grupos homogêneos, de modo que cidades comparáveis possam ser selecionadas para testar as várias estratégias de marketing.

Estatísticas. Solução completa: centros do cluster iniciais, tabela ANOVA. Cada caso: informações do cluster, distância do centro do cluster.

Considerações de Dados de Análise de Cluster por K-Médias

Dados. As variáveis devem ser quantitativas no nível de intervalo ou de razão. Se suas variáveis forem binárias ou contagens, use o procedimento de Análise de Cluster Hierárquica.

Caso e ordem inicial do centro do cluster. O algoritmo padrão para escolher os centros do cluster iniciais não é invariável para ordenação de caso. A opção **Utilizar médias de execução** na caixa de diálogo Iterar torna a solução resultante potencialmente dependente da ordem do caso, não importa como os centros do cluster iniciais forem escolhidos. Se estiver utilizando qualquer um destes métodos, talvez você queira obter várias soluções diferentes com casos classificados em diferentes ordens aleatórias para verificar a estabilidade de uma determinada solução. Especificar centros do cluster iniciais e não utilizar a opção **Utilizar médias de execução** evitam problemas relacionados à ordem do caso. No entanto, a ordenação dos centros do cluster iniciais poderá afetar a solução se houver distâncias empatadas entre os casos e os centros do cluster. Para avaliar a estabilidade de uma determinada solução, será possível comparar os resultados das análises com diferentes permutações dos valores do centro iniciais.

Suposições. As distâncias são calculadas usando a distância euclidiana simples. Se desejar utilizar outra distância ou medida de similaridade, use o procedimento de Análise de Cluster Hierárquica. O

ajuste de escala de variáveis é uma consideração importante. Se as suas variáveis forem medidas em escalas diferentes (por exemplo, uma variável é expressa em dólares e outra variável é expressa em anos), os resultados poderão ser enganosos. Nesses casos, deve-se considerar a padronização de suas variáveis antes de executar a análise de cluster por *k*-médias (esta tarefa pode ser feita no procedimento Descritivos). O procedimento supõe que você selecionou o número apropriado de clusters e que todas as variáveis relevantes foram incluídas. Se você escolheu um número inadequado de clusters ou omitiu variáveis importantes, os resultados poderão ser enganosos.

Para obter uma análise de cluster por *k*-médias

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Classificar > Cluster de K-Médias...

2. Selecione as variáveis a serem utilizadas na análise de cluster.

3. Especifique o número de clusters. (O número de clusters deve ser pelo menos 2 e não deve ser maior que o número de casos no arquivo de dados).

4. Selecione **Iterar e classificar** ou **Somente classificar**.

5. Opcionalmente, selecione uma variável de identificação para rotular casos.

Eficiência de Análise de Cluster por K-Médias

O comando de análise de cluster por *k*-médias é eficaz principalmente porque ele não calcula as distâncias entre todos os pares de casos, assim como fazem muitos algoritmos de cluster, incluindo o algoritmo que é utilizado pelo comando de clusterização hierárquico.

Para obter o máximo de eficiência, pegue uma amostra de casos e selecione o método **Iterar e classificar** para determinar os centros do cluster. Selecione **Gravar final como**. Em seguida, restaure o arquivo de dados inteiro e selecione **Somente classificar** como o método e selecione **Leitura inicial de** para classificar o arquivo inteiro usando os centros que são estimados a partir da amostra. É possível gravar e ler a partir de um arquivo ou de um conjunto de dados. Conjuntos de dados estão disponíveis para uso subsequente na mesma sessão, mas não são salvos como arquivos, a menos que sejam salvos explicitamente antes do término da sessão. Os nomes do conjunto de dados devem estar de acordo com as regras de nomenclatura de variáveis. Veja o tópico para obter mais informações.

Iteração de Análise de Cluster por K-Médias

Nota: Estas opções estarão disponíveis apenas se selecionar o método **Iterar e classificar** a partir da caixa de diálogo Análise de Cluster por K-Médias.

Máximo de Iterações. Limita o número de iterações no algoritmo *k*-médias. A iteração parará após este número de iterações, mesmo se o critério de convergência não estiver satisfeito. Este número deve ser entre 1 e 999.

Para reproduzir o algoritmo utilizado pelo comando Cluster Rápido anterior à versão 5.0, configure **Máximo de Iterações** para 1.

Critério de Convergência. Determina quando iteração é interrompida. Ele representa uma proporção da distância mínima entre os centros de cluster iniciais, por isso deve ser maior que 0, mas não superior a 1. Se o critério for igual a 0,02, por exemplo, a iteração terminará quando uma iteração completa não mover nenhum dos centros de cluster por uma distância de mais de 2% da menor distância entre quaisquer centros de cluster iniciais.

Utilizar médias de execução. Permite solicitar que os centros do cluster sejam atualizados após cada caso ser designado. Se você não selecionar essa opção, novos centros do cluster serão calculados após todos os casos terem sido designados.

Salvar Análise de Cluster por K-Médias

É possível salvar informações sobre a solução como novas variáveis a serem usadas em análises subsequentes:

Associação de cluster. Cria uma nova variável indicando a associação de cluster final de cada caso. Os valores da nova variável variam de 1 até o número de clusters.

Distância do centro do cluster. Cria uma nova variável indicando a distância euclidiana entre cada caso e seu centro de classificação.

Opções de Análise de Cluster por K-médias

Estatísticas. É possível selecionar as seguintes estatísticas: centros do cluster iniciais, tabela de ANOVA e informações do cluster para cada caso.

- *Centros de clusters iniciais.* Primeira estimativa das médias da variável para cada um dos clusters... Por padrão, um número de casos bem espaçados igual ao número de clusters é selecionado a partir dos dados. Os centros do cluster iniciais são utilizados para uma primeira rodada de classificação e, em seguida, são atualizados.
- *Tabela de ANOVA.* Exibe uma tabela de análise de variação que inclui testes F univariados para cada variável de armazenamento em cluster. Os testes F são apenas descritivos e as probabilidades resultantes não devem ser interpretadas. A tabela ANOVA não será exibida se todos os casos forem designados para um único cluster.
- *Informações de cluster para cada caso.* Exibe para cada caso a designação de cluster final e a distância euclidiana entre o caso e o centro do cluster usado para classificar o caso.. Exibe também a distância euclidiana entre os centros do cluster final.

Valores omissos. As opções disponíveis são **Excluir listwise dos casos** ou **Excluir Casos Entre Pares**.

- **Excluir listwise dos casos.** Exclui da análise casos com valores omissos para qualquer variável de clusterização.
- **Excluir casos entre pares.** Designa casos para clusters com base nas distâncias que são calculadas a partir de todas as variáveis com valores não omissos.

Recursos Adicionais do Comando QUICK CLUSTER

O procedimento K-Means Cluster usa a sintaxe do comando QUICK CLUSTER . O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Aceitar os primeiros k casos como os centros do cluster iniciais, evitando, assim, a passagem de dados que é normalmente utilizada para estimá-los.
- Especifique os centros do cluster iniciais diretamente como parte da sintaxe de comando.
- Especificar nomes para variáveis salvas.

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Testes não paramétricos

Testes não paramétricos fazem premissas mínimas sobre a distribuição subjacente dos dados. Os testes que estão disponíveis nesses diálogos podem ser agrupados em três amplas categorias com base em como os dados são organizados:

- Um teste de uma amostra analisa um campo.
- Um teste para amostras relacionadas compara dois ou mais campos para o mesmo conjunto de casos.
- Um teste de amostras independentes analisa um campo que é agrupado por categorias de um outro campo.

Testes Não paramétricos de uma amostra

Testes não paramétricos de uma amostra identificam diferenças em campos únicos usando um ou mais testes não paramétricos. Os testes não paramétricos não presumem que seus dados sigam a distribuição normal.

Qual é o seu objetivo? Os objetivos lhe permitem especificar rapidamente configurações de teste diferentes, mas usadas frequentemente.

- **Comparar automaticamente dados observados com hipotéticos.** Esse objetivo aplica o teste Binomial em campos categóricos com apenas duas categorias, o teste Qui-Quadrado em todos os outros campos categóricos e o teste de Kolmogorov-Smirnov em campos contínuos.
- **Sequência de teste para aleatoriedade.** Esse objetivo usa o teste de Execuções para testar a sequência observada de valores dos dados para aleatoriedade.
- **Análise customizada.** Quando você deseja corrigir manualmente as configurações de teste na guia Configurações, selecione essa opção. Observe que essa configuração será selecionada automaticamente se você subsequentemente fizer mudanças em opções na guia Configurações que forem incompatíveis com o objetivo selecionado atualmente.

Obtendo testes não paramétricos de uma amostra

Nos menus, escolha:

Analisar > Testes Não Paramétricos > Uma Amostra...

1. Clique em **Executar**.

Como opção, você pode:

- Especificar um objetivo na guia Objetivo.
- Especificar designações de campo na guia Campos.
- Especificar configurações especialistas na guia Configurações.

Guia Campos

A guia Campos especifica quais campos devem ser testados.

Usar funções predefinidas. Essa opção usa informação de campo. Todos os campos com uma função predefinida como Entrada, Resposta ou Ambos serão usados como campos de teste. Pelo menos um campo de teste é necessário.

Usar designações de campo customizado. Essa opção lhe permite substituir papéis do campo. Após selecionar essa opção, especifique os campos abaixo:

- **Campos de Teste.** Selecione um ou mais campos.

Guia Configurações

A guia Configurações abrange vários grupos diferentes de configurações que é possível modificar para ajustar com precisão como o algoritmo processa os seus dados. Se você fizer qualquer mudança nas configurações padrão que for incompatível com os objetivos selecionados atualmente, a guia Objetivo será atualizada automaticamente para selecionar a opção **Customizar análise**.

Escolher Testes

Essas configurações especificam os testes a serem executados nos campos especificados na guia Campos.

Escolher automaticamente os testes com base nos dados. Essa configuração aplica o teste Binomial em campos categóricos com apenas duas categorias válidas (não omissas), o teste Qui-Quadrado em todos os outros campos categóricos e o teste de Kolmogorov-Smirnov em campos contínuos.

Customizar testes. Essa configuração permite que você escolha testes específicos a serem executados.

- **Comparar probabilidade binária observada com hipotética (Teste binomial).** O Teste binomial pode ser aplicado a todos os campos. Isso produz um teste de uma amostra se a distribuição observada de um campo de sinalização (um campo categórico com apenas duas categorias) é a mesma que o que é esperado a partir de uma distribuição binomial especificada. Além disso, é possível solicitar

intervalos de confiança. Consulte “Opções de teste binomial” na página 221 para obter detalhes sobre as configurações de teste.

- **Comparar probabilidades observadas com hipotéticas (Teste Qui-Quadrado).** O teste Qui-Quadrado é aplicado a campos nominais e ordinais. Isso produz um teste de uma amostra que calcula uma estatística qui-quadrado baseada nas diferenças entre frequências observadas e esperadas de categorias de um campo. Consulte “Opções de teste qui-quadrado” na página 221 para obter detalhes sobre as configurações de teste.
- **Testar distribuição observada com relação à hipotética (Teste de Kolmogorov-Smirnov).** O teste de Kolmogorov-Smirnov é aplicado a campos contínuos e ordinais. Isso produz um teste de uma amostra de se a função de distribuição acumulativa de amostra para um campo é homogênea com uma distribuição uniforme, normal, de Poisson ou exponencial. Consulte “Opções de Kolmogorov-Smirnov” na página 222 para obter detalhes sobre as configurações de teste.
- **Comparar mediana com hipotética (Teste dos postos sinalizados de Wilcoxon).** O teste dos postos sinalizados de Wilcoxon é aplicado a campos contínuos e ordinais. Isso produz um teste de uma amostra de valor médio de um campo. Especifique um número como a mediana hipotética.
- **Sequência de teste para aleatoriedade (Teste de execuções).** O Teste de execuções é aplicado a todos os campos. Isso produz um teste de uma amostra de se a sequência de valores de um campo dicotomizado é aleatória. Consulte “Opções de Teste de Execuções” na página 222 para obter detalhes sobre as configurações de teste.

Opções de teste binomial

O teste binomial destina-se a campos de sinalização (campos categóricos com apenas duas categorias), mas é aplicado a todos os campos usando regras para definir "sucesso".

Proporção hipotética. Isso especifica a proporção esperada de registros definidos como "sucessos" ou p . Especifique um valor maior que 0 e menor que 1. O padrão é 0,5.

Intervalo de Confiança. Os métodos a seguir para calcular intervalos de confiança para dados binários estão disponíveis:

- **Clopper-Pearson (exato).** Um intervalo exato baseado na distribuição binomial acumulativa.
- **Jeffreys.** Um intervalo Bayesiano baseado na distribuição posterior de p usando as informações a priori de Jeffreys.
- **Razão de verossimilhança.** Um intervalo baseado na função de probabilidade para p .

Definir Sucesso para Campos Categóricos. Isso especifica como "sucesso", o(s) valor(es) de dados testado(s) com relação à proporção hipotética, é definido para campos categóricos.

- **Usar a primeira categoria localizada em dados** executa o teste binomial usando o primeiro valor localizado na amostra para definir "sucesso". Essa opção é aplicável somente em campos nominais ou ordinais com apenas dois valores; todos os outros campos categóricos especificados na guia Campos em que essa opção é usada não serão testados. Esse é o padrão.
- **Especificar valores de sucesso** executa o teste binomial usando a lista especificada de valores para definir "sucesso". Especifique uma lista de sequências de caracteres ou de valores numéricos. Os valores na lista não precisam estar presentes na amostra.

Definir Sucesso para Campos Contínuos. Isso especifica como "sucesso", o(s) valor(es) de dados testado(s) com relação ao valor de teste, é definido para campos contínuos. Sucesso é definido como valores iguais ou inferiores a um ponto de corte.

- **Ponto médio da amostra** configura o ponto de corte na média dos valores mínimo e máximo.
- **Ponto de corte customizado** permite que você especifique um valor para o ponto de corte.

Opções de teste qui-quadrado

Todas as categorias têm probabilidade igual. Isso produz frequências iguais entre todas as categorias na amostra. Esse é o padrão.

Customizar probabilidade esperada. Isso lhe permite especificar frequências desiguais para uma lista de categorias especificada. Especifique uma lista de sequências de caracteres ou de valores numéricos. Os valores na lista não precisam estar presentes na amostra. Na coluna **Categoria**, especifique valores de categoria. Na coluna **Frequência Parente**, especifique um valor maior que 0 para cada categoria. Frequências customizadas são tratadas como índices de modo que, por exemplo, especificar frequências 1, 2 e 3 é equivalente a especificar frequências 10, 20 e 30 e ambas especificam que é esperado que 1/6 dos registros caiam na primeira categoria, 1/3 na segunda e 1/2 na terceira. Quando probabilidades customizadas esperadas são especificadas, os valores de categoria customizados devem incluir todos os valores do campo nos dados; caso contrário, o teste não será executado para esse campo.

Opções de Kolmogorov-Smirnov

Esse diálogo especifica quais distribuições devem ser testadas e os parâmetros das distribuições hipotéticas.

Quando alguns parâmetros da distribuição tiverem que ser estimados a partir da amostra, o teste de Kolmogorov-Smirnov não será mais aplicável. Nestas situações, a estatística do teste de Lilliefors pode ser usada para estimar o valor p usando a amostragem de Monte Carlo para normalidade de teste com uma média e variância desconhecidas. O teste de Lilliefors se aplica às três distribuições contínuas (**Normal**, **Exponencial** e **Uniforme**). Observe que o teste não se aplicará se a distribuição subjacente for discreta (**Poisson**). O teste será definido somente para inferência de uma amostra quando os parâmetros de distribuição correspondentes não forem especificados.

Normal

Usar dados de amostra usa a média observada e o desvio padrão e fornece opções para selecionar os resultados existentes de **Teste assintótico** ou usar **Teste de Lilliefors baseado na amostragem de Monte Carlo**. **Customizado** permite especificar valores.

Uniforme

Usar dados de amostra usa o mínimo e o máximo observados e usa o teste de Lilliefors baseado na amostragem de Monte Carlo. **Customizado** permite especificar valores mínimos e máximos.

Exponencial

Média da amostra usa a média observada e usa o teste de Lilliefors baseado na amostragem de Monte Carlo. **Customizado** permite especificar um valor médio observado.

Poisson

Média permite especificar um valor médio observado.

Opções de Teste de Execuções

O teste de execuções destina-se a campos de sinalização (campos categóricos com apenas duas categorias), mas pode ser aplicado a todos os campos usando regras para definir os grupos.

Definir Grupos para Campos Categóricos. As opções a seguir estão disponíveis:

- **Existem somente 2 categorias na amostra** executa o teste de execuções usando os valores localizados na amostra para definir os grupos. Essa opção é aplicável somente em campos nominais ou ordinais com apenas dois valores; todos os outros campos categóricos especificados na guia Campos em que essa opção é usada não serão testados.
- **Recodificar dados em 2 categorias** executa o teste de execuções usando a lista especificada de valores para definir um dos grupos. Todos os outros valores na amostra definem o outro grupo. Os valores na lista não precisam estar todos presentes na amostra, mas pelo menos um registro deve estar em cada grupo.

Definir Ponto de Corte para Campos Contínuos. Isso especifica como os grupos são definidos para campos contínuos. O primeiro grupo é definido como valores iguais ou inferiores a um ponto de corte.

- **Mediana de amostra** configura o ponto de corte na mediana de amostra.
- **Média de amostra** configura o ponto de corte na média de amostra.
- **Customizado** permite que você especifique um valor para o ponto de corte.

Opções de Teste

Nível de significância

Isso especifica o nível de significância (alpha) para todos os testes. Especifique um valor numérico entre 0 e 1. 0,05 é o valor padrão.

Intervalo de confiança (%)

Isso especifica o nível de confiança para todos os intervalos de confiança produzidos. Especifique um valor numérico entre 0 e 100. 95 é o valor padrão.

Casos excluídos

Isso especifica como determinar a base de caso para testes.

Excluir teste de casos por teste

Os registros com valores omissos para um campo que é usado para um teste específico são omitidos desse teste. Quando diversos testes são especificados na análise, cada teste é avaliado separadamente.

Excluir casos pelo método listwise

Os registros com valores omissos para qualquer campo nomeado na guia Campos são excluídos de todas as análises.

Amostragem de Monte Carlo

Quando alguns parâmetros da distribuição tiverem que ser estimados a partir da amostra, o teste de Kolmogorov-Smirnov não será mais aplicável. Nestas situações, a estatística do teste de Lilliefors pode ser usada para estimar o valor p usando a amostragem de Monte Carlo para normalidade de teste com uma média e variância desconhecidas. O teste de Lilliefors se aplica às três distribuições contínuas (**Normal**, **Exponencial** e **Uniforme**). Observe que o teste não se aplicará se a distribuição subjacente for discreta (**Poisson**). O teste será definido somente para inferência de uma amostra quando os parâmetros de distribuição correspondentes não forem especificados.

Configurar valor inicial customizado

Quando ativada, esta configuração fornece a opção de reconfigurar o valor de **Semente** aleatória que é usado para a amostragem de Monte Carlo. O valor deve ser um número inteiro único entre 1 e 2.147.483.647 (o valor padrão é 2.000.000). Por padrão, a configuração não é ativada, o que produz um valor de semente aleatória.

Número de amostras

Reconfigura o número de réplicas de amostragem de Monte Carlo que são usadas pelo teste de Lilliefors. O valor deve ser um número inteiro único entre 100 e o maior número inteiro. O valor padrão é 10.000.

Nível de confiança de simulação (%)

Reconfigura o nível de intervalo de confiança estimado do teste de Kolmogorov-Smirnov. O valor deve ser um valor único entre 0 e 100. O valor padrão é 99.

Valores Omissos de Usuário

Valores Omissos de Usuário para Campos Categóricos. Campos categóricos devem ter valores válidos para um registro a ser incluído na análise. Esses controles permitem que você decida se os valores omissos de usuário são tratados como válidos entre os campos categóricos. Valores omissos do sistema e valores omissos para campos contínuos são sempre tratados como inválidos.

Recursos adicionais do comando NPTESTS

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Especificar testes de uma amostra, de amostras independentes e de amostras relacionadas em uma única execução do procedimento.

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Teste de Wilcoxon de uma amostra

O teste dos postos sinalizados de Wilcoxon é um teste estatístico não paramétrico que é usado para testar a localização de uma população com base em dados de amostra ou para comparar os locais de duas populações. O teste dos postos sinalizados de Wilcoxon de uma amostra é uma alternativa não paramétrica ao teste-t de amostra quando os dados não seguem uma distribuição normal. Isso ajuda a determinar se há uma diferença significativa entre a mediana de uma amostra e um valor mediano hipotético. Aqui, a estatística de teste é calculada com base nas posições da diferença entre os valores observados e o valor hipotético.

O teste de postos sinalizados de Wilcoxon de uma amostra assume que a população pai é simétrica sobre a mediana. Como as amostras aleatórias vêm de uma população com uma função de distribuição cumulativa contínua e são simétricas em relação à mediana, sob a hipótese nula, as diferenças entre os valores observados e o valor hipotético são simetricamente distribuídas em torno de zero, de modo que as diferenças positivas e negativas de magnitude absoluta igual têm a mesma probabilidade de ocorrência.

Exemplo

Suponha que uma nova empresa startup esteja interessada em contratar engenheiros de software, mas queira garantir que eles estejam oferecendo salários competitivos. Suponha que eles coletaram dados salariais de uma amostra de 30 engenheiros de software que estão atualmente empregados em várias empresas da mesma indústria. Se a empresa quiser determinar se o salário mediano que eles estão oferecendo para suas contratações potenciais é significativamente diferente do salário mediano de engenheiros de software na indústria, então um posto de sinais de Wilcoxon de amostra pode ser usado para esse propósito. Aqui, assumimos a hipótese nula de que o salário mediano oferecido pela startup não é significativamente diferente do salário mediano na indústria, ou seja, a diferença mediana de salário é zero.

Para executar o teste de Wilcoxon de uma amostra

(Este recurso requer a opção Base de Estatísticas.)

No menu, escolha:

1. **Analisar> Testes Não Paramétricos> Uma Amostra ...**
2. Clique em '**Configurações**'.
3. Em '**Selecionar um Item**', selecione '**Escolher Testes**'
4. Escolha '**Customizar testes**'.
5. Selecione '**Comparar mediana com hipotética (teste de postos sinalizados de Wilcoxon)**'..
6. Insira o valor da '**mediana hipotética**' e clique em '**Executar**'

Para obter mais informações, consulte <https://www.ibm.com/support/pages/can-spss-statistics-produce-one-sample-wilcoxon-test> ..

Testes Não Paramétricos de Amostras Independentes

Testes não paramétricos de amostras independentes identificam diferenças entre dois ou mais grupos usando um ou mais testes não paramétricos. Os testes não paramétricos não presumem que seus dados sigam a distribuição normal.

Qual é o seu objetivo? Os objetivos lhe permitem especificar rapidamente configurações de teste diferentes, mas usadas frequentemente.

- **Comparar automaticamente distribuições ao longo de grupos.** Esse objetivo aplica-se ao teste U de Mann-Whitney para dados com 2 grupos ou ao ANOVA de 1 via de Kruskal-Wallis para dados com grupos k .
- **Comparar medianas ao longo de grupos.** Esse objetivo usa o Teste de mediana para comparar as medianas observadas ao longo de grupos.

- **Análise customizada.** Quando você deseja corrigir manualmente as configurações de teste na guia Configurações, selecione essa opção. Observe que essa configuração será selecionada automaticamente se você subsequentemente fizer mudanças em opções na guia Configurações que forem incompatíveis com o objetivo selecionado atualmente.

Para Obter Testes Não Paramétricos de Amostras Independentes

Nos menus, escolha:

Analisar > Testes Não Paramétricos > Amostras Independentes...

1. Clique em **Executar**.

Como opção, você pode:

- Especificar um objetivo na guia Objetivo.
- Especificar designações de campo na guia Campos.
- Especificar configurações de especialista na guia Configurações.

Guia Campos

A guia Campos especifica quais campos devem ser testados e o campo usado para definir grupos.

Usar funções predefinidas. Essa opção usa informação de campo. Todos os campos contínuos e ordinais com uma função predefinida como Resposta ou Ambos serão usados como campos de teste. Se houver um campo categórico único com uma função predefinida como Entrada, ele será usado como um campo de agrupamento. Caso contrário, nenhum campo de agrupamento será usado por padrão e deve-se usar designações de campo customizado. Pelo menos um campo de teste e um campo de agrupamento são necessários.

Usar designações de campo customizado. Essa opção lhe permite substituir papéis do campo. Após selecionar essa opção, especifique os campos abaixo:

- **Campos de Teste.** Selecione um ou mais campos contínuos ou ordinais.
- **Grupos.** Selecione um campo categórico.

Guia Configurações

A guia Configurações abrange vários grupos diferentes de configurações que é possível modificar para ajustar com precisão como o algoritmo processa os seus dados. Se você fizer qualquer mudança nas configurações padrão que for incompatível com os objetivos selecionados atualmente, a guia Objetivo será atualizada automaticamente para selecionar a opção **Customizar análise**.

Escolher testes

Essas configurações especificam os testes a serem executados nos campos especificados na guia Campos.

Escolher automaticamente os testes com base nos dados. Essa configuração aplica-se ao teste U de Mann-Whitney para dados com 2 grupos ou ao ANOVA de 1 via de Kruskal-Wallis para dados com grupos k .

Customizar testes. Essa configuração permite que você escolha testes específicos a serem executados.

- **Comparar Distribuições ao longo de Grupos.** Isso produz testes de amostras independentes de se as amostras são da mesma população.

Mann-Whitney U (2 amostras) usa o ranqueamento de cada caso para testar se os grupos são desenhados a partir da mesma população. O primeiro valor em ordem crescente do campo de agrupamento define o primeiro grupo e o segundo define o segundo grupo. Se o campo de agrupamento tiver mais de dois valores, esse teste não será produzido.

Kolmogorov-Smirnov (2 amostras) é sensível a qualquer diferença em mediana, dispersão, assimetria e assim por diante, entre as duas distribuições. Se o campo de agrupamento tiver mais de dois valores, esse teste não será produzido.

Sequência de teste para aleatoriedade (Wald-Wolfowitz para 2 amostras) produz um teste de execuções com associação ao grupo como o critério. Se o campo de agrupamento tiver mais de dois valores, esse teste não será produzido.

ANOVA de 1 via de Kruskal-Wallis (amostras k) é uma extensão do teste U de Mann-Whitney e o analógico não paramétrico de análise de variância para um fator. É possível opcionalmente solicitar várias comparações das amostras *k*, todas as várias comparações **entre pares** ou comparações **de redução de stepwise**.

Teste para alternativas ordenadas (Jonckheere-Terpstra para amostras k) é uma alternativa mais eficaz para Kruskal-Wallis quando as amostras *k* têm uma ordem natural. Por exemplo, as populações *k* podem representar *k* aumentando as temperaturas. A hipótese de que as temperaturas diferentes produzem a mesma distribuição de resposta é testada em relação à alternativa que, conforme a temperatura aumenta, a magnitude da resposta aumenta também. Aqui, a hipótese alternativa é ordenada; portanto, Jonckheere-Terpstra é o teste mais apropriado para uso. **Menor para maior** especifica a hipótese alternativa de que o parâmetro de localização do primeiro grupo é menor que ou igual ao segundo, que é menor que ou igual ao terceiro, e assim por diante. **Maior para menor** especifica a hipótese alternativa de que o parâmetro de localização do primeiro grupo é maior que ou igual ao segundo, que é maior que ou igual ao terceiro, e assim por diante. Para ambas as opções, a hipótese alternativa também assume que as localizações não são iguais. É possível opcionalmente solicitar várias comparações das amostras *k*, todas as várias comparações **entre pares** ou comparações **de redução de Stepwise**.

- **Comparar Intervalos ao longo de Grupos.** Isso produz testes de amostras independentes de se as amostras têm o mesmo intervalo. **Reação extrema de Moisés (2 amostras)** testa um grupo de controle versus um grupo de comparação. O primeiro valor em ordem crescente do campo de agrupamento define o grupo de controle e o segundo define o grupo de comparação. Se o campo de agrupamento tiver mais de dois valores, esse teste não será produzido.
- **Comparar Medianas ao longo de Grupos.** Isso produz testes de amostras independentes de se as amostras têm a mesma mediana. **Teste de mediana (amostras k)** podem usar a mediana de amostra agrupada (calculada ao longo de todos os registros no conjunto de dados) ou um valor customizado como a mediana hipotética. É possível opcionalmente solicitar várias comparações das amostras *k*, todas as várias comparações **entre pares** ou comparações **de redução de Stepwise**.
- **Estimar Intervalos de Confiança ao longo de Grupos.** A estimativa de Hodges-Lehman (**2 amostras**) produz uma estimativa de amostras independentes e um intervalo de confiança para a diferença nas medianas de dois grupos. Se o campo de agrupamento tiver mais de dois valores, esse teste não será produzido.

Opções de testes

Nível de Significância. Isso especifica o nível de significância (α) para todos os testes. Especifique um valor numérico entre 0 e 1. 0,05 é o valor padrão.

Intervalo de confiança (%). Isso especifica o nível de confiança para todos os intervalos de confiança produzidos. Especifique um valor numérico entre 0 e 100. 95 é o valor padrão.

Casos Excluídos. Isso especifica como determinar a base de caso para testes. **Excluir casos listwise** significa que registros com valores omissos para qualquer campo que é nomeado em qualquer subcomando são excluídos de todas as análises. **Excluir teste de casos por teste** significa que registros com valores omissos para um campo que é usado para um teste específico são omitidos desse teste. Quando diversos testes são especificados na análise, cada teste é avaliado separadamente.

Valores Omissos de Usuário

Valores Omissos de Usuário para Campos Categóricos. Campos categóricos devem ter valores válidos para um registro a ser incluído na análise. Esses controles permitem que você decida se os valores

omissos de usuário são tratados como válidos entre os campos categóricos. Valores omissos do sistema e valores omissos para campos contínuos são sempre tratados como inválidos.

Recursos adicionais do comando NPTESTS

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Especificar testes de uma amostra, de amostras independentes e de amostras relacionadas em uma única execução do procedimento.

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Testes Não Paramétricos de Amostras Relacionadas

Identifica diferenças entre dois ou mais campos relacionados usando um ou mais testes não paramétricos. Os testes não paramétricos não presumem que seus dados sigam a distribuição normal.

Considerações de Dados. Cada registro corresponde a um determinado assunto para o qual duas ou mais medidas relacionadas estão armazenadas em campos separados no conjunto de dados. Por exemplo, um estudo referente à efetividade de um plano de dieta pode ser analisado usando testes não paramétricos de amostras relacionadas se cada ponderação do assunto for medida em intervalos regulares e armazenada em campos como *Peso pré-dieta*, *Peso intermediário* e *Peso pós-dieta*. Esses campos são "relacionados".

Qual é o seu objetivo? Os objetivos lhe permitem especificar rapidamente configurações de teste diferentes, mas usadas frequentemente.

- **Comparar automaticamente dados observados com dados hipotéticos.** Esse objetivo aplica Teste de McNemar em dados categóricos quando 2 campos são especificados, Q de Cochran em dados categóricos quando mais de 2 campos são especificados, o teste dos Postos Sinalizados de Pares Comparados de Wilcoxon para dados contínuos quando 2 campos são especificados e o ANOVA de 2 Vias de Friedman por Postos para dados contínuos quando mais de 2 campos são especificados.
- **Análise customizada.** Quando você deseja corrigir manualmente as configurações de teste na guia Configurações, selecione essa opção. Observe que essa configuração será selecionada automaticamente se você subsequentemente fizer mudanças em opções na guia Configurações que forem incompatíveis com o objetivo selecionado atualmente.

Quando campos de nível de medição diferente são especificados, eles são primeiro separados por nível de medição e, em seguida, o teste apropriado é aplicado a cada grupo. Por exemplo, se você escolher **Comparar automaticamente dados observados com dados hipotéticos** com o seu objetivo e especificar 3 campos contínuos e 2 campos nominais, então o teste de Friedman é aplicado nos campos contínuos e o teste de McNemar é aplicado nos campos nominais.

Para Obter Testes Não Paramétricos de Amostras Relacionadas

Nos menus, escolha:

Analisar > Testes Não Paramétricos > Amostras Relacionadas...

1. Clique em **Executar**.

Como opção, você pode:

- Especificar um objetivo na guia Objetivo.
- Especificar designações de campo na guia Campos.
- Especificar configurações de especialista na guia Configurações.

Guia Campos

A guia Campos especifica quais campos devem ser testados.

Usar funções predefinidas. Essa opção usa informação de campo. Todos os campos com uma função predefinida como Resposta ou Ambos serão usados como campos de teste. Pelo menos dois campos de teste são necessários.

Usar designações de campo customizado. Essa opção lhe permite substituir papéis do campo. Após selecionar essa opção, especifique os campos abaixo:

- **Campos de Teste.** Selecionar dois ou mais campos. Cada campo corresponde a uma amostra relacionada separada.

Guia Configurações

A guia Configurações abrange vários grupos diferentes de configurações que é possível modificar para ajustar com precisão como o procedimento processa os seus dados. Se você fizer qualquer mudança nas configurações padrão que for incompatível com os outros objetivos, a guia Objetivo será atualizada automaticamente para selecionar a opção **Customizar análise**.

Escolher Testes

Essas configurações especificam os testes a serem executados nos campos especificados na guia Campos.

Escolher automaticamente os testes com base nos dados. Essa configuração aplica Teste de McNemar em dados categóricos quando 2 campos são especificados, Q de Cochran em dados categóricos quando mais de 2 campos são especificados, o teste dos Postos Sinalizados de Pares Comparados de Wilcoxon para dados contínuos quando 2 campos são especificados e o ANOVA de 2 Vias de Friedman por Postos para dados contínuos quando mais de 2 campos são especificados.

Customizar testes. Essa configuração permite que você escolha testes específicos a serem executados.

- **Teste para mudança em dados binários. O teste de McNemar (2 amostras)** pode ser aplicado a campos categóricos. Isso produz um teste de amostras relacionadas de se combinações de valores entre dois campos de sinalização (campos categóricos com apenas dois valores) são igualmente prováveis. Se houver mais do que dois campos especificados na guia Campos, esse teste não será realizado. Consulte [“Teste de McNemar: Definir sucesso” na página 229](#) para obter detalhes sobre as configurações de teste. **Q de Cochran (amostras k)** pode ser aplicado em campos categóricos. Isso produz um teste de amostras relacionadas de se combinações de valores entre campos de sinalização k (campos categóricos com apenas dois valores) são igualmente prováveis. É possível opcionalmente solicitar várias comparações das amostras k , todas as várias comparações **entre pares** ou comparações **de redução de stepwise**. Consulte [“Q de Cochran: Definir sucesso” na página 229](#) para obter detalhes sobre as configurações de teste.
- **Teste para Mudanças em Dados Multinomiais. O teste de homogeneidade marginal (2 amostras)** produz um teste de amostras relacionadas para verificar se as combinações de valores entre dois campos ordinais emparelhados são igualmente prováveis. O teste de homogeneidade marginal é normalmente usado em situações de medida repetida. Esse teste é uma extensão do teste de McNemar a partir da resposta binária até a resposta multinomial. Se houver mais do que dois campos especificados na guia Campos, esse teste não será realizado.
- **Comparar Diferença de Mediana com Hipotética.** Cada um desses testes produz um teste de amostras relacionadas para saber se a diferença mediana entre dois é diferente de 0. O teste aplica-se a campos contínuos e ordinais. Se houver mais do que dois campos especificados na guia Campos, esses testes não serão realizados.
- **Estimar Intervalos de Confiança.** Isso produz uma estimativa de amostras relacionadas e um intervalo de confiança para a diferença de mediana entre dois campos emparelhados. O teste aplica-se a campos contínuos e ordinais. Se houver mais do que dois campos especificados na guia Campos, esse teste não será realizado.
- **Quantificar Associações. O coeficiente de concordância de Kendall (amostras k)** produz uma medida de concordância entre juízes ou avaliadores, em que cada registro é a classificação de diversos itens de um juiz (campos). É possível opcionalmente solicitar várias comparações das amostras k , todas as várias comparações **entre pares** ou comparações **de redução de Stepwise**.

- **Comparar distribuições. A ANOVA de 2 vias de Friedman por ranks (amostras k)** produz um teste de amostras relacionadas para saber se amostras k relacionadas foram extraídas da mesma população. É possível opcionalmente solicitar várias comparações das amostras k , todas as várias comparações **entre pares** ou comparações **de redução de Stepwise**.

Teste de McNemar: Definir sucesso

O teste de McNemar destina-se a campos de sinalização (campos categóricos com apenas duas categorias), mas é aplicado a todos os campos categóricos usando regras para definir "sucesso".

Definir Sucesso para Campos Categóricos. Isso especifica como "sucesso" é definido para campos categóricos.

- **Usar a primeira categoria localizada em dados** executa o teste usando o primeiro valor localizado na amostra para definir "sucesso". Essa opção é aplicável somente em campos nominais ou ordinais com apenas dois valores; todos os outros campos categóricos especificados na guia Campos em que essa opção é usada não serão testados. Esse é o padrão.
- **Especificar valores de sucesso** executa o teste usando a lista especificada de valores para definir "sucesso". Especifique uma lista de sequências de caracteres ou de valores numéricos. Os valores na lista não precisam estar presentes na amostra.

Q de Cochran: Definir sucesso

O teste Q de Cochran destina-se a campos de sinalização (campos categóricos com apenas duas categorias), mas é aplicado a todos os campos categóricos usando regras para definir "sucesso".

Definir Sucesso para Campos Categóricos. Isso especifica como "sucesso" é definido para campos categóricos.

- **Usar a primeira categoria localizada em dados** executa o teste usando o primeiro valor localizado na amostra para definir "sucesso". Essa opção é aplicável somente em campos nominais ou ordinais com apenas dois valores; todos os outros campos categóricos especificados na guia Campos em que essa opção é usada não serão testados. Esse é o padrão.
- **Especificar valores de sucesso** executa o teste usando a lista especificada de valores para definir "sucesso". Especifique uma lista de sequências de caracteres ou de valores numéricos. Os valores na lista não precisam estar presentes na amostra.

Opções de testes

Nível de Significância. Isso especifica o nível de significância (α) para todos os testes. Especifique um valor numérico entre 0 e 1. 0,05 é o valor padrão.

Intervalo de confiança (%). Isso especifica o nível de confiança para todos os intervalos de confiança produzidos. Especifique um valor numérico entre 0 e 100. 95 é o valor padrão.

Casos Excluídos. Isso especifica como determinar a base de caso para testes.

- **Excluir casos listwise** significa que registros com valores omissos para qualquer campo que é nomeado em qualquer subcomando são excluídos de todas as análises.
- **Excluir teste de casos por teste** significa que registros com valores omissos para um campo que é usado para um teste específico são omitidos desse teste. Quando diversos testes são especificados na análise, cada teste é avaliado separadamente.

Valores Omissos de Usuário

Valores Omissos de Usuário para Campos Categóricos. Campos categóricos devem ter valores válidos para um registro a ser incluído na análise. Esses controles permitem que você decida se os valores omissos de usuário são tratados como válidos entre os campos categóricos. Valores omissos do sistema e valores omissos para campos contínuos são sempre tratados como inválidos.

Recursos adicionais do comando NPTESTS

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Especificar testes de uma amostra, de amostras independentes e de amostras relacionadas em uma única execução do procedimento.

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Recursos adicionais do comando NPTESTS

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Especificar testes de uma amostra, de amostras independentes e de amostras relacionadas em uma única execução do procedimento.

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Diálogos Legado

Há uma série de diálogos "anteriores" que também executam testes não paramétricos. Esses diálogos suportam a funcionalidade fornecida pela opção de Testes Exatos.

Teste Qui-Quadrado. Tabula uma variável em categorias e calcula uma estatística qui-quadrado baseada nas diferenças entre frequências observadas e esperadas.

Teste Binomial. Compara a frequência observada em cada categoria de uma variável dicotômica com frequências esperadas a partir da distribuição binomial.

Teste de Execuções. Testa se a ordem de ocorrência de dois valores de uma variável é aleatória.

Teste de Kolmogorov-Smirnov de Uma Amostra. Compara a função de distribuição acumulativa observada para uma variável com uma distribuição teórica especificada, que pode ser normal, uniforme, exponencial ou de Poisson.

Testes de Duas Amostras Independentes. Compara dois grupos de casos em uma variável. O teste *U* de Mann-Whitney, o teste de Kolmogorov-Smirnov de duas amostras, o teste de Moisés de reações extremas e o teste de sequências de Wald-Wolfowitz estão disponíveis.

Testes de Duas Amostras Relacionadas. Compara as distribuições de duas variáveis. O teste dos postos sinalizados de Wilcoxon, o teste de sinal e o teste de McNemar estão disponíveis.

Testes para Várias Amostras Independentes. Compara dois ou mais grupos de casos em uma variável. O teste de Kruskal-Wallis, o teste de Mediana e o teste de Jonckheere-Terpstra estão disponíveis.

Testes para Várias Amostras Relacionadas. Compara as distribuições de duas ou mais variáveis. O teste de Friedman, *W* de Kendall e *Q* de Cochran estão disponíveis.

Quartis e a média, desvio padrão, mínimo, máximo e número de casos não omissos estão disponíveis para todos os testes acima.

Teste qui-quadrado

O procedimento Teste Qui-Quadrado tabula uma variável em categorias e calcula uma estatística qui-quadrado. Este teste de Qualidade de ajuste compara as frequências observadas e esperadas em cada categoria para confirmar que todas as categorias contêm a mesma proporção de valores ou confirmar que cada categoria contém uma proporção de valores especificada pelo usuário.

Exemplos. O teste qui-quadrado pode ser utilizado para determinar se um pacote de balas contém proporções iguais de balas azuis, marrons, verdes, laranjas, vermelhas e amarelas. Também é possível testar se um saco de balas contém 5% de balas azuis, 30% de marrons, 10% de verdes, 20% de laranjas, 15% de vermelhas e 15% de amarelas.

Estatísticas. Média, desvio padrão, mínimo, máximo, e quartis. O número e a porcentagem de casos não omissos e omissos, o número de casos observados e esperados para cada categoria, resíduos e estatística qui-quadrado.

Considerações de Dados de Teste Qui-Quadrado

Dados. Utilize variáveis categóricas numéricas ordenadas ou não ordenadas (níveis de medição ordinais ou nominais). Para converter variáveis de sequência de caracteres em variáveis numéricas, utilize o procedimento Recodificação Automática, que está disponível no menu Transformação.

Suposições. Testes não paramétricos não requerem suposições sobre a forma da distribuição subjacente. Os dados são considerados como uma amostra aleatória. As frequências esperadas para cada categoria devem ser de pelo menos 1. Não mais de 20% das categorias devem ter frequências esperadas inferiores a 5.

Para Obter um Teste Qui-Quadrado

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Testes Não Paramétricos > Diálogos Anteriores > Qui-Quadrado...

2. Selecione uma ou mais variáveis de teste. Cada variável produz um teste separado.

3. Opcionalmente, clique em **Opções** para estatísticas descritivas, quartis e controle do tratamento de dados omissos.

Intervalo e Valores Esperados de Teste Qui-Quadrado

Intervalo Esperado. Por padrão, cada valor distinto da variável é definido como uma categoria. Para estabelecer categorias dentro de um intervalo específico, selecione **Usar intervalo especificado** e insira valores de número inteiro para limites inferior e superior. Categorias são estabelecidas para cada valor de número inteiro dentro do intervalo inclusivo, e os casos com valores fora dos limites são excluídos. Por exemplo, se especificar um valor de 1 para Inferior e um valor de 4 para Superior, apenas os valores de número inteiro de 1 a 4 serão utilizados para o teste qui-quadrado.

Valores Esperados. Por padrão, todas as categorias possuem valores iguais esperados. As categorias podem ter proporções esperadas especificadas pelo usuário. Selecione **Valores**, insira um valor que seja maior que 0 para cada categoria da variável de teste e, em seguida, clique em **Incluir**. Sempre que um valor é incluído, ele aparece no final da lista de valores. A ordem dos valores é importante porque ela corresponde à ordem crescente dos valores da categoria da variável de teste. O primeiro valor na lista corresponde ao menor valor do grupo da variável de teste, e o último valor corresponde ao valor mais alto. Os elementos da lista de valores são somados e, em seguida, cada valor é dividido por esta soma para calcular a proporção de casos esperados na categoria correspondente. Por exemplo, uma lista de valores de 3, 4, 5, 4 especifica proporções esperadas de 3/16, 4/16, 5/16, e 4/16.

Opções de Teste Qui-Quadrado

Estatísticas. É possível escolher uma ou ambas as estatísticas básicas.

- **Descritivo.** Exibe a média, o desvio padrão, o mínimo, o máximo e o número de casos não desconhecidos.
- **Quartis.** Exibe os valores correspondentes aos 25°, 50° e 75° percentis.

Valores omissos. Controla o tratamento de valores omissos.

- **Excluir casos de teste por teste.** Quando vários testes são especificados, cada teste é avaliado separadamente para valores omissos.
- **Excluir listwise dos casos.** Casos com valores omissos para qualquer variável são excluídos de todas as análises.

Recursos Adicionais do Comando NPAR TESTS (Teste Qui-Quadrado)

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Especificar valores mínimo e máximo ou frequências esperadas diferentes para variáveis diferentes (com o subcomando CHISQUARE).
- Testar a mesma variável em diferentes frequências esperadas ou utilizar intervalos diferentes (com o subcomando EXPECTED).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Teste binomial

O procedimento de Teste Binomial compara as frequências observadas das duas categorias de uma variável dicotômica com as frequências que são esperadas em uma distribuição binomial com um parâmetro de probabilidade especificado. Por padrão, o parâmetro de probabilidade para ambos os grupos é 0,5. Para alterar as probabilidades, é possível inserir uma proporção de teste para o primeiro grupo. A probabilidade para o segundo grupo será 1 menos a probabilidade especificada para o primeiro grupo.

Exemplo. Quando você joga uma moeda, a probabilidade de cara igual a 1/2. Com base nesta hipótese, uma moeda é lançada 40 vezes, e os resultados são registrados (cara ou coroa). No teste Binomial, talvez você ache que 3/4 dos lançamentos eram caras e que o nível de significância observado é pequeno (0,0027). Esses resultados indicam que não é provável que a probabilidade de cara seja de 1/2; a moeda provavelmente é tendenciosa.

Estatísticas. Média, desvio padrão, mínimo, máximo, número de casos não desconhecidos e quartis.

Considerações de Dados de Teste Binomial

Dados. As variáveis que são testadas devem ser numéricas e dicotômicas. Para converter variáveis de sequência de caracteres em variáveis numéricas, utilize o procedimento Recodificação Automática, que está disponível no menu Transformação. Uma **variável dicotômica** é uma variável que pode ter apenas dois valores possíveis: *sim* ou *não*, *true* ou *false*, 0 ou 1, e assim por diante. O primeiro valor encontrado no conjunto de dados define o primeiro grupo, e o outro valor define o segundo grupo. Se as variáveis não forem dicotômicas, deve-se especificar um ponto de corte. O ponto de corte designa casos com valores que forem menores ou iguais ao ponto de corte para o primeiro grupo e designa o restante dos casos para o segundo grupo.

Suposições. Testes não paramétricos não requerem suposições sobre a forma da distribuição subjacente. Os dados são considerados como uma amostra aleatória.

Para Obter um Teste Binomial

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Testes Não Paramétricos > Diálogos Anteriores > Binomial...

2. Selecione uma ou mais variáveis de teste numéricas.

3. Opcionalmente, clique em **Opções** para estatísticas descritivas, quartis e controle do tratamento de dados omissos.

Opções de Teste Binomial

Estatísticas. É possível escolher uma ou ambas as estatísticas básicas.

- **Descritivo.** Exibe a média, o desvio padrão, o mínimo, o máximo e o número de casos não desconhecidos.
- **Quartis.** Exibe os valores correspondentes aos 25°, 50° e 75° percentis.

Valores omissos. Controla o tratamento de valores omissos.

- **Excluir casos de teste por teste.** Quando vários testes são especificados, cada teste é avaliado separadamente para valores omissos.
- **Excluir listwise dos casos.** Casos com valores omissos para qualquer variável que é testada são excluídos de todas as análises.

Recursos Adicionais do Comando NPAR TESTS (Teste Binomial)

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Selecionar grupos específicos (e excluir outros grupos) quando uma variável tiver mais de duas categorias (com o subcomando BINOMIAL).

- Especificar diferentes pontos de corte ou probabilidades para variáveis diferentes (com o subcomando BINOMIAL).
- Testar a mesma variável em diferentes pontos de corte ou probabilidades (com o subcomando EXPECTED).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Teste de execuções

O procedimento Teste de Execuções testa se a ordem de ocorrência de dois valores de uma variável é aleatória. Uma execução é uma sequência de observações semelhantes. Uma amostra com muitas ou poucas execuções sugere que a amostra não é aleatória.

Exemplos. Suponha que 20 pessoas sejam reunidas para descobrir se elas comprariam um produto. A aleatoriedade suposta da amostra seria questionada seriamente se todas as 20 pessoas fossem do mesmo sexo. O teste de execuções pode ser utilizado para determinar se a amostra foi tirada aleatoriamente.

Estatísticas. Média, desvio padrão, mínimo, máximo, número de casos não desconhecidos e quartis.

Considerações de Dados de Teste de Execuções

Dados. As variáveis devem ser numéricas. Para converter variáveis de sequência de caracteres em variáveis numéricas, utilize o procedimento Recodificação Automática, que está disponível no menu Transformação.

Suposições. Testes não paramétricos não requerem suposições sobre a forma da distribuição subjacente. Use amostras de distribuições de probabilidade contínuas.

Para Obter um Teste de Execuções

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Testes Não Paramétricos > Diálogos Anteriores > Execuções...

2. Selecione uma ou mais variáveis de teste numéricas.
3. Opcionalmente, clique em **Opções** para estatísticas descritivas, quartis e controle do tratamento de dados omissos.

Ponto de Corte de Teste de Execuções

Ponto de corte. Especifica um ponto de corte para dicotomizar as variáveis que você escolheu. É possível utilizar a média, a mediana ou o modo observado ou utilizar um valor especificado como um ponto de corte. Casos com valores menores que o ponto de corte são designados a um grupo, e os casos com valores maiores que ou iguais ao ponto de corte são designados para outro grupo. Um teste é executado para cada ponto de corte escolhido.

Opções de Teste de Execuções

Estatísticas. É possível escolher uma ou ambas as estatísticas básicas.

- **Descritivo.** Exibe a média, o desvio padrão, o mínimo, o máximo e o número de casos não desconhecidos.
- **Quartis.** Exibe os valores correspondentes aos 25°, 50° e 75° percentis.

Valores omissos. Controla o tratamento de valores omissos.

- **Excluir casos de teste por teste.** Quando vários testes são especificados, cada teste é avaliado separadamente para valores omissos.
- **Excluir listwise dos casos.** Casos com valores omissos para qualquer variável são excluídos de todas as análises.

Recursos Adicionais do Comando NPAR TESTS (Teste de Execuções)

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Especificar diferentes pontos de corte para variáveis diferentes (com o subcomando RUNS).
- Testar a mesma variável em diferentes pontos de corte customizados (com o subcomando RUNS).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Teste de Kolmogorov-Smirnov de uma amostra

O procedimento Teste de Kolmogorov-Smirnov de Uma Amostra compara a função de distribuição cumulativa observada de uma variável com uma distribuição teórica especificada, que pode ser normal, uniforme, Poisson ou exponencial. O Z de Kolmogorov-Smirnov é calculado a partir da diferença maior (em valor absoluto) entre as funções de distribuição cumulativa observadas e teóricas. Esse teste de Qualidade do ajuste testa se as observações podem razoavelmente ter vindo da distribuição especificada.

A partir da versão 27.0, a estatística do teste de Lilliefors pode ser usada para estimar o valor p usando a amostragem de Monte Carlo para teste em uma distribuição normal com parâmetros estimados (esta funcionalidade era possível anteriormente apenas por meio do procedimento de Exploração).

Exemplo:

Muitos testes paramétricos requerem variáveis normalmente distribuídas. O teste de Kolmogorov-Smirnov de uma amostra pode ser utilizado para testar se uma variável (por exemplo, *income*) é normalmente distribuída.

Estatísticas

Média, desvio padrão, mínimo, máximo, número de casos não omissos, quartis, teste de Lilliefors e simulação de Monte Carlo.

Considerações sobre dados de teste de Kolmogorov-Smirnov de uma amostra

Dados

Utilize variáveis quantitativas (nível de medição de intervalo ou razão).

Suposições

O teste de Kolmogorov-Smirnov supõe que os parâmetros da distribuição de teste são especificados antecipadamente. Este procedimento estima os parâmetros a partir da amostra. A média da amostra e o desvio padrão de amostra são os parâmetros para uma distribuição normal, os valores mínimo e máximo da amostra definem o intervalo da distribuição uniforme, a média da amostra é o parâmetro para a distribuição de Poisson, e a média da amostra é o parâmetro para a distribuição exponencial. O poder do teste para detectar partidas da distribuição hipotética pode ser seriamente prejudicado.

Quando alguns parâmetros da distribuição tiverem que ser estimados a partir da amostra, o teste de Kolmogorov-Smirnov não será mais aplicável. Nestas situações, a estatística do teste de Lilliefors pode ser usada para estimar o valor p usando a amostragem de Monte Carlo para normalidade de teste com uma média e variância desconhecidas. O teste de Lilliefors se aplica às três distribuições contínuas (**Normal**, **Exponencial** e **Uniforme**). Observe que o teste não se aplicará se a distribuição subjacente for discreta (**Poisson**). O teste será definido somente para inferência de uma amostra quando os parâmetros de distribuição correspondentes não forem especificados.

Obtendo um teste de Kolmogorov-Smirnov de uma amostra

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Testes Não Paramétricos > Diálogos Anteriores > K-S de 1 Amostra...

2. Selecione uma ou mais variáveis de teste numéricas. Cada variável produz um teste separado.
3. Opcionalmente, selecione um método de distribuição de teste:

Normal

Quando selecionada, é possível especificar se os parâmetros de distribuição serão estimados a partir de dados de amostra (a configuração padrão) ou de configurações customizadas. Quando

Usar dados de amostra for selecionado, os resultados assintóticos existentes e a correção de significância de Lilliefors baseados na amostragem de Monte Carlo serão usados. Quando **Customizado** for selecionado, forneça valores para **Média** e **Desvio padrão**.

Uniforme

Quando selecionada, é possível especificar se os parâmetros de distribuição serão estimados a partir de dados de amostra (a configuração padrão) ou de configurações customizadas. Quando **Usar dados de amostra** for selecionado, o teste de Lilliefors será usado. Quando **Customizado** for selecionado, forneça valores para **Mín.** e **Máx.**

Poisson

Quando selecionada, especifique um valor de parâmetro de **Média**.

Exponencial

Quando selecionada, é possível especificar se os parâmetros de distribuição serão estimados a partir da média de amostra (a configuração padrão) ou de configurações customizadas. Quando **Usar dados de amostra** for selecionado, o teste de Lilliefors será usado. Quando **Customizado** for selecionado, forneça um valor de parâmetro de **Média**.

4. Opcionalmente, clique em **Simulação** para especificar parâmetros de simulação de Monte Carlo, clique em **Exato** para especificar parâmetros de teste exatos ou clique em **Opções** para estatísticas descritivas, quartis e controle do tratamento de dados omissos.

Teste de Kolmogorov-Smirnov de uma amostra: Simulação

Quando alguns parâmetros da distribuição tiverem que ser estimados a partir da amostra, o teste de Kolmogorov-Smirnov não será mais aplicável. Nestas situações, a estatística do teste de Lilliefors pode ser usada para estimar o valor p usando a amostragem de Monte Carlo para normalidade de teste com uma média e variância desconhecidas. O teste de Lilliefors se aplica às três distribuições contínuas (**Normal**, **Exponencial** e **Uniforme**). Observe que o teste não se aplicará se a distribuição subjacente for discreta (**Poisson**). O teste será definido somente para inferência de uma amostra quando os parâmetros de distribuição correspondentes não forem especificados.

Parâmetros de simulação de Monte Carlo

Nível de confiança

Esta configuração opcional reconfigura o nível de intervalo de confiança que é estimado pelo teste de Kolmogorov-Smirnov ao usar as simulações de Monte Carlo. O valor deve estar entre 0 e 100. A configuração padrão é 99.

Número de amostras

Esta configuração opcional reconfigura o número de réplicas usadas pelo teste de Lilliefors para a amostragem de Monte Carlo. O valor deve ser um número inteiro único entre 10000 e o maior número de valores de amostras. O valor padrão é 10000.

Suprimir os resultados de Monte Carlo para a distribuição normal

Esta configuração opcional suprime a amostragem de Monte Carlo para os resultados de distribuição normal. Por padrão, a configuração não é selecionada (o que significa que os resultados assintóticos existentes e os resultados de teste de Lilliefors, que são baseados na amostragem de Monte Carlo, são apresentados).

Teste de Kolmogorov-Smirnov de uma amostra: Opções

Estatísticas

É possível escolher uma ou ambas as estatísticas básicas.

Descritivo

Exibe a média, o desvio padrão, o mínimo, o máximo e o número de casos não desconhecidos.

Quartis

Exibe os valores correspondentes aos 25°, 50° e 75° percentis.

Valores omissos

Controla o tratamento de valores omissos.

Excluir casos por teste

Quando vários testes são especificados, cada teste é avaliado separadamente para valores omissos.

Excluir casos pelo método listwise

Casos com valores omissos para qualquer variável são excluídos de todas as análises.

Recursos Adicionais do Comando NPAR TESTS (Teste de Kolmogorov-Smirnov de Uma Amostra)

A linguagem de sintaxe de comando também permite especificar os parâmetros da distribuição de teste (com o subcomando K-S).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Dois testes de amostras independentes

O procedimento Testes de Duas Amostras Independentes compara dois grupos de casos em uma variável.

Exemplo. Novos aparelhos dentários foram desenvolvidos para que sejam mais confortáveis, tenham uma melhor aparência e forneçam progresso mais rápido no realinhamento dos dentes. Para descobrir se os novos aparelhos foram usados tanto quanto os aparelhos antigos, 10 crianças foram escolhidas aleatoriamente para usar aparelhos antigos, e outras 10 crianças foram escolhidas para usar aparelhos novos. No teste *U* de Mann-Whitney, você pode descobrir que, em média, as crianças com os novos aparelhos não precisaram utilizá-los tanto quanto os aparelhos antigos.

Estatísticas. Média, desvio padrão, mínimo, máximo, número de casos não desconhecidos e quartis. Testes: *U* de Mann-Whitney, reações extremas de Moses, *Z* de Kolmogorov-Smirnov, execuções de Wald-Wolfowitz.

Considerações de Dados de Testes de Duas Amostras Independentes

Dados. Utilize variáveis numéricas que possam ser ordenadas.

Suposições. Utilize amostras aleatórias independentes. O teste *U* de Mann-Whitney testa a igualdade de duas distribuições. Para que isso seja usado para testar as diferenças na localização entre duas distribuições, alguém deve supor que as distribuições têm a mesma forma.

Para Obter Testes de Duas Amostras Independentes

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Testes Não Paramétricos > Diálogos Anteriores > 2 Amostras Independentes ...

2. Selecione uma ou mais variáveis numéricas.

3. Selecione uma variável de agrupamento e clique em **Definir Grupos** para dividir o arquivo em dois grupos ou amostras.

Tipos de teste Duas amostras independentes

Tipo de teste. Quatro testes estão disponíveis para testar se duas amostras independentes (grupos) vêm da mesma população.

O teste **U de Mann-Whitney** é o mais popular dos testes de duas amostras independentes. Ele é equivalente ao teste de soma de ranqueamento Wilcoxon e ao teste de Kruskal-Wallis para dois grupos. O Mann-Whitney testa que duas populações amostradas são equivalentes em localização. As observações de ambos os grupos são combinadas e classificadas, com o ranqueamento médio designado no caso de empates. O número de empates deve ser pequeno em relação ao número total de observações. Se as populações são idênticas em localização, as classificações devem ser aleatoriamente combinadas entre as duas amostras. O teste calcula o número de vezes que uma pontuação do grupo 1 precede uma pontuação do grupo 2 e o número de vezes que uma pontuação do grupo 2 precede uma pontuação do grupo 1. A estatística *U* de Mann-Whitney é o menor desses dois números. A estatística *W* da soma de ranqueamento do Wilcoxon também é exibida. *W* é a soma das classificações do grupo com

a classificação média menor, a menos que os grupos tenham a mesma classificação média; nesse caso, é a soma da classificação do grupo que é nomeado por último na caixa de diálogo Definir Grupos de Duas Amostras Independentes.

O **teste Z de Kolmogorov-Smirnov** e o **teste de sequências de Wald-Wolfowitz** são testes mais gerais que detectam diferenças em ambas as localizações e formas das distribuições. O teste de Kolmogorov-Smirnov baseia-se na diferença absoluta máxima entre as funções de distribuição acumulativas observadas para ambas as amostras. Quando essa diferença é significativamente grande, as duas distribuições são consideradas diferentes. O teste de sequências de Wald-Wolfowitz combina e classifica as observações de ambos os grupos. Se as duas amostras forem da mesma população, os dois grupos devem ser espalhados aleatoriamente ao longo do ranking.

O **teste de reações extremas de Moses** assume que a variável experimental afetará alguns assuntos em uma direção e outros assuntos na direção oposta. Os testes testam para obter respostas extremas em comparação a um grupo de controle. Este teste foca no span do grupo de controle e é uma medida do quanto os valores extremos no grupo experimental influenciam o span quando combinados com o grupo de controle. O grupo de controle é definido pelo valor do grupo 1 na caixa de diálogo Grupos de definição de duas amostras independentes. Observações de ambos os grupos são combinadas e classificadas. O intervalo do grupo de controle é calculado como a diferença entre as classificações dos maiores e menores valores no grupo de controle mais 1. Como os outliers aleatórios podem distorcer facilmente o alcance do span, 5% dos casos de controle são cortados automaticamente de cada extremidade.

Definir Grupos para Testes de Duas Amostras Independentes

Para dividir o arquivo em dois grupos ou amostras, insira um valor de número inteiro para o Grupo 1 e outro valor para o Grupo 2. Casos com outros valores são excluídos da análise.

Opções de Testes de Duas Amostras Independentes

Estatísticas. É possível escolher uma ou ambas as estatísticas básicas.

- **Descritivo.** Exibe a média, o desvio padrão, o mínimo, o máximo e o número de casos não desconhecidos.
- **Quartis.** Exibe os valores correspondentes aos 25°, 50° e 75° percentis.

Valores omissos. Controla o tratamento de valores omissos.

- **Excluir casos de teste por teste.** Quando vários testes são especificados, cada teste é avaliado separadamente para valores omissos.
- **Excluir listwise dos casos.** Casos com valores omissos para qualquer variável são excluídos de todas as análises.

Recursos Adicionais do Comando NPAR TESTS (Testes de Duas Amostras Independentes)

A linguagem de sintaxe de comando também permite especificar o número de casos a serem aparados para o teste de Moses (com o subcomando MOSES).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Testes de duas amostras relacionadas

O procedimento Testes de Duas Amostras Relacionadas compara as distribuições de duas variáveis.

Exemplo. Em geral, as famílias recebem o preço que pediram quando elas vendem suas casas? Ao aplicar o teste de postos sinalizados de Wilcoxon para dados de 10 residências, você poderá saber que sete famílias recebem menos do que o preço pedido, uma família recebe mais do que o preço pedido, e duas famílias recebem o preço pedido.

Estatísticas. Média, desvio padrão, mínimo, máximo, número de casos não desconhecidos e quartis. Testes: postos sinalizados de Wilcoxon, assinar, McNemar. Se a opção Testes Exatos estiver instalada

(disponível apenas em sistemas operacionais Windows), o teste de homogeneidade marginal também está disponível.

Considerações de Dados de Testes de Duas Amostras Relacionadas

Dados. Utilize variáveis numéricas que possam ser ordenadas.

Suposições. Embora nenhuma distribuição específica seja assumida para as duas variáveis, a distribuição da população das diferenças pairwise é assumida como simétrica.

Para Obter Testes de Duas Amostras Relacionadas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Testes Não Paramétricos > Diálogos Anteriores > 2 Amostras Relacionadas ...

2. Selecione um ou mais pares de variáveis.

Tipos de teste de duas amostras relacionadas

Os testes desta seção comparam as distribuições de duas variáveis relacionadas. O teste apropriado para uso depende do tipo de dados.

Se seus dados são contínuos, use o teste de sinal ou o teste dos postos sinalizados de Wilcoxon. O **teste de sinal** calcula as diferenças entre as duas variáveis para todos os casos e classifica as diferenças como positivas, negativas ou empatadas. Se as duas variáveis forem igualmente distribuídas, o número de diferenças positivas e negativas não diferirá significativamente. O **teste dos postos sinalizados de Wilcoxon** considera informações sobre o sinal das diferenças e a magnitude das diferenças entre os pares. Como o teste dos postos sinalizados de Wilcoxon incorpora mais informações sobre os dados, ele é mais poderoso que o teste de sinal.

Se seus dados são binários, use o **teste de McNemar**. Este teste é normalmente usado em uma situação de medidas repetidas, em que cada resposta do assunto é provocada duas vezes, uma vez antes e uma vez após um evento especificado ocorrer. O teste de McNemar determina se a taxa de resposta inicial (antes do evento) é igual à taxa de resposta final (após o evento). Este teste é útil para detectar mudanças nas respostas devido à intervenção experimental em designs de antes e depois.

Se seus dados são categóricos, use o **teste de homogeneidade marginal**. Esse teste é uma extensão do teste de McNemar a partir da resposta binária até a resposta multinomial. Ele testa para obter mudanças nas respostas (usando a distribuição qui-quadrado) e é útil para detectar mudanças de resposta devido à intervenção experimental em designs de antes e depois. O teste de homogeneidade marginal está disponível apenas se você tiver instalado Testes Exatos.

Opções de Testes de Duas Amostras Relacionadas

Estatísticas. É possível escolher uma ou ambas as estatísticas básicas.

- **Descritivo.** Exibe a média, o desvio padrão, o mínimo, o máximo e o número de casos não desconhecidos.
- **Quartis.** Exibe os valores correspondentes aos 25°, 50° e 75° percentis.

Valores omissos. Controla o tratamento de valores omissos.

- **Excluir casos de teste por teste.** Quando vários testes são especificados, cada teste é avaliado separadamente para valores omissos.
- **Excluir listwise dos casos.** Casos com valores omissos para qualquer variável são excluídos de todas as análises.

Recursos Adicionais do Comando NPAR TESTS (Teste Qui-Quadrado)

A linguagem de sintaxe de comando também permite testar uma variável com cada variável em uma lista. Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Testes para diversas amostras independentes

O procedimento Testes para Várias Amostras Independentes compara dois ou mais grupos de casos em uma variável.

Exemplo. Três marcas de lâmpadas de 100 watts diferem no tempo médio de vida em que elas irão queimar? Na análise de variância para um fator de Kruskal-Wallis, você pode ver que as três marcas diferem no tempo médio de vida.

Estatísticas. Média, desvio padrão, mínimo, máximo, número de casos não desconhecidos e quartis. Testes: H de Kruskal-Wallis, mediana.

Considerações de Dados de Testes para Várias Amostras Independentes

Dados. Utilize variáveis numéricas que possam ser ordenadas.

Suposições. Utilize amostras aleatórias independentes. O teste H de Kruskal-Wallis requer que as amostras testadas sejam semelhantes na forma.

Para Obter Testes para Várias Amostras Independentes

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Testes Não Paramétricos > Diálogos Anteriores > K Amostras Independentes ...

2. Selecione uma ou mais variáveis numéricas.

3. Selecione uma variável de agrupamento e clique em **Definir Intervalo** para especificar valores de número inteiro mínimo e máximo para a variável de agrupamento.

Testes para vários tipos de teste de amostras independentes

Três testes estão disponíveis para determinar se várias amostras independentes vêm da mesma população. O teste H de Kruskal-Wallis, o teste de mediana e o Jonckheere-Terpstra, testam se as várias amostras independentes são da mesma população.

O **teste H de Kruskal-Wallis H**, uma extensão do teste U de Mann-Whitney, é o análogo não paramétrico da análise de variância para um fator que detecta as diferenças na localização da distribuição. O **teste de mediana**, que é um teste mais geral (mas não tão poderosa), detecta as diferenças de distribuição no local e formato. O teste H de Kruskal-Wallis e o teste de mediana assumem que não ha ordenação *a priori* das populações k das quais as amostras são colhidas.

Quando *houver* uma ordenação natural *a priori* (crescente ou decrescente) das populações k , o **teste Jonckheere-Terpstra** será mais poderoso. Por exemplo, as populações k podem representar k aumentando as temperaturas. A hipótese de que as temperaturas diferentes produzem a mesma distribuição de resposta é testada em relação à alternativa que, conforme a temperatura auenta, a magnitude da resposta aumenta também. Aqui, a hipótese alternativa é ordenada; portanto, Jonckheere-Terpstra é o teste mais apropriado para uso. O teste Jonckheere-Terpstra está disponível apenas se você tiver instalado o módulo complementar Testes Exatos.

Definir Intervalo para Testes de Diversas Amostras Independentes

Para definir o intervalo, insira valores de número inteiro para **Mínimo** e **Máximo** que correspondam às categorias mais baixa e mais alta da variável de agrupamento. Casos com valores fora dos limites são excluídos. Por exemplo, se especificar um valor mínimo de 1 e um valor máximo de 3, apenas os valores de número inteiro de 1 a 3 serão utilizados. O valor mínimo deve ser menor que o valor máximo, e ambos os valores devem ser especificados.

Opções de Testes para Várias Amostras Independentes

Estatísticas. É possível escolher uma ou ambas as estatísticas básicas.

- **Descritivo.** Exibe a média, o desvio padrão, o mínimo, o máximo e o número de casos não desconhecidos.
- **Quartis.** Exibe os valores correspondentes aos 25°, 50° e 75° percentis.

Valores omissos. Controla o tratamento de valores omissos.

- **Excluir casos de teste por teste.** Quando vários testes são especificados, cada teste é avaliado separadamente para valores omissos.
- **Excluir listwise dos casos.** Casos com valores omissos para qualquer variável são excluídos de todas as análises.

Recursos Adicionais do Comando NPAR TESTS (K Amostras Independentes)

A linguagem de sintaxe de comando também permite especificar um valor diferente da mediana observada para o teste de mediana (com o subcomando MEDIAN).

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Testes para várias amostras relacionadas

O procedimento Testes para Várias Amostras Relacionadas compara as distribuições de duas ou mais variáveis.

Exemplo. O público associa diferentes quantias de prestígio a um médico, advogado, policial e professor? Dez pessoas são solicitadas a ranquear estas quatro ocupações em ordem de prestígio. O teste de Friedman indica que o público associa diferentes quantias de prestígio a essas quatro profissões.

Estatísticas. Média, desvio padrão, mínimo, máximo, número de casos não desconhecidos e quartis. Testes: Friedman, *W* de Kendall e *Q* de Cochran.

Considerações de Dados de Testes para Várias Amostras Relacionadas

Dados. Utilize variáveis numéricas que possam ser ordenadas.

Suposições. Testes não paramétricos não requerem suposições sobre a forma da distribuição subjacente. Utilize amostras aleatórias dependentes.

Para Obter Testes para Várias Amostras Dependentes

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Testes Não Paramétricos > Diálogos Anteriores > K Amostras Relacionadas ...

2. Selecionar duas ou mais variáveis de teste numéricas.

Testes para diversos tipos de teste de amostras relacionadas

Três testes estão disponíveis para comparar as distribuições de várias variáveis relacionadas.

O teste de **Friedman** é o equivalente não paramétrico de um design de medidas repetidas de uma amostra ou uma análise de variância de dois fatores com uma observação por célula. Friedman testa a hipótese nula de que *k* variáveis relacionadas vêm da mesma população. Para cada caso, as variáveis *k* são ranqueadas de 1 a *k*. A estatística de teste é baseada nessas classificações.

W de Kendall é uma normalização da estatística de Friedman. *W* de Kendall é interpretável como o coeficiente de concordância, que é uma medida de acordo entre os avaliadores. Cada caso é um juiz ou avaliador, e cada variável é um item ou pessoa que está sendo avaliada. Para cada variável, a soma dos ranqueamentos é calculada. *W* de Kendall varia entre 0 (nenhuma concordância) e 1 (concordância total).

Q de Cochran é idêntico ao teste de Friedman, mas é aplicável quando todas as respostas são binárias. Este teste é uma extensão do teste de McNemar para a situação de amostra-*k*. *Q* de Cochran testa a hipótese de que diversas variáveis dicotômicas relacionadas têm a mesma média. As variáveis são medidas no mesmo indivíduo ou em indivíduos correspondidos.

Testes para Várias Estatísticas de Amostras Relacionadas

É possível escolher estatísticas.

- **Descritivo.** Exibe a média, o desvio padrão, o mínimo, o máximo e o número de casos não desconhecidos.

- **Quartis.** Exibe os valores correspondentes aos 25°, 50° e 75° percentis.

Recursos Adicionais do Comando NPAR TESTS (K Amostras Relacionadas)

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Análise de Múltiplas Respostas

Análise de Múltiplas Respostas

Dois procedimentos estão disponíveis para analisar conjuntos de dicotomias múltiplas e de categorias múltiplas. O procedimento Frequências de Múltiplas Respostas exibe tabelas de frequência. O procedimento Crosstab de Múltiplas Respostas exibe tabulações cruzadas bidimensionais e tridimensionais. Antes de utilizar qualquer dos procedimentos, deve-se definir conjuntos de múltiplas respostas.

Exemplo, Este exemplo ilustra o uso de itens de múltiplas respostas em uma enquête de pesquisa de mercado. Os dados são fictícios e não devem ser interpretados como reais. Uma companhia aérea pode realizar uma pesquisa de opinião com passageiros que viajam em uma rota específica para avaliar as empresas concorrentes. Neste exemplo, a American Airlines deseja saber se seus passageiros também utilizam outras companhias aéreas para a rota Chicago - Nova York e se os horários e serviços são relativamente importantes na escolha de uma companhia aérea. Um comissário de bordo entrega para cada passageiro um breve questionário no momento do embarque. A primeira pergunta é: Circule todas as companhias aéreas com as quais você viajou pelo menos uma vez nos últimos seis meses nesta rota - American, United, TWA, USAir, Outra. Esta é uma pergunta de múltiplas respostas, já que o passageiro poderá circular mais de uma resposta. No entanto, essa pergunta não pode ser codificada diretamente porque uma variável pode ter somente um valor para cada caso. Deve-se utilizar diversas variáveis para mapear as respostas para cada pergunta. Existem duas maneiras de se fazer isso. Uma é definir uma variável que corresponda a cada uma das opções (por exemplo, American, United, TWA, USAir e Outra). Se o passageiro circula a United, a variável *united* é designada um código de 1, caso contrário 0. Este é um **método de dicotomia múltipla** de variáveis de mapeamento. A outra maneira de mapear as respostas é o **método de múltiplas categorias**, em que você estima o número máximo de respostas possíveis para a pergunta e configura o mesmo número de variáveis, com códigos utilizados para especificar a companhia aérea utilizada. Ao analisar uma amostra de questionários, é possível descobrir que nenhum usuário utilizou mais de três companhias aéreas diferentes nesta rota nos últimos seis meses. Além disso, você descobre que, devido à desregulamentação de companhias aéreas, 10 outras empresas foram incluídas na categoria Outro. Utilizando o método de múltiplas respostas, você define três variáveis, cada uma codificada como 1 = *american*, 2 = *united*, 3 = *twa*, 4 = *usair*, 5 = *delta*, e assim por diante. Se um determinado passageiro circular American e TWA, a primeira variável terá um código de 1, a segunda terá um código de 3, e a terceira terá um código de valor omissivo. Outro passageiro pode ter circulado American e inserido Delta. Assim, a primeira variável terá um código de 1, a segunda possuirá um código de 5, e a terceira um código de valor omissivo. Se você utilizar o método de múltiplas dicotomias, por outro lado, acabará tendo 14 variáveis separadas. Embora qualquer método de mapeamento seja viável para essa pesquisa de opinião, o método que você escolher dependerá da distribuição das respostas.

Definir Conjuntos de Múltiplas Respostas

O procedimento Definir Conjuntos de Múltiplas Respostas agrupa variáveis elementares em conjuntos de diversas dicotomias e de diversas categorias para os quais é possível obter tabelas de frequência e tabulações cruzadas. É possível definir até 20 conjuntos de múltiplas respostas. Cada conjunto deve ter um nome exclusivo. Para remover um conjunto, destaque-o na lista de conjuntos de múltiplas respostas e clique em **Remover**. Para alterar um conjunto, destaque-o na lista, modifique quaisquer características de definições de conjunto e clique em **Alterar**.

É possível codificar suas variáveis elementares como dicotomias ou categorias. Para utilizar variáveis dicotômicas, selecione **Dicotomias** para criar um conjunto de múltiplas dicotomias. Insira um valor de número inteiro para o valor Contado. Cada variável que possuir pelo menos uma ocorrência do valor contado se torna uma categoria do conjunto de múltiplas dicotomias. Selecione **Categorias** para criar um

conjunto de categorias múltiplas com o mesmo intervalo de valores como variáveis de componente. Insira valores de número inteiro para os valores mínimo e máximo do intervalo para as categorias do conjunto de categorias múltiplas. O procedimento totaliza cada valor de número inteiro distinto no intervalo inclusivo em todas as variáveis de componente. Categorias vazias não são tabuladas.

Cada conjunto de múltiplas respostas deve ser designado a um nome exclusivo de até sete caracteres. O procedimento prefixa um sinal de dólar (\$) ao nome que você designar. Não é possível usar os seguintes nomes reservados: *casenum*, *sysmis*, *jdate*, *date*, *time*, *length* e *width*. O nome do conjunto de múltiplas respostas existe apenas para uso em procedimentos de respostas múltiplas. Não é possível referenciar nomes de conjunto de múltiplas respostas em outros procedimentos. Opcionalmente, é possível inserir um rótulo de variável descritivo para o conjunto de múltiplas respostas. O rótulo pode ter até 40 caracteres de comprimento.

Para Definir Conjuntos de Múltiplas Respostas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Múltiplas Respostas > Defina Conjuntos de Variáveis...

2. Selecione duas ou mais variáveis.

3. Se as variáveis forem codificadas como dicotomias, indique qual valor você deseja que seja contado. Se as variáveis forem codificadas como categorias, defina o intervalo das categorias.

4. Insira um nome exclusivo para cada conjunto de múltiplas respostas.

5. Clique em **Incluir** para incluir o conjunto de múltiplas respostas na lista de conjuntos definidos.

Frequências de múltiplas respostas

O procedimento Frequências de Múltiplas Respostas produz tabelas de frequência para conjuntos de múltiplas respostas. Primeiro deve-se definir um ou mais conjuntos de múltiplas respostas (consulte "Definir Conjuntos de Múltiplas Respostas").

Para conjuntos de múltiplas dicotomias, os nomes de categoria mostrados na saída são provenientes de rótulos de variáveis definidos para variáveis elementares no grupo. Se os rótulos de variáveis não forem definidos, nomes de variáveis serão utilizados como rótulos. Para conjuntos de categorias múltiplas, os rótulos de categoria são provenientes de rótulos de valor da primeira variável no grupo. Se categorias omissas para a primeira variável estiverem presentes para outras variáveis no grupo, defina um rótulo de valor para as categorias omissas.

Valores omissos. Casos com valores omissos são excluídos basicamente tabela por tabela. Como alternativa, é possível escolher um ou ambos os seguintes itens:

- **Excluir listwise dos casos dentro das dicotomias.** Exclui casos com valores omissos para qualquer variável da tabulação do conjunto de múltiplas dicotomias. Isso se aplica apenas a conjuntos de múltiplas respostas definidos como conjuntos de dicotomias. Por padrão, um caso será considerado omissos para um conjunto de múltiplas dicotomias se nenhuma de suas variáveis de componente contiver o valor contado. Casos com valores omissos para algumas (mas não todas) variáveis são incluídos nas tabulações do grupo se pelo menos uma variável contiver o valor contado.
- **Excluir listwise dos casos dentro das categorias.** Exclui casos com valores omissos para qualquer variável da tabulação do conjunto de categorias múltiplas. Isso se aplica apenas a conjuntos de múltiplas respostas definidos como conjuntos de categoria. Por padrão, um caso será considerado omissos para um conjunto de categorias múltiplas apenas se nenhum de seus componentes possuir valores válidos dentro do intervalo definido.

Exemplo, Cada variável criada a partir de uma pergunta da pesquisa de opinião é uma variável elementar. Para analisar um item de múltiplas respostas, deve-se combinar as variáveis em um dos dois tipos de conjuntos de múltiplas respostas: um conjunto de múltiplas dicotomias ou um conjunto de categorias múltiplas. Por exemplo, se uma pesquisa de opinião de uma companhia aérea perguntar com quais das três companhias (American, United e TWA) você viajou nos últimos seis meses e você utilizou as variáveis dicotômicas e definiu um **conjunto de múltiplas dicotomias**, cada uma das três variáveis no conjunto se tornará uma categoria da variável de grupo. As contagens e porcentagens para as três companhias aéreas são exibidas em uma tabela de frequência. Se você descobrir que nenhum respondente mencionou mais

de duas companhias aéreas, será possível criar duas variáveis, cada uma com três códigos, um para cada companhia aérea. Se você definir um **conjunto de categorias múltiplas**, os valores serão tabulados ao incluir os mesmos códigos nas variáveis elementares juntas. O conjunto de valores resultante é o mesmo que aqueles para cada uma das variáveis elementares. Por exemplo, 30 respostas para o United são a soma das cinco respostas Unidas para a companhia aérea 1 e as 25 respostas Unidas para a companhia aérea 2. As contagens e porcentagens para as três companhias aéreas são exibidas em uma tabela de frequência.

Estatísticas. Tabelas de frequência exibindo contagens, as porcentagens de respostas, porcentagens de casos, número de casos válidos e o número de casos omissos.

Considerações de Dados de Frequências de Múltiplas Respostas

Dados. Utilize conjuntos de múltiplas respostas.

Suposições. As contagens e porcentagens fornecem uma descrição útil dos dados a partir de qualquer distribuição.

Procedimentos relacionados. O procedimento Definir Conjuntos de Múltiplas Respostas permite definir conjuntos de múltiplas respostas.

Para Obter Frequências de Múltiplas Respostas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Múltiplas Respostas > Frequências...

2. Selecione um ou mais conjuntos de múltiplas respostas.

Tabulações cruzadas de múltiplas respostas

O procedimento Crosstabs de Múltiplas Respostas efetua tabulações cruzadas de conjuntos de múltiplas respostas definidos, de variáveis elementares, ou uma combinação deles. Também é possível obter porcentagens de célula com base em casos ou respostas, modificar a manipulação de valores omissos ou obter tabulações cruzadas pairwise. Primeiro deve-se definir um ou mais conjuntos de múltiplas respostas (consulte "Para Definir Conjuntos de Múltiplas Respostas").

Para conjuntos de múltiplas dicotomias, os nomes de categoria mostrados na saída são provenientes de rótulos de variáveis definidos para variáveis elementares no grupo. Se os rótulos de variáveis não forem definidos, nomes de variáveis serão utilizados como rótulos. Para conjuntos de categorias múltiplas, os rótulos de categoria são provenientes de rótulos de valor da primeira variável no grupo. Se categorias omissas para a primeira variável estiverem presentes para outras variáveis no grupo, defina um rótulo de valor para as categorias omissas. O procedimento exibe rótulos de categoria para colunas em três linhas, com até oito caracteres por linha. Para evitar divisão de palavras, é possível reverter os itens de linha e de coluna ou redefinir rótulos.

Exemplo. Os conjuntos de múltiplas dicotomias e de múltiplas categorias podem efetuar tabulação cruzada com outras variáveis neste procedimento. Uma pesquisa de opinião para passageiros de companhias aéreas pede o seguinte: Circule todas as companhias aéreas com as quais você viajou pelo menos uma vez nos últimos seis meses (American, United, TWA). O que é mais importante na escolha de um voo - horário ou serviço? Selecione apenas um. Após inserir os dados como múltiplas dicotomias ou categorias e combiná-las em um conjunto, é possível efetuar uma tabulação cruzada das opções da companhia aérea com a pergunta que envolve serviço ou horário.

Estatísticas. Tabulação cruzada com célula, linha, coluna e contagens totais, e com célula, linha, coluna e porcentagens totais. As porcentagens de célula podem ser baseadas em casos ou respostas.

Considerações de Dados para Crosstabs de Múltiplas Respostas

Dados. Utilize conjuntos de múltiplas respostas ou variáveis categóricas numéricas.

Suposições. As contagens e porcentagens fornecem uma descrição útil dos dados a partir de qualquer distribuição.

Procedimentos relacionados. O procedimento Definir Conjuntos de Múltiplas Respostas permite definir conjuntos de múltiplas respostas.

Para Obter Crosstabs de Múltiplas Respostas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Múltiplas Respostas > Crosstabs...

2. Selecione uma ou mais variáveis numéricas ou conjuntos de múltiplas respostas para cada dimensão da tabulação cruzada.

3. Defina o intervalo de cada variável elementar.

Opcionalmente, é possível obter uma tabulação cruzada bidirecional para cada categoria de uma variável de controle ou conjunto de múltiplas respostas. Selecione um ou mais itens para a lista de Camada(s).

Intervalos de Definição de Crosstabs de Múltiplas Respostas

Intervalos de valor devem ser definidos para qualquer variável elementar na tabulação cruzada. Insira os valores de categoria mínimo e máximo de número inteiro que deseja tabular. Categorias fora do intervalo são excluídas da análise. Valores dentro do intervalo inclusivo são assumidos como números inteiros (não inteiros são truncados).

Opções de Crosstabs de Múltiplas Respostas

Porcentagens de Célula. As contagens de célula são sempre exibidas. É possível optar por exibir porcentagens de linha, porcentagens de coluna e porcentagens de tabela de dois fatores (total).

Porcentagens Baseadas em. É possível basear porcentagens de célula em casos (ou respondentes). Isso não estará disponível se selecionar correspondência de variáveis em conjuntos de categorias múltiplas. Também é possível basear as porcentagens de célula em respostas. Para conjuntos de múltiplas dicotomias, o número de respostas é igual ao número de valores contabilizados nos casos. Para conjuntos de categorias múltiplas, o número de respostas é o número de valores no intervalo definido.

Valores omissos. É possível escolher uma ou ambas as seguintes opções:

- **Excluir listwise dos casos dentro das dicotomias.** Exclui casos com valores omissos para qualquer variável da tabulação do conjunto de múltiplas dicotomias. Isso se aplica apenas a conjuntos de múltiplas respostas definidos como conjuntos de dicotomias. Por padrão, um caso será considerado omissos para um conjunto de múltiplas dicotomias se nenhuma de suas variáveis de componente contiver o valor contado. Casos com valores omissos para algumas, mas não todas as variáveis são incluídas nas tabulações do grupo se pelo menos uma variável contiver o valor contado.
- **Excluir listwise dos casos dentro das categorias.** Exclui casos com valores omissos para qualquer variável da tabulação do conjunto de categorias múltiplas. Isso se aplica apenas a conjuntos de múltiplas respostas definidos como conjuntos de categoria. Por padrão, um caso será considerado omissos para um conjunto de categorias múltiplas apenas se nenhum de seus componentes possuir valores válidos dentro do intervalo definido.

Por padrão, ao efetuar tabulação cruzada de dois conjuntos de categorias múltiplas, o procedimento irá tabular cada variável no primeiro grupo com cada variável no segundo grupo e somará as contagens de cada célula; portanto, algumas respostas podem aparecer mais de uma vez em uma tabela. É possível escolher a seguinte opção:

Corresponder variáveis em conjuntos de respostas. Emparelha a primeira variável no primeiro grupo com a primeira variável no segundo grupos, e assim por diante. Se essa opção for selecionada, o procedimento baseará as porcentagens da célula nas respostas e não nos respondentes. O emparelhamento não está disponível para conjuntos de múltiplas dicotomias ou variáveis elementares.

Recursos Adicionais do Comando MULT RESPONSE

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Obter tabelas de tabulação cruzada com até cinco dimensões (com o subcomando BY).
- Alterar as opções de formatação de saída, incluindo a supressão de rótulos de valor (com o subcomando FORMAT).

Resultados do Relatório

Resultados do Relatório

Listagens de casos e estatísticas descritivas são ferramentas básicas para estudar e apresentar dados. É possível obter listagens de caso com o Editor de Dados ou com o procedimento Sumarizar, contagens de frequência e estatísticas descritivas com o procedimento Frequências e as estatísticas de subpopulação com o procedimento Médias. Cada um desses utiliza um formato projetado para tornar as informações claras. Se desejar exibir as informações em um formato diferente, as Sumarizações de Relatório em Linhas e Sumarizações de Relatório em Colunas fornecem controle sobre a apresentação de dados.

Sumarizações de Relatórios em Linhas

As Sumarizações de Relatórios em Linhas produz relatórios em que estatísticas básicas diferentes são dispostas em linhas. Listagens de casos também estão disponíveis, com ou sem estatísticas básicas.

Exemplo. Uma empresa com uma rede de lojas varejistas mantém registros de informações de funcionários, incluindo salário, tempo de serviço e a loja e divisão em que cada funcionário trabalha. É possível gerar um relatório que forneça informações de funcionário individual (listando), discriminado por loja e divisão (variáveis de quebra), com estatísticas básicas (por exemplo, média salarial) para cada loja, divisão e a divisão de cada loja.

Colunas de Dados. Lista as variáveis de relatório para as quais você deseja listagens de caso ou estatísticas básicas e controla o formato de exibição de colunas de dados.

Colunas de Quebra. Lista as variáveis de quebra opcionais que dividem o relatório em grupos e controla as estatísticas básicas e os formatos de exibição das colunas de quebra. Para diversas variáveis de quebra, haverá um grupo separado para cada categoria de cada variável de quebra dentro de categorias da variável de quebra anterior na lista. As variáveis de quebra devem ser variáveis categóricas discretas que dividem casos em um número limitado de categorias significativas. Valores individuais de cada variável de quebra aparecem, ordenados em uma coluna separada à esquerda de todas as colunas de dados.

Relatório. Controla as características gerais do relatório, incluindo estatísticas básicas gerais, exibição de valores omissos, numeração de página e títulos.

Exibir casos. Exibe os valores reais (ou rótulos de valor) as variáveis de coluna de dados para cada caso. Isso produz um relatório de listagem, que pode ser muito mais longo que um relatório sumarização.

Visualizar. Exibe apenas a primeira página do relatório. Esta opção é útil para visualizar o formato de seu relatório sem processar o relatório inteiro.

Dados já estão ordenados. Para relatórios com variáveis de quebra, o arquivo de dados deve ser ordenado pelos valores de variável de quebra antes de gerar o relatório. Se o seu arquivo de dados já estiver ordenado pelos valores de variáveis de quebra, será possível economizar tempo de processamento ao selecionar essa opção. Essa opção é útil principalmente após a execução de um relatório de visualização.

Para Obter um Relatório Sumarização: Sumarizações em Linhas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Relatórios > Resumos de relatórios em linhas...

2. Selecione uma ou mais variáveis para Colunas de Dados. Uma coluna no relatório é gerada para cada variável selecionada.
3. Para relatórios ordenados e exibidos por subgrupos, selecione mais variáveis para Colunas de Quebra.

4. Para relatórios com estatísticas básicas para subgrupos definidos pelas variáveis de quebra, selecione a variável de quebra na lista de Variáveis de Colunas de Quebra e clique em **Sumarização** no grupo de Colunas de Quebra para especificar uma ou mais medidas de sumarização.
5. Para relatórios com estatísticas básicas gerais, clique em **Sumarização** para especificar uma ou mais medidas de sumarização.

Formato de Quebra de Coluna de Dados do Relatório

As caixas de diálogo Formato controlam os títulos da coluna, a largura da coluna, o alinhamento de texto e a exibição de valores de dados ou de rótulos de valor. O Formato de Coluna de Dados controla o formato de colunas de dados no lado direito da página do relatório. O Formato de Quebra controla o formato das colunas de quebra no lado esquerdo.

Título da Coluna. Para a variável selecionada, controla o título da coluna. Títulos longos são agrupados automaticamente dentro da coluna. Use a tecla Enter para inserir manualmente quebras de linha no local desejado para quebra de títulos.

Posição do Valor dentro da Coluna. Para a variável selecionada, controla o alinhamento de valores de dados ou de rótulos de valor dentro da coluna. O alinhamento de valores ou de rótulos não afeta o alinhamento de títulos de coluna. É possível indentar o conteúdo da coluna por um número especificado de caracteres ou centralizar o conteúdo.

Conteúdo da Coluna. Para a variável selecionada, controla a exibição de valores de dados ou de rótulos de valor definido. Os valores de dados são sempre exibidos para quaisquer valores que não possuam rótulos de valor definido. (Não disponível para colunas de dados nos relatórios de sumarização da coluna).

Linhas de Sumarização de Relatório para/Linhas de Sumarização Final

As duas caixas de diálogo Linhas de Sumarização controlam a exibição das estatísticas básicas para grupos de quebra e para o relatório inteiro. Linhas de Sumarização controla estatísticas de subgrupo para cada categoria definida por uma ou mais variáveis de quebra. Linhas de Sumarização Final controla as estatísticas globais, exibidas no término do relatório.

As estatísticas básicas disponíveis são soma, média, mínimo, máximo, número de casos, porcentagem de casos acima ou abaixo de um valor especificado, porcentagem de casos dentro de um intervalo especificado de valores, desvio padrão, curtose, variância e assimetria.

Opções de Quebra de Relatório

Opções de Quebra controlam o espaçamento e a paginação de informações sobre categoria de quebra.

Controle da Página. Controla o espaçamento e a paginação para categorias da variável de quebra selecionada. É possível especificar um número de linhas em branco entre as categorias de quebra ou iniciar cada categoria de quebra em uma nova página.

Linhas em Branco antes de Sumarizações. Controla o número de linhas em branco entre os rótulos de categoria de quebra ou estatísticas básicas e de dados. Isto é útil principalmente para relatórios combinados que incluem tanto listagens de caso individuais quanto estatísticas básicas para as categorias de quebra; nesses relatórios, é possível inserir espaço entre as listagens de caso e as estatísticas básicas.

Opções de relatório

Opções de Relatório controla o tratamento e a exibição de valores omissos e a numeração de página de relatório.

Excluir casos com listwise de valores omissos. Elimina (do relatório) qualquer caso com valores omissos para qualquer uma das variáveis de relatório.

Valores Omissos Aparecem como. Permite especificar o símbolo que representa valores omissos no arquivo de dados. O símbolo pode ser apenas um caractere e é utilizado para representar valores *omissos do sistema* e *omissos do usuário*.

Numerar Páginas a partir de. Permite especificar um número de página para a primeira página do relatório.

Layout de relatórios

O Layout do Relatório controla a largura e o comprimento de cada página de relatório, o posicionamento do relatório na página e a inserção de linhas e rótulos em branco.

Formato da Página. Controla as margens da página, expressas em linhas (superior e inferior) e caracteres (esquerda e direita), e o alinhamento de relatórios dentro das margens.

Títulos e Rodapés da Página. Controla o número de linhas que separam títulos e rodapés da página do corpo do relatório.

Colunas de Quebra. Controla a exibição de colunas de quebra. Se diversas variáveis de quebra forem especificadas, elas poderão ser separadas em colunas ou na primeira coluna. Colocar todas as variáveis de quebra na primeira coluna produz um relatório mais estreito.

Títulos da Coluna. Controla a exibição de títulos de coluna, incluindo título sublinhado, espaço entre os títulos e o corpo do relatório, e o alinhamento vertical dos títulos da coluna.

Rótulos de Linhas e de Quebra de Colunas de Dados. Controla o posicionamento das informações da coluna de dados (valores de dados e/ou estatísticas básicas) com relação aos rótulos de quebra no início de cada categoria de quebra. A primeira linha de informações de coluna de dados pode iniciar na mesma linha que o rótulo de categoria de quebra ou em um número especificado de linhas após o rótulo de categoria de quebra. (Não disponível para colunas de relatório sumarização).

Títulos de Relatório

Títulos de Relatório controlam o conteúdo e o posicionamento dos títulos e rodapés do relatório. É possível especificar até 10 linhas de títulos de página e até 10 linhas de rodapés de página, com componentes justificados à esquerda, centralizados e justificados à direita em cada linha.

Se inserir variáveis nos títulos ou rodapés, o rótulo de valor ou o valor da variável atual será exibido no título ou no rodapé. Nos títulos, o rótulo de valor correspondente ao valor da variável no início da página é exibido. Nos rodapés, o rótulo de valor correspondente ao valor da variável no término da página é exibido. Se não houver nenhum rótulo de valor, o valor real será exibido.

Variáveis Especiais. As variáveis especiais *DATE* e *PAGE* permitem inserir a data ou o número da página atual em qualquer linha de um cabeçalho ou rodapé de relatório. Se o arquivo de dados contiver variáveis denominadas *DATE* ou *PAGE*, não será possível utilizar essas variáveis em títulos ou rodapés do relatório.

Sumarizações de Relatórios em Colunas

As Sumarizações de Relatórios em Colunas produz relatórios sumarização em que estatísticas básicas diferentes aparecem em colunas separadas.

Exemplo, Uma empresa com uma rede de lojas varejistas mantém registros de informações de funcionários, incluindo salário, tempo de serviço e a divisão em que cada funcionário trabalha. É possível gerar um relatório que fornece estatísticas de salário sumarizadas (por exemplo, média, mínimo e máximo) para cada divisão.

Colunas de Dados. Lista as variáveis de relatório para as quais você deseja estatísticas básicas e controla o formato de exibição e as estatísticas básicas exibidas para cada variável.

Colunas de Quebra. Lista as variáveis de quebra opcionais que dividem o relatório em grupos e controla os formatos de exibição das colunas de quebra. Para diversas variáveis de quebra, haverá um grupo separado para cada categoria de cada variável de quebra dentro de categorias da variável de quebra anterior na lista. As variáveis de quebra devem ser variáveis categóricas discretas que dividem casos em um número limitado de categorias significativas.

Relatório. Controla as características gerais do relatório, incluindo exibição de valores omissos, numeração de página e títulos.

Visualizar. Exibe apenas a primeira página do relatório. Esta opção é útil para visualizar o formato de seu relatório sem processar o relatório inteiro.

Dados já estão ordenados. Para relatórios com variáveis de quebra, o arquivo de dados deve ser ordenado pelos valores de variável de quebra antes de gerar o relatório. Se o seu arquivo de dados já estiver ordenado pelos valores de variáveis de quebra, será possível economizar tempo de processamento ao selecionar essa opção. Essa opção é útil principalmente após a execução de um relatório de visualização.

Para Obter um Relatório Sumarização: Sumarizações em Colunas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Relatórios > Resumos de relatórios em colunas...

2. Selecione uma ou mais variáveis para Colunas de Dados. Uma coluna no relatório é gerada para cada variável selecionada.
3. Para alterar a medida de sumarização de uma variável, selecione a variável na lista Variáveis de Coluna de Dados e clique em **Sumarização**.
4. Para obter mais de uma medida de sumarização para uma variável, selecione a variável na lista de origem e mova-a para a lista Variáveis de Coluna de Dados diversas vezes, uma para cada medida de sumarização desejada.
5. Para exibir uma coluna contendo a soma, média, razão ou outra função de colunas existentes, clique em **Inserir Total**. Isso coloca uma variável denominada *total* na lista Colunas de Dados.
6. Para relatórios ordenados e exibidos por subgrupos, selecione mais variáveis para Colunas de Quebra.

Função de Sumarização de Colunas de Dados

Linhas de Sumarização controla a estatística de sumarização exibida para variável da coluna de dados selecionada.

As estatísticas básicas disponíveis são soma, média, mínimo, máximo, número de casos, porcentagem de casos acima ou abaixo de um valor especificado, porcentagem de casos dentro de um intervalo especificado de valores, desvio padrão, variância, curtose e assimetria.

Sumarização de Colunas de Dados para Total de Colunas

Coluna de Sumarização controla as estatísticas básicas totais que sumarizam duas ou mais colunas de dados.

As estatísticas básicas totais disponíveis são soma de colunas, média de colunas, mínimo, máximo, diferença entre valores em duas colunas, quociente de valores em uma coluna dividido por valores em outra coluna, e o produto dos valores de colunas multiplicados juntos.

Soma de colunas. A coluna *total* é a soma das colunas na lista Colunas de Sumarização.

Média de colunas. A coluna *total* é a média das colunas na lista Colunas de Sumarização.

Mínimo de colunas. A coluna *total* é o mínimo das colunas na lista de Colunas de Sumarização.

Máximo de colunas. A coluna *total* é o máximo das colunas na lista Colunas de Sumarização.

1ª coluna - 2ª coluna. A coluna *total* é a diferença das colunas na lista de Colunas de Sumarização. A lista de Coluna de Sumarização deve conter exatamente duas colunas.

1ª coluna / 2ª coluna. A coluna *total* é o quociente das colunas na lista Colunas de Sumarização. A lista de Coluna de Sumarização deve conter exatamente duas colunas.

% 1ª coluna / 2ª coluna. A coluna *total* é a porcentagem da primeira coluna da segunda coluna na lista Coluna de Sumarização. A lista de Coluna de Sumarização deve conter exatamente duas colunas.

Produto de colunas. A coluna *total* é o produto das colunas na lista de Coluna de Sumarização.

Formato da Coluna do Relatório

As opções de formatação de dados e coluna de quebra para Sumarizações de Relatórios em Colunas são as mesmas que aquelas descritas para Sumarizações de Relatórios em Linhas.

Sumarizações de Relatórios em Opções de Quebra de Colunas

As Opções de Quebra controlam a exibição de subtotal, espaçamento e paginação de categorias de quebra.

Subtotal. Controla a exibição de subtotais para as categorias de quebra.

Controle da Página. Controla o espaçamento e a paginação para categorias da variável de quebra selecionada. É possível especificar um número de linhas em branco entre as categorias de quebra ou iniciar cada categoria de quebra em uma nova página.

Linhas em Branco antes do subtotal. Controla o número de linhas em branco entre os dados e subtotais da categoria de quebra.

Sumarizações de Relatórios em Opções de Colunas

Opções controla a exibição de totais gerais, a exibição de valores omissos e a paginação em relatórios de sumarização de coluna.

Total Geral. Exibe e rotula um total geral para cada coluna; exibido na parte inferior da coluna.

Valores omissos. É possível excluir valores omissos do relatório ou selecionar um único caractere para indicar valores omissos no relatório.

Layout de Relatório para Sumarizações nas colunas

As opções de layout de relatório para Sumarizações de Relatórios em Colunas são as mesmas que aquelas descritas para Sumarizações de Relatórios em Linhas.

Recursos Adicionais do Comando REPORT

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Exibir funções de sumarização diferentes nas colunas de uma linha de sumarização única.
- Inserir linhas de sumarização em colunas de dados para variáveis diferentes de variável de coluna de dados ou para várias combinações (funções compostas) das funções de sumarização.
- Utilizar Mediana, Modo, Frequência e Porcentagem como funções de sumarização.
- Controlar com mais precisão o formato de exibição de estatísticas de sumarização.
- Inserir linhas em branco em vários pontos em relatórios.
- Inserir linhas em branco após cada n -ésimo caso nos relatórios de listagem.

Devido à complexidade da sintaxe REPORT, talvez você ache útil, ao construir um novo relatório com a sintaxe, aproximar o relatório gerado das caixas de diálogo, copiar e colar a sintaxe correspondente e refinar essa sintaxe para produzir o relatório exato desejado.

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Análise de confiabilidade

A análise de confiabilidade permite estudar as propriedades das escalas de medida e os itens que compõem as escalas. O procedimento Análise de Confiabilidade calcula um número de medidas normalmente utilizadas de confiabilidade da escala e também fornece informações sobre os relacionamentos entre itens individuais na escala. Os coeficientes de correlação intraclasse podem ser usados para calcular estimativas de confiabilidade entre avaliadores.

A análise de confiabilidade também fornece estatísticas kappa de avaliador múltiplo de Fleiss que avaliam a concordância entre avaliadores para determinar a confiabilidade entre os diversos avaliadores. Uma concordância maior fornece mais confiança nas classificações refletindo a circunstância verdadeira. As opções de Kappa de avaliador múltiplo de Fleiss estão disponíveis no diálogo “Análise de confiabilidade: estatísticas” na página 251.

Exemplo:

O meu questionário mede a satisfação do cliente de maneira útil? Utilizando a análise de confiabilidade, é possível determinar até que ponto os itens em seu questionário estão relacionados uns aos outros, obter um índice geral da repetição e consistência interna da escala como um todo e identificar itens de problemas que devem ser excluídos da escala.

Estatísticas

Descritivas para cada variável e para as estatísticas básicas, de escala em itens, correlações e covariâncias entre itens, estimativas de confiabilidade, tabela ANOVA, coeficientes de correlação intraclass, T^2 de Hotelling, teste de aditividade de Tukey e Kappa de avaliador múltiplo de Fleiss.

Modelos

Os modelos de confiabilidade a seguir estão disponíveis:

Alfa (Cronbach)

Esse modelo é uma medida de consistência interna com base na correlação média entre itens.

Omega (McDonald's)

Este modelo assume que o modelo é unidimensional, incluindo um único fator sem dependência de item local na forma de covariâncias de erro. O modelo implica que a covariância dos dois itens diferentes é o produto de seus carregamentos.

Divisão em metade

Esse modelo divide a escala em duas partes e examina a correlação entre as partes.

Guttman

Esse modelo calcula limites inferiores de Guttman para confiabilidade real.

Paralelo

Esse modelo supõe que todos os itens possuem variâncias e variâncias de erro iguais entre as replicações.

Paralelo-série

Esse modelo faz suposições do modelo Paralelo e também supõe médias iguais entre os itens.

Considerações sobre dados de Análise de confiabilidade**Dados**

Os dados podem ser dicotômicos, ordinais ou intervalo, porém devem ser codificados numericamente.

Suposições

As observações devem ser independentes, e os erros deverão estar não correlacionados entre os itens. Cada par de itens deve ter uma distribuição normal bivariada. As escalas devem ser aditivas, para que cada item esteja linearmente relacionado ao escore total. As seguintes suposições se aplicam para estatísticas kappa de avaliador múltiplo de Fleiss:

- Pelo menos duas variáveis de item devem ser selecionadas para executar qualquer estatística de confiabilidade.
- Quando pelo menos duas variáveis de classificações forem selecionadas, a sintaxe de Kappa de avaliador múltiplo de Fleiss será colada.
- Não há nenhuma conexão entre avaliadores.
- O número de avaliadores é uma constante.
- Cada assunto é classificado pelo mesmo grupo contendo somente um avaliador único.
- Nenhuma ponderação pode ser designada às diversas discordâncias.

Procedimentos Relacionados

Se desejar explorar a dimensionalidade de seus itens de escala (para ver se mais de uma construção é necessária para considerar o padrão de escores de item), use a análise fatorial ou o ajuste de escala multidimensional. Para identificar grupos homogêneos de variáveis, utilize análise de cluster hierárquica para variáveis de cluster.

Para obter uma Análise de confiabilidade

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Escala > Análise de confiabilidade...

2. Selecione duas ou mais variáveis como componentes em potencial de uma escala aditiva.

3. Escolha um modelo da lista suspensa **Modelo**.

4. Opcionalmente, clique em **Estatísticas** para selecionar várias estatísticas que descrevem seus itens de escala ou concordância entre avaliadores.

Análise de confiabilidade: estatísticas

É possível selecionar várias estatísticas que descrevem sua escala, os itens e a concordância entre avaliadores para determinar a confiabilidade entre os diversos avaliadores. As estatísticas que são relatadas por padrão incluem o número de casos, o número de itens e estimativas de confiabilidade conforme a seguir:

Modelos alpha

Coeficiente alfa; para dados dicotômicos, isto é equivalente ao coeficiente de Kuder-Richardson 20 (KR20).

Modelos Omega

Estimação de omega do McDonald's para avaliar a confiabilidade.

Modelos de duas metades

Correlação entre formas, confiabilidade split-half de Guttman, confiabilidade de Spearman-Brown (comprimento igual e desigual) e o coeficiente alfa para cada metade.

Modelos de Guttman

Coeficientes de confiabilidade lambda 1 a lambda 6.

Modelos paralelos e paralelos-série

Teste para Qualidade do ajuste do modelo, estimativas de variância do erro, variância comum e variância verdadeira, correlação entre itens comum estimada, confiabilidade estimada e estimativa imparcial da confiabilidade.

Descritivos para

Produce estatísticas descritivas para escalas ou itens entre os casos.

Item

Produce estatísticas descritivas para os itens entre os casos.

Escala

Produce estatísticas descritivas para as escalas.

Escalar se item foi excluído

Exibe estatísticas básicas comparando cada item com a escala que é composta dos outros itens. As estatísticas incluem a média e a variância de escala, caso o item tivesse que ser excluído da escala, a correlação entre o item e a escala que é composta de outros itens e o alfa de Cronbach, caso o item tivesse que ser excluído da escala.

Resumos

Fornece estatísticas descritivas das distribuições do item em todos os itens na escala.

Médias

Estatísticas de sumarização para médias de item São exibidas as médias de item maiores, menores e médias, o intervalo e a variância das médias de item e a razão das médias de item, das maiores às menores.

Variâncias

Estatísticas de sumarização para variâncias de itens. As variâncias de item maiores, menores e médias, o intervalo e a variância de variâncias de item e a razão das variâncias de item maiores com as menores são exibidos.

Correlações

Estatísticas de resumo para correlações entre itens. As correlações entre itens maiores, menores e médias, o intervalo e a variância de correlações entre itens e a razão das correlações entre itens maiores com as menores são exibidos.

Covariâncias

Estatísticas básicas para covariâncias entre itens. As covariâncias entre itens maiores, menores e médias, o intervalo e a variância de covariâncias entre itens e a razão das covariâncias entre itens maiores com as menores são exibidos.

Interitem

Produz matrizes de correlações ou de covariâncias entre os itens.

Tabela ANOVA

Produz testes de médias iguais.

Teste de F

Exibe uma tabela de análise de variância de medidas repetidas.

Qui-quadrado de Friedman

Exibe o coeficiente de concordância de qui-quadrado e Kendall de Friedman. Essa opção é apropriada para os dados que estiverem na forma de ranqueamentos. O teste qui-quadrado substitui o teste F usual na tabela ANOVA.

Qui-quadrado de Cochran

Exibe o Q de Cochran. Esta opção é apropriada para dados que são dicotômicos. A estatística Q substitui a estatística F usual na tabela ANOVA.

Concordância entre avaliadores: Kappa de Fleiss

Avalia a concordância entre avaliadores para determinar a confiabilidade entre os diversos avaliadores. Uma concordância maior fornece mais confiança nas classificações refletindo a circunstância verdadeira. A estatística kappa não ponderada generalizada mede a concordância entre qualquer número constante de avaliadores, assumindo:

- Pelo menos duas variáveis de item devem ser especificadas para executar qualquer estatística de confiabilidade.
- Pelo menos duas variáveis de classificações devem ser especificadas.
- As variáveis selecionadas como itens também podem ser selecionadas como classificações.
- Não há nenhuma conexão entre avaliadores.
- O número de avaliadores é uma constante.
- Cada assunto é classificado pelo mesmo grupo contendo somente um avaliador único.
- Nenhuma ponderação pode ser designada às diversas discordâncias.

Exibir concordância em categorias individuais

Especifica se a concordância em categorias individuais será ou não exibida na saída. Por padrão, a saída suprime a estimação em qualquer categoria individual. Quando ativada, várias tabelas são exibidas na saída.

Ignorar casos de sequência

Controla se as variáveis de sequência fazem ou não distinção entre maiúsculas e minúsculas. Por padrão, os valores de classificação de sequência fazem distinção entre maiúsculas e minúsculas.

Os rótulos de categoria de sequência são exibidos em maiúsculas

Controla se os rótulos de categoria nas tabelas de saída são exibidos em maiúsculas ou minúsculas. A configuração é ativada por padrão, que exibe os rótulos de categoria de sequência em maiúscula.

Nível de significância assintótico (%)

Especifica o nível de significância para os intervalos de confiança assintóticos. 95 é a configuração padrão.

Omissos**Excluir valores omissos do usuário e do sistema**

Controla a exclusão de valores omissos do usuário e do sistema. Por padrão, os valores omissos do usuário e do sistema são excluídos.

Valores omissos para o usuário são tratados como válidos

Quando ativada, trata os valores omissos do usuário e do sistema como dados válidos. A configuração é desativada por padrão.

Quadrado T de Hotelling

Produz um teste multivariado da hipótese nula de que todos os itens na escala têm a mesma média.

Teste de aditividade de Tukey

Produz um teste da suposição de que não há nenhuma interação multiplicativa entre os itens.

Coefficiente de correlação intraclasse

Produz medidas de consistência ou acordo de valores dentro dos casos.

Modelo

Selecione o modelo para calcular o coeficiente de correlação intraclasse. Os modelos disponíveis são de dois fatores combinados, dois fatores aleatórios e um fator aleatório. Selecione **Dois fatores combinados** quando os efeitos de pessoas são aleatórios e os efeitos de item são fixos, selecione **Dois fatores aleatórios** quando os efeitos de pessoas e os efeitos de item são aleatórios, ou selecione **Um fator aleatório** quando os efeitos de pessoas são aleatórios.

Tipo

Selecione o tipo de índice. Os tipos disponíveis são Consistência e Acordo Absoluto.

Intervalo de confiança (%)

Especifique o nível do intervalo de confiança. O padrão é 95%.

Valor de teste

Especifique o valor hipotético do coeficiente para o teste de hipótese. Este valor é o valor com o qual o valor observado é comparado. O valor padrão é 0.

Recursos Adicionais do Comando RELIABILITY

O idioma da sintaxe de comando também permite:

- Ler e analisar uma matriz de correlações.
- Gravar uma matriz de correlações para análise posterior.
- Especificar divisões diferentes de metades iguais para o método das duas metades.

Consulte a *Referência da sintaxe de comando* para obter informações de sintaxe completa.

Kappa ponderado

O Coeficiente Kappa de Cohen é amplamente utilizado em classificação cruzada como uma medida de concordância entre avaliadores observados. É um índice apropriado de concordância quando as classificações são escalas nominais sem nenhuma estrutura de ordem. O desenvolvimento do Coeficiente Kappa de Cohen foi motivado pelo fator de que algumas designações em uma tabela de contingência podem ter uma gravidade maior do que outras. A estatística conta com as ponderações de célula predefinidas refletindo a concordância ou discordância.

O procedimento de Coeficiente Kappa fornece opções para estimar o Coeficiente Kappa de Cohen, uma importante generalização da estatística kappa que mede a concordância de dois assuntos comuns com categorias idênticas.

Nota: O procedimento de Coeficiente Kappa substitui a funcionalidade fornecida anteriormente pela extensão `STATS WEIGHTED KAPPA.spe`.

Exemplo:

Há situações em que as diferenças entre avaliadores não devem ser tratadas como igualmente importantes. Um exemplo seria no setor de assistência médica, em que várias pessoas coletam dados de pesquisa ou clínicos. Nesses casos, a confiabilidade dos dados pode ser questionada, dada a variabilidade entre os que coletam os dados.

Estatísticas

Kappa ponderado de Cohen, escala linear, escala quadrática, intervalo de confiança assintótico.

Considerações sobre dados do Kappa ponderado**Dados**

Uma tabela de dois fatores que é baseada em um conjunto de dados ativo é necessária para estimar a estatística do Coeficiente Kappa de Cohen.

As variáveis de classificação devem ser do mesmo tipo (todas de sequência ou todas numéricas).

A estimativa do Coeficiente Kappa de Cohen faz sentido somente quando as categorias das duas variáveis de classificação, representadas pela linha e coluna na tabela, são ordenadas de forma apropriada (para um par de variáveis numéricas, a ordem numérica é aplicada; para um par de variáveis de sequência, a ordem alfabética é aplicada).

Suposições

Quando são selecionados pares de variáveis mistas, o Coeficiente Kappa de Cohen não é estimado.

Presume-se que as variáveis de classificação compartilhem o mesmo conjunto de categorias.

Para obter uma análise de Coeficiente Kappa

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Escala > Kappa ponderado...

2. Selecione duas ou mais variáveis de sequência ou numéricas para especificar como **Avaliadores pairwise**.

Nota: Deve-se selecionar todas as variáveis de sequência ou todas as variáveis numéricas.

3. Opcionalmente, ative a configuração **Especificar avaliadores para linhas e colunas** para controlar a exibição de avaliadores pairwise ou avaliadores de linhas/colunas.

- Quando ativada, os avaliadores pairwise são suprimidos e os avaliadores de linhas/colunas são exibidos. A interface com o usuário é atualizada para fornecer campos **Avaliador(es) de linhas** e **Avaliador(es) de colunas** (substituindo efetivamente o campo **Avaliadores pairwise**).
- Quando desativada, os avaliadores de linhas/colunas são suprimidos e os avaliadores pairwise são exibidos (a configuração padrão)

Quando **Especificar avaliadores para linhas e colunas** estiver ativado, especifique pelo menos uma variável para **Avaliador(es) de linhas** e **Avaliador(s) de colunas**.

Nota: Se **Avaliador(es) de linhas** e **Avaliador(s) de colunas** contiverem somente uma variável, as variáveis selecionadas não poderão ser as mesmas para ambos.

4. Opcionalmente, clique em **Critérios** para especificar as configurações de escala de ponderação e de valores omissos ou em **Imprimir** para especificar as configurações de formato de exibição e de tabulação cruzada.

Kappa ponderado: Critérios

O diálogo Critérios fornece opções para especificar a estimação das estatísticas kappa ponderado de Cohen.

Escala de ponderação

Fornece opções para especificar uma ponderação linear ou quadrática para concordância. O uso de peso linear (também conhecido como Cicchetti-Allison) é a configuração padrão.

Valores omissos

Fornecer opções para remover casos com valores omissos em uma base pairwise e tratar valores omissos do usuário como válidos.

As variáveis de classificação de sequência fazem distinção entre maiúsculas e minúsculas

Quando selecionada, as variáveis de sequência são tratadas como tendo distinção entre maiúsculas e minúsculas.

Intervalo de confiança assintótico (%)

Esta configuração opcional especifica o nível de confiança para a estimação dos intervalos de confiança assintóticos. Deve ser um valor duplo único entre 0 e 100 (95 é a configuração padrão).

Kappa ponderado: Impressão

O diálogo Impressão fornece opções para controlar as tabelas de tabulação cruzada.

Exibição e Formato

Fornecer opções para controlar a exibição e o formato da tabela de tabulação cruzada.

As categorias de classificação são exibidas em ordem crescente

Quando selecionada, as categorias de classificação nas tabelas de tabulação cruzada são exibidas em ordem crescente. Quando a configuração não é selecionada, as categorias de classificação nas tabelas de tabulação cruzada são exibidas em ordem decrescente. A configuração é ativada por padrão.

Os rótulos de categoria de sequência são exibidos em maiúsculas

Quando selecionada, as tabelas de tabulação cruzada são exibidas em maiúsculas. Quando a configuração não é selecionada, as tabelas de tabulação cruzada são exibidas em minúsculas. A configuração é ativada por padrão.

Tabulação cruzada

Fornecer opções para índice as variáveis de classificação que são usadas em tabulação cruzada. Por padrão, as configurações de tabulação cruzada não são ativadas, o que suprime a tabulação cruzada de quaisquer variáveis de classificação.

Exibir a tabulação cruzada de variáveis de classificação

Quando selecionada, esta configuração ativa a tabulação cruzada de todas ou das variáveis de classificação especificadas pelo usuário.

Incluir todas as variáveis de classificação

Quando selecionada, as tabelas de tabulação cruzada são impressas para todos os pares de variáveis de classificação definidos.

Incluir variáveis de classificação especificadas pelo usuário

Quando selecionada, use os campos **Variáveis disponíveis**, **Avaliadores de linhas** e **Avaliadores de colunas** para selecionar quais variáveis de classificação serão incluídas nas tabelas de tabulação cruzada.

Estatísticas de razão

O procedimento Estatísticas de Razão fornece uma lista abrangente de estatísticas básicas para descrever a razão entre duas variáveis de escala.

É possível classificar a saída por valores de uma variável de agrupamento em ordem crescente ou decrescente. O relatório de estatísticas de razão pode ser suprimido na saída, e os resultados podem ser salvos em um arquivo externo.

Exemplo:

Existe uma boa uniformidade na razão entre o preço de avaliação e o preço de venda de casas em cada um dos cinco estados? Na saída, você pode ver que a distribuição de razões varia consideravelmente de estado para estado.

Estatísticas

Mediana, média, média ponderada, intervalos de confiança, coeficiente de dispersão (COD), coeficiente de variação (COV), coeficiente de variação centrado na mediana, coeficiente de variação

centrado na média, viés relacionado ao preço (PRB), diferencial relacionado ao preço (PRD), desvio padrão, desvio médio absoluto (AAD), intervalo, valores mínimo e máximo e o índice de concentração calculado para um intervalo ou porcentagem especificada pelo usuário dentro da razão mediana.

Considerações de dados

Dados

Utilize códigos ou sequências de caracteres numéricos para codificar variáveis de agrupamento (níveis de medição nominais ou ordinais).

Suposições

As variáveis que definem o numerador e o denominador da razão devem ser variáveis de escala que aceitam valores positivos.

Obtendo estatísticas de razão

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Estatísticas Descritivas > Razão...

2. Selecione uma variável numeradora.

3. Selecione uma variável denominadora.

Opcionalmente:

- Selecione uma variável de agrupamento e especifique a ordem dos grupos nos resultados.
- Escolha se deseja exibir os resultados no Visualizador.
- Escolha incluir uma palavra-chave **N** no subcomando **PRINT**. A configuração inclui os tamanhos da amostra na tabela de estatísticas na saída.
- Escolha se deseja salvar os resultados em um arquivo externo para uso posterior, e especifique o nome do arquivo no qual os resultados são salvos.

Estatísticas de razão: estatísticas

Tendência central

Medidas de tendência central são estatísticas que descrevem a distribuição de razões.

Mediana

O valor desse número de razões menor que este valor e o número de razões maior que esse valor são os mesmos.

Média

O resultado da soma das razões e da divisão do resultado pelo número total de razões.

Média ponderada

O resultado da divisão da média do numerador pela média do denominador. A média ponderada também é a média das razões ponderadas pelo denominador.

Intervalos de confiança para o PRB e medidas de tendência central

Exibe intervalos de confiança para o PRB, a média, a mediana e a média ponderada (se solicitado). Especifique um valor que seja maior ou igual a 0 e menor que 100 como o nível de confiança. A configuração padrão é 95%.

Dispersão

Essas estatísticas medem a quantia de variação ou a dispersão, nos valores observados.

AAD

O desvio absoluto médio é o resultado da soma dos desvios absolutos das razões sobre a mediana e dividindo esse resultado pelo número total de razões.

COD

O coeficiente de dispersão é o resultado de expressar o desvio absoluto médio como uma porcentagem da mediana.

CV

CV indica o coeficiente de variação. É a razão entre o desvio padrão e a média. Os valores são expressos em porcentagens.

PRB

O viés relacionado ao preço. Um índice para saber se a avaliação para razões de preço é sistematicamente mais alta ou mais baixa para propriedades com preço mais alto. Retorna as diferenças de porcentagem em razões de avaliação por meio da razão mediana nos logaritmos de base 2 das medidas de proxy de valor calculadas como as médias de preços de venda e as razões de valores avaliados para a razão mediana. Fornece a mudança de porcentagem em razões de avaliação para uma mudança de 100 por cento em valor.

PRD

O diferencial relacionado a preços, também conhecido como o índice de regressividade, é o resultado da divisão da média pela média ponderada.

Desvio padrão

O desvio padrão é o resultado da soma dos desvios quadrados das razões sobre a média, dividindo o resultado pelo número total de razões menos um e obtendo a raiz quadrada positiva.

Intervalo

O intervalo é o resultado da subtração da razão mínima da razão máxima.

Mínimo

O mínimo é a menor razão.

Máximo

O máximo é a razão maior.

Índice de concentração

O coeficiente de concentração mede a porcentagem de razões que caem em um intervalo. Ele pode ser calculado de duas maneiras diferentes:

Entre proporções

Aqui o intervalo é definido explicitamente ao especificar os valores alto e baixo do intervalo. Insira os valores para a proporção baixa e proporção alta e clique em **Incluir** para obter um intervalo.

Dentro da porcentagem da mediana

Aqui o intervalo é definido implicitamente ao especificar a porcentagem da mediana. Insira um valor entre 0 e 100 e clique em **Incluir**. O término inferior do intervalo é igual a $(1 - 0,01 \times \text{valor}) \times \text{mediana}$, e o término superior é igual a $(1 + 0,01 \times \text{valor}) \times \text{mediana}$.

Gráfico P-P

O procedimento de gráficos P-P produz gráficos de probabilidade de uma ou mais variáveis de sequência ou série temporal. As variáveis podem ser padronizadas, diferenciadas e transformadas antes da plotagem.

As distribuições de teste disponíveis incluem beta, qui-quadrado, exponencial, gama, semi-normal, Laplace, logístico, Log-normal, normal, Pareto, t, Weibull e uniforme. Dependendo da distribuição selecionada, é possível especificar graus de liberdade e outros parâmetros.

- Você obtém gráficos de probabilidade para valores transformados. As opções de transformação incluem log natural, padronização de valores, diferença e diferença sazonal.
- É possível especificar o método para calcular as distribuições esperadas e para resolver "empates" (múltiplas observações com o mesmo valor).

Distribuição do teste

Especifique um tipo de distribuição para seus dados. A lista suspensa fornece as opções a seguir:

Beta

Distribuição beta. Os parâmetros shape1 e shape2 a e b devem ser positivos. Se eles não forem especificados, DISTRIBUTION os estimará a partir da média amostral e do desvio padrão amostral. Todas as observações devem estar no intervalo de 0 a 1, inclusive.

Qui-quadrado

Distribuição de qui-quadrado. Deve-se especificar os graus de liberdade (df). Não são permitidas observações negativas.

Exponencial

Distribuição exponencial. O parâmetro de escala a deve ser positivo. Se o parâmetro não for especificado, DISTRIBUTION o estima a partir da média da amostra. Não são permitidas observações negativas.

Gama

Distribuição de Gamma. Os parâmetros de forma e escala a e b devem ser positivos. Se eles não forem especificados, DISTRIBUTION os estimará a partir da média amostral e do desvio padrão amostral. Não são permitidas observações negativas.

Seminormal

Distribuição semi-normal. Os dados são considerados livres de localização ou centralizados. (Parâmetro de localização=0.) É possível especificar o parâmetro de escala a ou deixar DISTRIBUTION estimá-lo usando o método de máxima verossimilhança.

Laplace

Laplace ou distribuição exponencial dupla. LAPLACE recebe uma localização e um parâmetro de escala (a e b). O parâmetro de escala (b) deve ser positivo. Se os parâmetros não forem especificados, DISTRIBUTION os estima a partir da média amostral e do desvio padrão amostral.

Logística

Distribuição logística. LOGISTIC recebe uma localização e um parâmetro de escala (a e b). O parâmetro de escala (b) deve ser positivo. Se os parâmetros não forem especificados, DISTRIBUTION os estima a partir da média amostral e do desvio padrão amostral.

Log-normal

Distribuição logística. Os parâmetros de escala e forma a e b devem ser positivos. Se eles não forem especificados, DISTRIBUTION os estima a partir da média e do desvio padrão do logaritmo natural dos dados da amostra. Não são permitidas observações negativas.

Normal

Distribuição normal. O parâmetro de localização a pode ser qualquer valor numérico, enquanto o parâmetro de escala b deve ser positivo. Se eles não forem especificados, DISTRIBUTION os estimará a partir da média amostral e do desvio padrão amostral.

Pareto

Distribuição de pareto. Os parâmetros limite e de forma a e b devem ser positivos. Se não forem especificados, DISTRIBUTION assume que a é igual à observação mínima e estima b pelo método da máxima verossimilhança. Não são permitidas observações negativas.

T de Student

Distribuição t de aluno. Deve-se especificar os graus de liberdade (df).

Uniforme

Distribuição uniforme. UNIFORM recebe um parâmetro mínimo e máximo (a e b). O parâmetro a deve ser igual ou maior que b . Se os parâmetros não forem especificados, DISTRIBUTION os assume a partir dos dados de amostra.

Weibull

Distribuição de Weibull. Os parâmetros de escala e forma a e b devem ser positivos. Se eles não forem especificados, DISTRIBUTION os estima usando o método dos mínimos quadrados. Não são permitidas observações negativas.

Parâmetros de distribuição

Fornece estratégia de distribuição e opções de parâmetros.

Estimar a partir dos dados

Quando selecionada, esta configuração estima os parâmetros de distribuição com base nos dados e no tipo de distribuição selecionado.

Especificar

Quando selecionado, é possível especificar os parâmetros de distribuição para o tipo de distribuição selecionado.

Nota: Os parâmetros disponíveis variam de acordo com o tipo de distribuição selecionado.

Transformar

As opções fornecidas definem as configurações de transformação e periodicidade.

Transformação do log natural

Transforma os dados usando o logaritmo natural (base e) para remover amplitude variável.

Valores padronizados

Transforma as variáveis de sequência ou série temporal em uma amostra com média 0 e desvio padrão 1.

Diferença

Especifica o grau de diferenciação que é usado antes da plotagem para converter uma variável não estacionária em uma variável estacionária com média e variância constantes. Insira um valor apropriado no campo.

Diferença sazonal

Se a variável exibir um padrão sazonal ou periódico, é possível usar essa configuração para diferenciar sazonalmente a variável antes de plotar.

Nota: Essa configuração é habilitada somente quando uma variável de sequência ou série temporal, com periodicidade definida, é selecionada como uma das variáveis quantitativas.

Fórmula de estimação de proporção

As opções fornecidas definem a fórmula usada para estimar proporções.

de Blom

Cria uma nova variável de classificação com base nas estimativas de proporção que usam a fórmula $(r-3/8) / (w+1/4)$, em que w é a soma dos pesos dos casos e r é a classificação.

Rankit

Usa a fórmula $(r-1/2) / w$, em que w é o número de observações e r é a classificação, variando de 1 a w .

de Tukey

Usa a fórmula $(r-1/3) / (w+1/3)$, em que r é a classificação e w é a soma dos pesos de caso.

de Van der Waerden

A transformação de Van der Waerden, definida pela fórmula $r / (w+1)$, em que w é a soma dos pesos dos casos e r é a classificação, variando de 1 a w .

Classificação atribuída aos empates

As opções fornecidas controlam o método para determinar como lidar com valores de empate. A tabela a seguir mostra como os diferentes métodos atribuem classificações a valores vinculados.

Tabela 3. Métodos e resultados de ranqueamentos

Valor	Média	Baixo	Alto	Quebrar vínculos arbitrariamente
22	1	1	1	1
15	3	2	4	2
15	3	2	4	2
15	3	2	4	2
16	5	5	5	3
20	6	6	6	4

Obtendo gráficos de probabilidade P-P

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Estatísticas descritivas > Gráficos P-P...

2. Selecione uma ou mais variáveis numéricas e mova-as para o campo Variáveis.

3. Selecione uma distribuição de teste.

Opcionalmente, é possível selecionar opções de transformação para obter gráficos de probabilidade para valores transformados e especificar um método para calcular as distribuições esperadas.

Gráfico Q-Q

O procedimento de gráficos Q-Q produz gráficos de probabilidade para valores transformados. As distribuições de teste disponíveis incluem beta, qui-quadrado, exponencial, gama, semi-normal, Laplace, logístico, Log-normal, normal, Pareto, t, Weibull e uniforme. Dependendo da distribuição selecionada, é possível especificar graus de liberdade e outros parâmetros.

- Você obtém gráficos de probabilidade para valores transformados. As opções de transformação incluem log natural, padronização de valores, diferença e diferença sazonal.
- É possível especificar o método para calcular as distribuições esperadas e para resolver "empates" (múltiplas observações com o mesmo valor).

Distribuição do teste

Especifique um tipo de distribuição para seus dados. A lista suspensa fornece as opções a seguir:

Beta

Distribuição beta. Os parâmetros shape1 e shape2 a e b devem ser positivos. Se eles não forem especificados, DISTRIBUTION os estimará a partir da média amostral e do desvio padrão amostral. Todas as observações devem estar no intervalo de 0 a 1, inclusive.

Qui-quadrado

Distribuição de qui-quadrado. Deve-se especificar os graus de liberdade (df). Não são permitidas observações negativas.

Exponencial

Distribuição exponencial. O parâmetro de escala a deve ser positivo. Se o parâmetro não for especificado, DISTRIBUTION o estima a partir da média da amostra. Não são permitidas observações negativas.

Gama

Distribuição de Gamma. Os parâmetros de forma e escala a e b devem ser positivos. Se eles não forem especificados, DISTRIBUTION os estimará a partir da média amostral e do desvio padrão amostral. Não são permitidas observações negativas.

Seminormal

Distribuição semi-normal. Os dados são considerados livres de localização ou centralizados. (Parâmetro de localização=0.) É possível especificar o parâmetro de escala a ou deixar DISTRIBUTION estimá-lo usando o método de máxima verossimilhança.

Laplace

Laplace ou distribuição exponencial dupla. LAPLACE recebe uma localização e um parâmetro de escala (a e b). O parâmetro de escala (b) deve ser positivo. Se os parâmetros não forem especificados, DISTRIBUTION os estima a partir da média amostral e do desvio padrão amostral.

Logística

Distribuição logística. LOGISTIC recebe uma localização e um parâmetro de escala (a e b). O parâmetro de escala (b) deve ser positivo. Se os parâmetros não forem especificados, DISTRIBUTION os estima a partir da média amostral e do desvio padrão amostral.

Log-normal

Distribuição logística. Os parâmetros de escala e forma a e b devem ser positivos. Se eles não forem especificados, DISTRIBUTION os estima a partir da média e do desvio padrão do logaritmo natural dos dados da amostra. Não são permitidas observações negativas.

Normal

Distribuição normal. O parâmetro de localização a pode ser qualquer valor numérico, enquanto o parâmetro de escala b deve ser positivo. Se eles não forem especificados, DISTRIBUTION os estimará a partir da média amostral e do desvio padrão amostral.

Pareto

Distribuição de pareto. Os parâmetros limite e de forma a e b devem ser positivos. Se não forem especificados, DISTRIBUTION assume que a é igual à observação mínima e estima b pelo método da máxima verossimilhança. Não são permitidas observações negativas.

T de Student

Distribuição t de aluno. Deve-se especificar os graus de liberdade (df).

Uniforme

Distribuição uniforme. UNIFORM recebe um parâmetro mínimo e máximo (a e b). O parâmetro a deve ser igual ou maior que b . Se os parâmetros não forem especificados, DISTRIBUTION os assume a partir dos dados de amostra.

Weibull

Distribuição de Weibull. Os parâmetros de escala e forma a e b devem ser positivos. Se eles não forem especificados, DISTRIBUTION os estima usando o método dos mínimos quadrados. Não são permitidas observações negativas.

Parâmetros de distribuição

Fornece estratégia de distribuição e opções de parâmetros.

Estimar a partir dos dados

Quando selecionada, esta configuração estima os parâmetros de distribuição com base nos dados e no tipo de distribuição selecionado.

Especificar

Quando selecionado, é possível especificar os parâmetros de distribuição para o tipo de distribuição selecionado.

Nota: Os parâmetros disponíveis variam de acordo com o tipo de distribuição selecionado.

Transformar

As opções fornecidas definem as configurações de transformação e periodicidade.

Transformação do log natural

Transforma os dados usando o logaritmo natural (base e) para remover amplitude variável.

Valores padronizados

Transforma as variáveis de sequência ou série temporal em uma amostra com média 0 e desvio padrão 1.

Diferença

Especifica o grau de diferenciação que é usado antes da plotagem para converter uma variável não estacionária em uma variável estacionária com média e variância constantes. Insira um valor apropriado no campo.

Diferença sazonal

Se a variável exibir um padrão sazonal ou periódico, é possível usar essa configuração para diferenciar sazonalmente a variável antes de plotar.

Nota: Essa configuração é habilitada somente quando uma variável de sequência ou série temporal, com periodicidade definida, é selecionada como uma das variáveis quantitativas.

Fórmula de estimação de proporção

As opções fornecidas definem a fórmula usada para estimar proporções.

de Blom

Cria uma nova variável de classificação com base nas estimativas de proporção que usam a fórmula $(r-3/8) / (w+1/4)$, em que w é a soma dos pesos dos casos e r é a classificação.

Rankit

Usa a fórmula $(r-1/2) / w$, em que w é o número de observações e r é a classificação, variando de 1 a w .

de Tukey

Usa a fórmula $(r-1/3) / (w+1/3)$, em que r é a classificação e w é a soma dos pesos de caso.

de Van der Waerden

A transformação de Van der Waerden, definida pela fórmula $r/(w+1)$, em que w é a soma dos pesos dos casos e r é a classificação, variando de 1 a w .

Classificação atribuída aos empates

As opções fornecidas controlam o método para determinar como lidar com valores de empate. A tabela a seguir mostra como os diferentes métodos atribuem classificações a valores vinculados.

Tabela 4. Métodos e resultados de ranqueamentos

Valor	Média	Baixo	Alto	Quebrar vínculos arbitrariamente
22	1	1	1	1
15	3	2	4	2
15	3	2	4	2
15	3	2	4	2
16	5	5	5	3
20	6	6	6	4

Obtendo gráficos de probabilidade Q-Q

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Estatísticas descritivas > Gráficos Q-Q...

2. Selecione uma ou mais variáveis numéricas e mova-as para o campo Variáveis.

3. Selecione uma distribuição de teste.

Opcionalmente, é possível selecionar opções de transformação para obter gráficos de probabilidade para valores transformados e especificar um método para calcular as distribuições esperadas.

Análise de Característica de Operação do Receptor

A Análise de Característica de operação do receptor (ROC) é uma maneira útil de avaliar a precisão de predições do modelo, plotando a sensibilidade versus (1-especificidade) de um teste de classificação (conforme o limite varia em uma gama inteira de resultados de teste de diagnóstico). A área completa sob uma determinada curva ROC, ou AUC, formula uma estatística importante que representa a probabilidade de que a predição estará na ordem correta quando uma variável de teste for observada (para um sujeito que é selecionado aleatoriamente do grupo de casos e o outro selecionado aleatoriamente do grupo de controle). A Análise de ROC suporta a inferência relacionada a curvas de um único AUC, de precisão-rechamada (PR) e fornece opções para comparar duas curvas ROC que são geradas a partir de grupos independentes ou de assuntos pareados.

O antigo procedimento de Curva ROC suporta a inferência estatística sobre uma única curva ROC. Isso também pode ser recuperado pelo novo procedimento de Análise de ROC. Além disso, o novo procedimento de Análise de ROC pode comparar duas curvas ROC geradas a partir de grupos independentes ou de assuntos empardos.

As curvas PR plotam precisão versus rechamada, tendem a ser mais informativas quando as amostras de dados observadas estão altamente defasadas e fornecem uma alternativa a curvas ROC para dados com uma grande defasagem na distribuição de classes.

Exemplo:

É de interesse de um banco classificar corretamente clientes nos clientes que serão e que não serão inadimplentes em seus empréstimos; portanto, são desenvolvidos modelos especiais para tomar essas decisões. A Análise de ROC pode ser usada para avaliar a precisão das predições do modelo.

Estatísticas

AUC, grupo negativo, valores omissos, classificação positiva, valor de corte, força de convicção, intervalo de confiança assintótica bilateral, distribuição, erro padrão, design de grupo independente, design de amostra pareado, suposição não paramétrica, suposição de distribuição exponencial binegativa, ponto médio, ponto de corte, curva PR, interpolação stepwise, significância assintótica (bicaudal), Sensibilidade e (1-Especificidade), Precisão e Rechamada.

Métodos

São comparadas as áreas sob duas curvas ROC, que são geradas de grupos independentes ou de assuntos pareados. A comparação de duas curvas ROC pode fornecer informações adicionais na precisão resultante de duas abordagens de diagnóstico comparativas.

Considerações sobre dados de Análise de ROC

Dados

As curvas PR plotam Precisão versus Rechamada e tendem a ser mais informativas quando as amostras de dados observadas estão altamente defasadas. Uma interpolação linear simples pode gerar erroneamente uma estimativa excessivamente otimista de uma curva PR.

Suposições

A predição estará na ordem correta quando uma variável de teste for observada para um assunto selecionado aleatoriamente do grupo de caso e o outro selecionado aleatoriamente do grupo de controle. Cada grupo definido conterá pelo menos uma observação válida. Somente uma única variável de agrupamento é usada para um único procedimento.

Obtendo uma Análise de ROC

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Classificar > Análise de ROC

2. Selecione um ou mais **Variável de teste** para testar variáveis de probabilidade.

3. Selecione um **Estado variável**.

4. Identifique o *positivo* **Valor da Variável de Estado**.

5. Opcionalmente, selecione a opção **Design de amostra pareado** ou selecione uma única variável de agrupamento (não é possível selecionar ambas as opções).

- Use a configuração **Design de amostra pareado** para solicitar o design de amostra pareado para a variável ou variáveis de teste. O design de amostra pareado compara duas curvas ROC em um cenário de amostra pareado quando diversos valores de teste são medidos nos mesmos assuntos que estão associados a uma variável de estado.

Nota: Quando **Design de amostra pareado** é selecionado, as opções **Variável de agrupamento** e **Suposição de distribuição** (no diálogo Opções) são desativadas.

- Quando uma variável de agrupamento numérico é selecionada, você pode clicar em **Definir Grupos ...** para solicitar o design de grupo independente para a (s) variável (s) de teste (s), e para especificar dois valores, um ponto intermediário ou um ponto de corte.

6. Opcionalmente, clique em **Opções** para definir as configurações de classificação, de direção de teste, de parâmetros de erro padrão e de valores omissos.

7. Opcionalmente, clique em **Exibir** para definir as configurações de plotagem e impressão (que incluem as configurações da Curva ROC, da Curva de Precisão-Rechamada e de qualidade de modelo).

8. Clique em **OK**.

Análise de Característica de Operação do Receptor: Opções

É possível especificar as seguintes opções para sua análise ROC:

Classificação

Permite especificar se o valor de corte deve ser incluído ou excluído ao criar uma classificação *positiva*. Esta configuração atualmente não tem nenhum efeito na saída.

Direção do teste

Fornece opções para especificar qual direção da variável de resultado de teste indica aumento de força de convicção de que o assunto é teste positivo.

Parâmetros para o erro padrão da área

Permite especificar o método para estimar o erro padrão da área abaixo da curva. Os métodos disponíveis são não paramétricos e exponenciais binerativos. A configuração padrão **Não paramétrico** fornece estimativas sob a suposição não paramétrica. A configuração **Exponencial binerativa** fornece estimativas sob a suposição de distribuição exponencial binerativa.

A seção também permite especificar o nível de confiança para o intervalo de confiança assintótico bilateral do AUC. O intervalo disponível é de 0,0% a 100,0% (o valor padrão é 95%).

Nota: A configuração se aplica somente ao design de grupo independente e não tem efeito no design de amostra pareada.

Valores omissos

Permite especificar como os valores omissos são manipulados. Quando a configuração não é selecionada, os valores omissos do usuário e os valores omissos do sistema são excluídos. Quando a configuração é selecionada, os valores omissos do usuário são tratados como válidos e os valores omissos do sistema são excluídos. Os casos com valores omissos do sistema, na variável de teste ou na variável de estado, são sempre excluídos da análise.

Análise de Característica de Operação do Receptor: Exibição

É possível especificar as seguintes configurações de exibição para sua análise de Característica de Operação do Receptor:

Gráfico

Fornece opções para plotar as curvas ROC e de Precisão-Rechamada.

Curva ROC

Quando selecionada, o gráfico Curva ROC é exibido na saída. Selecione **Com linha de referência diagonal** para desenhar uma linha de referência diagonal no gráfico de Curva ROC.

Curva de Precisão-Rechamada

Quando selecionada, o gráfico de Curva de Precisão-Rechamada é exibido na saída. As Curvas de Precisão-Rechamada tendem a ser mais informativas quando as amostras de dados observadas estão altamente defasadas e fornecem uma alternativa às Curvas ROC para dados com uma grande defasagem na distribuição de classe. A configuração padrão **Interpolar nos positivos verdadeiros** faz a interpolação stepwise nos positivos verdadeiros. A configuração **Interpolar nos falsos positivos** faz a interpolação stepwise nos falsos positivos.

Qualidade modelo global

A configuração controla se um gráfico de barras é criado ou não para exibir o valor do limite inferior do intervalo de confiança do AUC estimado. Por padrão, a configuração não é selecionada, o que suprime o gráfico de barras.

Imprimir

Fornece opções para definir a saída para as estatísticas correspondentes.

Erro padrão e intervalo de confiança

A configuração controla quais estatísticas são exibidas na tabela "Área sob a curva". Quando a configuração não é selecionada, somente o AUC estimado é exibido. Quando a configuração é selecionada, as estatísticas adicionais são exibidas, incluindo o erro padrão do AUC, a significância assintótica (bicaudal) e os limites de intervalo de confiança assintótico sob a hipótese nula.

Pontos de coordenadas da curva ROC

A configuração controla os pontos de coordenadas da curva ROC, junto com os valores de corte. Quando a configuração não é selecionada, a saída dos pontos de coordenadas é suprimida.

Quando a configuração for selecionada, os pares de valores de Sensibilidade e (1-Especificidade) serão fornecidos com os valores de corte para cada curva ROC.

Índice do Youden

Exibe o valor do Índice de Youden para cada valor de corte da curva ROC.

Pontos de coordenadas da curva de Precisão-Rechamada

A configuração controla os pontos de coordenadas da curva de Precisão-Rechamada, junto com os valores de corte. Quando a configuração não é selecionada, a saída dos pontos de coordenadas é suprimida. Quando a configuração for selecionada, os pares de valores de Precisão e Rechamada serão fornecidos com os valores de corte para cada curva de Precisão-Rechamada.

Métricas de avaliação do classificador

A configuração controla a exibição da tabela Métricas de avaliação do classificador na saída. A tabela mostra como um modelo de classificação ajusta os dados em comparação com uma designação aleatória e fornece as seguintes informações:

- As variáveis de teste especificadas pelo usuário
- Informações sobre o grupo
- Índice de Gini (o índice de Gini é $2 \times \text{AUC} - 1$, em que AUC é a área sob a curva ROC)
- Valores máximos de K-S e de corte

Análise de ROC: Definir grupos (sequência)

Para variáveis de agrupamento de sequências de caracteres, insira uma sequência de caracteres para o Grupo 1 e outro valor para o Grupo 2, como *yes* e *no*. Casos com outras sequências de caracteres são excluídos da análise.

Nota: Os valores especificados devem existir na variável, caso contrário, será exibida uma mensagem de erro, indicando que pelo menos um dos grupos está vazio.

Análise de ROC: Definir grupos (numéricos)

Para variáveis de agrupamento numéricas, defina os dois grupos para o teste *t* especificando dois valores, um ponto médio ou um ponto de corte.

Nota: Os valores especificados devem existir na variável, caso contrário, será exibida uma mensagem de erro, indicando que pelo menos um dos grupos está vazio.

- **Utilizar valores especificados.** Insira um valor para o Grupo 1 e outro valor para o Grupo 2. Casos com quaisquer outros valores são excluídos da análise. Os números não precisam ser inteiros (por exemplo, 6,25 e 12,5 são válidos).
- **Usar valor do ponto médio.** Quando selecionado, os grupos são separados em valores de ponto médio $<$ e \geq .
- **Usar ponto de corte.**
 - **Ponto de Corte.** Insira um número que divide os valores da variável de agrupamento em dois conjuntos. Todos os casos com valores que forem menores que o ponto de corte formam um grupo, e os casos com valores que forem maiores ou iguais ao ponto de corte formam o outro grupo.

Curva ROC

Este procedimento é uma maneira útil para avaliar o desempenho de esquemas de classificação em que existe uma variável com duas categorias pelas quais os assuntos são classificados.

Nota: Versão 29.0.1 em diante, os menus e caixas de diálogo do comando ROC são removidos e este comando fica disponível apenas como sintaxe.

Exemplo, Um banco deseja classificar corretamente quais clientes irão ou não ficar inadimplentes com seus empréstimos, de modo que métodos especiais são desenvolvidos para tomar essas decisões. As curvas ROC podem ser utilizadas para avaliar o grau de desempenho destes métodos.

Estatísticas. Área sob a curva ROC com um intervalo de confiança e pontos de coordenadas da curva ROC. Gráficos: curva ROC.

Métodos. A estimativa da área sob a curva ROC pode ser calculada de modo paramétrico ou não paramétrico usando um modelo exponencial binomial.

Considerações de Dados da Curva ROC

O antigo procedimento de Curva ROC suporta a inferência estatística sobre uma única curva ROC. Isso também pode ser recuperado pelo novo procedimento de Análise de ROC. Além disso, o novo procedimento de Análise de ROC pode comparar duas curvas ROC geradas a partir de grupos independentes ou de assuntos emparrados.

Dados. As variáveis de teste são quantitativas. As variáveis de teste são geralmente compostas de probabilidades de análise discriminante ou de regressão logística, ou compostas de escores em uma escala arbitrária indicando a "intensidade de convicção" de um avaliador de que um assunto se enquadre em uma ou outra categoria. A variável de estado pode ser de qualquer tipo e indica a categoria real à qual um assunto pertence. O valor da variável de estado indica qual categoria deve ser considerada *positiva*.

Suposições. Supõe-se que números maiores na escala do avaliador representam uma crença maior de que o assunto pertence a uma categoria, ao passo que números menores na escala representam uma crença maior de que o assunto pertence à outra categoria. O usuário deve escolher qual direção é *positiva*. Também supõe-se que a categoria *real* à qual cada assunto pertence é conhecida.

Para obter uma curva ROC

1. Nos menus escolha: **Analisar > Classificar > Análise ROC...**
2. Selecione um ou mais **Variável de teste**.
3. Selecione um **Estado variável**.
4. Identifique o valor de *positivo* para a variável de estado.
5. Clique **Mostrar**, selecione **Curva ROC** e **Com linha de referência diagonal**, se necessário.
6. Clique em **Continuar**

Opções de Curva ROC

É possível especificar as seguintes opções para sua análise ROC:

Classificação

Permite especificar se o valor de corte deve ser incluído ou excluído ao criar uma classificação *positiva*. Esta configuração atualmente não tem nenhum efeito na saída.

Direção do teste

Permite especificar a direção da escala com relação à categoria *positiva*.

Parâmetros para o erro padrão da área

Permite especificar o método para estimar o erro padrão da área abaixo da curva. Os métodos disponíveis são exponenciais 'não paramétricos' e 'bi-negativos'. Além disso, permite configurar o nível para o intervalo de confiança. O intervalo disponível é de 50,1% a 99,9%.

Valores omissos

Permite especificar como os valores omissos são manipulados.

Simulação

Modelos preditivos, como regressão linear, requerem um conjunto de entradas conhecidas para prever um valor de resultado ou de resposta. Em muitas aplicações no mundo real, no entanto, os valores de entradas são incertos. A simulação permite considerar a incerteza nas entradas para modelos preditivos e avaliar a probabilidade de vários resultados do modelo na presença de uma incerteza. Por exemplo, você tem um modelo de lucro que inclui o custo de materiais como uma entrada, mas há uma incerteza desse custo devido à volatilidade do mercado. É possível usar simulação para modelar essa incerteza e determinar o efeito que isso causa no lucro.

A simulação no IBM SPSS Estatísticas utiliza o método de Monte Carlo. Entradas incertas são modeladas com as distribuições de probabilidade (como a distribuição triangular), e valores simulados para essas entradas são gerados ao desenhar a partir dessas distribuições. Entradas cujos valores são conhecidos são mantidas fixas nos valores conhecidos. O modelo preditivo é avaliado utilizando um valor simulado para cada entrada incerta e valores fixos para as entradas conhecidas para calcular a resposta (ou respostas) do modelo. O processo é repetido muitas vezes (normalmente dezenas ou centenas de milhares de vezes), resultando em uma distribuição de valores de resposta que podem ser usados para responder perguntas de uma natureza probabilística. No contexto do IBM SPSS Estatísticas, cada repetição do processo gera um caso separado (registro) de dados que consiste no conjunto de valores simulados para as entradas incertas, nos valores das entradas fixas e na resposta (ou respostas) previstas do modelo.

Também é possível simular dados na ausência de um modelo preditivo ao especificar distribuições de probabilidade para variáveis que devem ser simuladas. Cada caso de dados gerado consiste no conjunto de valores simulados para as variáveis especificadas.

Para executar uma simulação, é necessário especificar detalhes como o modelo preditivo, as distribuições de probabilidade para as entradas incertas, as correlações entre essas entradas e os valores para quaisquer entradas fixas. Após ter especificado todos os detalhes para uma simulação, será possível executá-la e, opcionalmente, salvar as especificações em um arquivo de **plano de simulação**. É possível compartilhar o plano de simulação com outros usuários que, em seguida, poderão executar a simulação sem a necessidade de entender os detalhes de como ela foi criada.

Duas interfaces estão disponíveis para trabalhar com simulações. O Construtor de Simulação é uma interface avançada para usuários que estiverem projetando e executando simulações. Ele fornece o conjunto completo de capacidades para projetar uma simulação, salvar as especificações em um arquivo de plano de simulação, especificar a saída e executar a simulação. É possível construir uma simulação com base em um arquivo de modelo do IBM SPSS ou em um conjunto de equações customizadas que você define no Construtor de Simulação. Também é possível carregar um plano de simulação existente no Construtor de Simulação, modificar qualquer uma das configurações e executar a simulação e, opcionalmente, salvar o plano atualizado. Para os usuários que possuem um plano de simulação e sobretudo desejarem executar a simulação, uma interface mais simples está disponível. Com ela é possível modificar as configurações que permitem executar a simulação sob diferentes condições, mas não fornece os recursos completos do Construtor de Simulação para projetar simulações.

Para designar uma simulação baseada em um arquivo de modelo

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Simulação...

2. Clique em **Selecionar arquivo de modelo SPSS** e clique em **Continuar**.
3. Abra o arquivo de modelo.

O arquivo de modelo é um arquivo XML que contém o modelo PMML criado a partir do IBM SPSS Estatísticas ou IBM SPSS Modeler. Consulte o tópico [“Guia Modelo” na página 270](#) para obter mais informações.

4. Na guia Simulação (no Construtor de Simulação), especifique as distribuições de probabilidade para entradas e valores simulados para entradas fixas. Se o conjunto de dados ativo contém dados históricos para as entradas simuladas, clique em **Ajustar todos** para determinar automaticamente a distribuição que melhor ajusta os dados a cada entrada, bem como determinar as correlações entre eles. Para cada entrada simulada que não está sendo ajustada para dados históricos, deve-se especificar explicitamente uma distribuição selecionando um tipo de distribuição e inserindo os parâmetros necessários.
5. Clique em **Executar** para executar a simulação. Por padrão, o plano de simulação, especificando os detalhes da simulação, é salvo no local especificado nas configurações de Salvar.

As opções a seguir estão disponíveis:

- Modificar o local para o plano de simulação salvo.

- Especificar correlações conhecidas entre entradas simuladas.
- Calcular automaticamente uma tabela de contingência de associações entre entradas categóricas e utilizar essas associações quando os dados forem gerados para essas entradas.
- Especificar análise de sensibilidade para investigar o efeito de variar o valor de uma entrada fixa ou de variar um parâmetro de distribuição para uma entrada simulada.
- Especificar opções avançadas como configurar o número máximo de casos para gerar ou solicitar amostragem de causa.
- Customizar saída.
- Salve os dados simulados em um arquivo de dados.

Para designar uma simulação baseada em equações customizadas

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Simulação...

2. Clique em **Tipo em equações** e clique em **Continuar**.
3. Clique em **Nova equação** na guia Modelo (no Construtor de Simulação) para definir cada equação em seu modelo preditivo.
4. Clique na guia Simulação e especifique as distribuições de probabilidade para entradas e valores simulados para entradas fixas. Se o conjunto de dados ativo contém dados históricos para as entradas simuladas, clique em **Ajustar todos** para determinar automaticamente a distribuição que melhor ajusta os dados a cada entrada, bem como determinar as correlações entre eles. Para cada entrada simulada que não está sendo ajustada para dados históricos, deve-se especificar explicitamente uma distribuição selecionando um tipo de distribuição e inserindo os parâmetros necessários.
5. Clique em **Executar** para executar a simulação. Por padrão, o plano de simulação, especificando os detalhes da simulação, é salvo no local especificado nas configurações de Salvar.

As opções a seguir estão disponíveis:

- Modificar o local para o plano de simulação salvo.
- Especificar correlações conhecidas entre entradas simuladas.
- Calcular automaticamente uma tabela de contingência de associações entre entradas categóricas e utilizar essas associações quando os dados forem gerados para essas entradas.
- Especificar análise de sensibilidade para investigar o efeito de variar o valor de uma entrada fixa ou de variar um parâmetro de distribuição para uma entrada simulada.
- Especificar opções avançadas como configurar o número máximo de casos para gerar ou solicitar amostragem de causa.
- Customizar saída.
- Salve os dados simulados em um arquivo de dados.

Para designar uma simulação sem um modelo preditivo

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Simulação...

2. Clique em **Criar dados simulados** e clique em **Continuar**.
3. Na guia Modelo (no Construtor de Simulação), selecione os campos que você deseja simular. É possível selecionar campos a partir do conjunto de dados ativo ou definir novos campos clicando em **Novo**.
4. Clique na guia de Simulação e especifique as distribuições de probabilidade para os campos que devem ser simulados. Se o conjunto de ativo contém dados históricos para qualquer um desses campos, clique em **Ajustar todos** para determinar automaticamente a distribuição que melhor ajusta os dados e para determinar as correlações entre os campos. Para campos que não se ajustam aos

para dados históricos, deve-se especificar explicitamente uma distribuição, selecionando um tipo de distribuição e inserindo os parâmetros necessários.

5. Clique em **Executar** para executar a simulação. Por padrão, os dados simulados são salvos no novo conjunto de dados especificados nas configurações de Salvar. Além disso, o plano de simulação, que especifica os detalhes da simulação, é salvo no local especificado nas configurações de Salvar.

As opções a seguir estão disponíveis:

- Modifique o local para os dados simulados ou o plano de simulação salvo.
- Especifique as correlações conhecidas entre campos simulados conhecidos.
- Calcule automaticamente uma tabela de contingência de associações entre campos categóricos e use essas associações quando os dados são gerados para esses campos.
- Especifique a análise de sensibilidade para investigar o efeito de variar um parâmetro de distribuição para um campo simulado.
- Especifique opções avançadas, como definir o número de casos para gerar.

Para executar uma simulação a partir de um plano de simulação

Duas opções estão disponíveis para executar uma simulação a partir de um plano de simulação. É possível usar o diálogo Executar Simulação, que é designado principalmente para executar a partir de um plano de simulação, ou é possível usar o Construtor de Simulação.

Para usar o diálogo Executar Simulação:

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Simulação...

2. Clique em **Abrir um plano de simulação existente**.
3. Certifique-se de que caixa de seleção **Abrir no Construtor de Simulação** não esteja marcada e clique em **Continuar**.
4. Abra o plano de simulação.
5. Clique em **Executar** no diálogo Executar Simulação.

Para executar a simulação a partir do Construtor de Simulação:

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Simulação...

2. Clique em **Abrir um plano de simulação existente**.
3. Marque a caixa de seleção **Abrir no Construtor de Simulação** e clique em **Continuar**.
4. Abra o plano de simulação.
5. Modifique quaisquer configurações que você deseja modificar na guia Simulação.
6. Clique em **Executar** para executar a simulação.

Opcionalmente, é possível fazer o seguinte:

- Configurar ou modificar análise de sensibilidade para investigar o efeito de variar o valor de uma entrada fixa ou variar um parâmetro de distribuição para uma entrada simulada.
- Reajuste as distribuições e correlações para entradas simuladas para novos dados.
- Altere a distribuição para uma entrada simulada.
- Customizar saída.
- Salve os dados simulados em um arquivo de dados.

Construtor de Simulação

O Construtor de Simulação fornece o conjunto completo de capacidades para projetar e executar simulações. Permite executar as seguintes tarefas gerais:

- Projetar e executar uma simulação para um modelo do IBM SPSS definido em um arquivo de modelo PMML.
- Projetar e executar uma simulação para um modelo preditivo definido por um conjunto de equações customizadas que você especificar.
- Projetar e executar uma simulação que gera dados na ausência de um modelo preditivo.
- Executar uma simulação com base em um plano de simulação existente, opcionalmente modificando quaisquer configurações do plano.

Guia Modelo

Para simulações com base em um modelo preditivo, a guia Modelo especifica a origem do modelo. Para simulações que não incluem um modelo preditivo, a guia Modelo especifica os campos que devem ser simulados.

Selecione um arquivo de modelo SPSS. Esta opção especifica que o modelo preditivo é definido em um arquivo de modelo do IBM SPSS. Um arquivo de modelo do IBM SPSS é um arquivo XML ou um archive compactado (arquivo .zip) que contém o modelo PMML criado a partir do IBM SPSS Estatísticas ou do IBM SPSS Modeler. Os modelos preditivos são criados por procedimentos, como Regressão Linear e Árvores de Decisão, no IBM SPSS Estatísticas e podem ser exportados em um arquivo de modelo. É possível utilizar um arquivo de modelo diferente clicando em **Procurar** e navegando para o arquivo desejado.

Modelos PMML suportados por Simulação

- Regressão linear
- Modelo Linear Automático
- Modelo linear generalizado
- Modelo Linear Generalizado Misto
- Modelo linear geral
- Regressão logística binária
- Regressão logística multinomial
- Regressão Multnomial Ordinal
- Regressão de Cox
- Árvore
- Árvore Impulsionada (C5)
- Discriminante
- Clusterização em duas etapas
- Cluster por K-médias
- Rede Neural
- Conjunto de regras (lista de decisão)

Nota:

- Os modelos PMML que possuem diversos campos de destino (variáveis) ou divisões não são suportados para uso em Simulação.
- Os valores das entradas de sequência de caracteres para modelos de regressão logística binários estão limitados a 8 bytes no modelo. Se estiver ajustando essas entradas de sequência de caracteres para o conjunto de dados ativo, certifique-se de que os valores nos dados não excedam 8 bytes de comprimento. Os valores de dados que excederem 8 bytes são excluídos da distribuição categórica associada para a entrada e são exibidos como não correspondentes na tabela de saída Categorias Não Correspondentes.

Tipo nas equações para o modelo. Esta opção especifica que o modelo preditivo consiste em uma ou mais equações customizadas a serem criadas por você. Crie equações clicando em **Nova Equação**. Isto

abre o Editor de Equação. É possível modificar equações existentes, copiá-las para utilizar como modelos para novas equações, reordená-las e excluí-las.

- O Construtor de Simulação não suporta sistemas de equações simultâneas ou equações que não são lineares na variável de destino.
- As equações customizadas são avaliadas na ordem em que elas são especificadas. Se a equação para uma determinada resposta depender de outra resposta, então a outra resposta deverá ser definida por uma equação anterior.

Por exemplo, dado o conjunto de três equações a seguir, a equação para *profit* depende dos valores de *revenue* e *expenses*, de modo que as equações para *revenue* e *expenses* devem preceder a equação para *profit*.

`revenue = price*volume`

`expenses = fixed + volume*(unit_cost_materials + unit_cost_labor)`

`profit = revenue - expenses`

Criar dados simulados sem um modelo. Selecione esta opção para simular dados sem um modelo preditivo. Especifique os campos que devem ser simulados selecionando campos do conjunto de dados ativo ou clicando em **Novo** para definir novos campos.

Editor de Equação

O Editor de Equação permite criar ou modificar uma equação customizada para seu modelo preditivo.

- A expressão para a equação pode conter campos do conjunto de dados ativo ou novos campos de entrada que você define no Editor de Equação.
- É possível especificar propriedades da resposta como seu nível de medição, rótulos de valor e se a saída é gerada para a resposta.
- É possível utilizar respostas de equações definidas anteriormente como entradas para a equação atual, permitindo criar equações acopladas.
- É possível anexar um comentário descritivo na equação. Os comentários são exibidos junto da equação na guia Modelo.

1. Insira o nome da resposta. Opcionalmente, clique em **Editar** na caixa de texto Resposta para abrir o diálogo Entradas Definidas, permitindo alterar as propriedades padrão da resposta.

2. Para construir uma expressão, cole componentes no campo Expressão Numérica ou digite diretamente no campo Expressão Numérica.

- É possível construir sua expressão utilizando campos do conjunto de dados ativo ou definir novas entradas clicando no botão **Novo**. Isso abre o diálogo Definir Entradas.
- É possível colar funções selecionando um grupo da lista de grupos Função e dando um clique duplo na função na lista Funções (ou selecione a função e clique na seta adjacente à lista de grupos Função). Insira quaisquer parâmetros indicados por pontos de interrogação. O grupo de funções rotulado como **Tudo** fornece uma lista de todas as funções disponíveis. Uma breve descrição da função selecionada atualmente é exibida em uma área reservada na caixa de diálogo.
- Constantes da sequência devem ser colocadas entre aspas.
- Se os valores contiverem decimais, (.) deve ser usado como o indicador decimal.

Nota: A simulação não suporta equações customizadas com respostas de sequência de caracteres.

Entradas Definidas

O diálogo Entradas Definidas permite definir novas entradas e configurar propriedades para respostas.

- Se uma entrada a ser utilizada em uma equação não existir no conjunto de dados ativos, ela deverá ser definida antes de poder ser utilizada na equação.
- Se estiver simulando dados sem um modelo preditivo, deve-se definir todas as entradas simuladas que não existirem no conjunto de dados ativo.

Nome. Especifique o nome para uma resposta ou entrada.

Destino. Também é possível especificar um nível de medição para uma resposta. O nível de medição padrão é contínuo. Também é possível especificar se a saída será criada para esta resposta. Por exemplo, para um conjunto de equações acopladas, talvez você esteja interessado somente na saída da resposta para a equação final, de modo que você suprima a saída das outras respostas.

Entrada a ser simulada. Isso especifica que os valores da entrada serão simulados de acordo com uma distribuição de probabilidade especificada (a distribuição de probabilidade é especificada na guia Simulação). O nível de medição determina o conjunto padrão de distribuições que são consideradas ao localizar a distribuição que melhor ajusta os dados para a entrada (ao clicar em **Ajustar** ou **Ajustar Tudo** na guia Simulação). Por exemplo, se o nível de medição for contínuo, então a distribuição normal (apropriada para dados contínuos) será considerada, mas a distribuição binomial não.

Nota: Selecione um nível de medição de String para entradas de sequência de caracteres. As entradas de sequência que devem ser simuladas são restritas à Distribuição Categórica.

Entrada de valor fixo. Isso especifica que o valor da entrada é conhecido e será fixo no valor conhecido. Entradas fixas podem ser numéricas ou sequência de caracteres. Especifique um valor para a entrada fixa. Os valores de sequência não devem ser colocados entre aspas.

Rótulos de valor. É possível especificar rótulos de valor para respostas, entradas simuladas e entradas fixas. Rótulos de valor são utilizados nos gráficos e tabelas de saída.

Guia Simulação

A guia Simulação especifica todas as propriedades da simulação que são diferentes do modelo preditivo. É possível executar as seguintes tarefas gerais na guia Simulação:

- Especificar distribuições de probabilidade para as entradas simuladas e valores para entradas fixas.
- Especificar as correlações entre as entradas simuladas. Para as entradas categóricas, é possível especificar que as associações que existem entre essas entradas no conjunto de dados ativo são usadas quando os dados são gerados para essas entradas.
- Especificar opções avançadas, como a amostragem de rodapé e os critérios para ajustar as distribuições para dados históricos.
- Customizar saída.
- Especificar onde salvar o plano de simulação e, opcionalmente, salvar os dados simulados.

Campos Simulados

Para executar uma simulação, cada campo de entrada deve ser especificado como fixo ou simulado. Entradas simuladas são aquelas cujos valores são incertos e serão geradas ao desenhar a partir de uma distribuição de probabilidade especificada. Quando os dados históricos estão disponíveis para as entradas a serem simuladas, as distribuições que melhor se ajustarem aos dados podem ser determinadas automaticamente, junto de quaisquer correlações entre essas entradas. Também é possível especificar manualmente distribuições ou correlações se os dados históricos não estiverem disponíveis ou se você precisar de distribuições ou correlações específicas.

Entradas fixas são aquelas cujos valores são conhecidos e que permanecem constantes para cada caso gerado na simulação. Por exemplo, você possui um modelo de regressão linear para vendas como uma função de um número de entradas que incluem preço, e você deseja manter o preço fixo ao preço de mercado atual. Você então especifica o preço como uma entrada fixa.

Para simulações com base em um modelo preditivo, cada um preditor no modelo é um campo de entrada para a simulação. Para simulações que não incluem um modelo preditivo, os campos que são especificados na guia Modelo são as entradas para a simulação.

Ajustando automaticamente as distribuições e calculando as correlações para as entradas simuladas. Se o conjunto de dados ativo contiver dados históricos para as entradas que deseja simular, então será possível localizar automaticamente as distribuições que melhor ajustam os dados para essas entradas, além de determinar quaisquer correlações entre elas. As etapas são as seguintes:

1. Verifique se cada uma das entradas que deseja simular é correspondida com o campo correto no conjunto de dados ativo. As entradas são listadas na coluna de entrada e a coluna Ajustar a exibe o campo correspondente no conjunto de dados ativo. É possível corresponder uma entrada a um campo diferente no conjunto de dados ativo ao selecionar um item diferente na lista suspensa Ajustar a.

Um valor de *-None-* na coluna Ajustar a indica que a entrada não pôde ser correspondida automaticamente a um campo no conjunto de dados ativo. Por padrão, as entradas são correspondidas aos campos de conjunto de dados por nome, nível de medição e tipo (numérico ou sequência de caracteres). Se o conjunto de dados ativo não contiver dados históricos para a entrada, então especifique manualmente a distribuição para a entrada ou especifique a entrada como uma entrada fixa, conforme descrito abaixo.

2. Clique em **Ajustar Tudo**.

A distribuição de ajuste mais próxima e seus parâmetros associados são exibidos na coluna Distribuição junto de um gráfico da distribuição sobreposta em um histograma (ou gráfico de barras) dos dados históricos. As correlações entre entradas simuladas são exibidas nas configurações de Correlações. É possível examinar os resultados do ajuste e customizar o ajuste de distribuição automático para uma entrada específica ao selecionar a linha para a entrada e clicar em **Detalhes do Ajuste**. Consulte o tópico [“Detalhes do Ajuste”](#) na página 275 para obter mais informações.

É possível executar ajuste de distribuição automático para uma entrada específica ao selecionar a linha para a entrada e clicar em **Ajustar**. Correlações para todas as entradas simuladas que correspondem aos campos no conjunto de dados ativo também são calculadas automaticamente.

Nota:

- Casos com valores omissos para qualquer entrada simulada são excluídos do ajuste de distribuição, do cálculo de correlações e do cálculo da tabela de contingência opcional (para entradas com uma distribuição Categórica). Opcionalmente, é possível especificar se valores omissos de usuário de entradas com uma Distribuição Categórica são tratados como válidos. Por padrão, eles são tratados como omissos. Para obter mais informações, consulte o tópico [“Opções Avançadas”](#) na página 276.
- Para entradas contínuas e ordinais, se um ajuste aceitável não puder ser localizado para nenhuma das distribuições testadas, então a distribuição Empírica será sugerida como o ajuste mais próximo. Para entradas contínuas, a distribuição Empírica é a função de distribuição cumulativa dos dados históricos. Para entradas ordinais, a distribuição Empírica é a distribuição categórica dos dados históricos.

Especificando distribuições manualmente. É possível especificar manualmente a distribuição de probabilidade para qualquer entrada simulada ao selecionar a distribuição na lista suspensa **Tipo** e inserir os parâmetros de distribuição na grade Parâmetros. Após ter inserido os parâmetros para uma distribuição, um gráfico de amostra da distribuição, com base nos parâmetros especificados, será exibido ao lado da grade Parâmetros. A seguir há algumas notas sobre distribuições específicas:

- **Categórico.** A distribuição categórica descreve um campo de entrada que possui um número fixo de valores, referidos como categorias. Cada categoria possui uma probabilidade associada, de forma que a soma das probabilidades de todas as categorias seja igual a um. Para inserir uma categoria, clique na coluna à esquerda na grade Parâmetros e especifique o valor de categoria. Insira a probabilidade associada à categoria na coluna à direita.

Nota: Entradas categóricas a partir de um modelo PMML possuem categorias que são determinadas a partir do modelo e não podem ser modificadas.

- **Binomial Negativa - Falhas.** Descreve a distribuição do número de falhas em uma sequência de avaliações antes que um número especificado de sucessos seja observado. O parâmetro *thresh* é o número especificado de sucessos e o parâmetro *prob* é a probabilidade de sucesso em qualquer avaliação determinada.
- **Binomial Negativa - Avaliações.** Descreve a distribuição do número de avaliações necessárias antes que um número especificado de sucessos seja observado. O parâmetro *thresh* é o número especificado de sucessos e o parâmetro *prob* é a probabilidade de sucesso em qualquer avaliação determinada.
- **Faixa** Esta distribuição consiste em um conjunto de intervalos com uma probabilidade designada a cada intervalo, de tal forma que a soma das probabilidades sobre todos os intervalos é igual a 1. Os valores dentro de um determinado intervalo são obtidos a partir de uma distribuição uniforme definida

nesse intervalo. Os intervalos são especificados ao inserir um valor mínimo, um valor máximo e uma probabilidade associada.

Por exemplo, você acredita que o custo de uma matéria-prima tem 40% de chance de cair na faixa de \$10 - \$15 por unidade e de 60% de chance de cair na faixa de \$15 - \$20 por unidade. Você modela o custo com uma distribuição Intervalo consistindo em dois intervalos [10 – 15] e [15 – 20], configurando a probabilidade associada ao primeiro intervalo para 0,4 e a probabilidade associada ao segundo intervalo para 0,6. Os intervalos não precisam ser contínuos e podem até mesmo ser sobrepostos. Por exemplo, você poderia ter especificado os intervalos \$10 - \$15 e \$20 - \$25 ou \$10 - \$15 e \$13 - \$16.

- **Weibull.** O parâmetro *c* é um parâmetro de localização opcional, que especifica onde a origem da distribuição está localizada.

Os parâmetros para as seguintes distribuições possuem o mesmo significado que as funções de variável aleatórias associadas disponíveis na caixa de diálogo Calcular Variável: Bernoulli, beta, binomial, exponencial, gama, lognormal, binomial negativa (avaliações e falhas), normal, Poisson e uniforme.

Especificando entradas fixas. Especifique uma entrada fixa ao selecionar Fixo a partir da lista suspensa **Tipo** na coluna Distribuição e inserir o valor fixo. O valor pode ser numérico ou sequência de caracteres, dependendo se a entrada é numérica ou uma sequência de caracteres. Os valores de sequência não devem ser colocados entre aspas.

Especificando limites em valores simulados. A maioria das distribuições suporta a especificação de limites superior e inferior em valores simulados. É possível especificar um limite inferior ao inserir um valor na caixa de texto **Mín.**, e especificar um limite superior ao inserir um valor na caixa de texto **Máx.**.

Bloqueando entradas. Bloquear uma entrada, ao marcar a caixa de seleção na coluna com o ícone de bloqueio, exclui a entrada do ajuste distribuição automático. Isso é mais útil ao especificar manualmente uma distribuição ou um valor fixo e desejar assegurar que essa entrada não seja afetada pelo ajuste de distribuição automático. O bloqueio também será útil se pretender compartilhar seu plano de simulação com usuários que irão executá-lo no diálogo Executar Simulação e desejar impedir quaisquer mudanças em determinadas entradas. Neste sentido, as especificações para entradas bloqueadas não podem ser modificadas no diálogo Executar Simulação.

Análise de sensibilidade. A análise de sensibilidade permite investigar o efeito de alterações sistemáticas em um input fixo ou em um parâmetro de distribuição para um input simulado, gerando um conjunto independente de casos simulados - na verdade, uma simulação separada - para cada valor especificado. Para especificar análise de sensibilidade, selecione uma entrada fixa ou simulada e clique em **Análise de Sensibilidade**. A análise de sensibilidade é limitada a uma entrada fixa única ou a um parâmetro de distribuição único para uma entrada simulada. Consulte o tópico [“Análise de Sensibilidade”](#) na página 275 para obter informações adicionais.

Ícone de status de Ajuste

Os ícones na coluna Ajustar a indicam o status de ajuste para cada campo de entrada.

Tabela 5. Ícones de status






Ícone	Descrição
	Nenhuma distribuição foi especificada para a entrada, e a entrada não foi especificada como fixa. Para executar a simulação, deve-se especificar uma distribuição para esta entrada ou defini-la para ser fixa e especificar o valor fixo.
	A entrada foi ajustada anteriormente para um campo que não existe no conjunto de dados ativo. Nenhuma ação é necessária, a menos que você deseje reajustar a distribuição para a entrada no conjunto de dados ativo.
	A distribuição de ajuste mais próxima foi substituída por uma distribuição alternativa no diálogo Detalhes do Ajuste.
	A entrada é configurada como a distribuição de ajuste mais próxima.

Tabela 5. Ícones de status (continuação)

Ícone	Descrição
	A distribuição foi especificada manualmente ou as iterações da análise de sensibilidade foram especificadas para essa entrada.

Detalhes do Ajuste

O diálogo Detalhes do Ajuste exibe os resultados do ajuste de distribuição automático para uma entrada específica. As distribuições são ordenadas pela Qualidade do ajuste, com a distribuição de ajuste mais próxima listada primeiro. É possível substituir a distribuição de ajuste mais próxima ao selecionar o botão de opções para a distribuição desejada na coluna Usar. Selecionar um botão de opções na coluna Usar também exibe um gráfico da distribuição sobreposto em um histograma (ou um gráfico de barras) dos dados históricos para essa entrada.

Estatística de ajuste. Por padrão e para campos contínuos, o teste de Anderson-Darling é utilizado para determinar a Qualidade do ajuste. Como alternativa e somente para campos contínuos, é possível especificar o teste de Kolmogorov-Smirnoff para Qualidade do ajuste ao selecionar essa opção nas configurações de Opções Avançadas. Para entradas contínuas, os resultados dos dois testes são mostrados na coluna Estatísticas de Ajuste (A para Anderson-Darling e K para Kolmogorov-Smirnoff), com o teste escolhido utilizado para ordenar as distribuições. Para entradas ordinais e nominais, o teste qui-quadrado é utilizado. Os valores p associados aos testes também são mostrados.

Parâmetros. Os parâmetros de distribuição associados a cada distribuição ajustada são exibidos na coluna Parâmetros. Os parâmetros para as seguintes distribuições possuem o mesmo significado que as funções de variável aleatórias associadas disponíveis na caixa de diálogo Calcular Variável: Bernoulli, beta, binomial, exponencial, gama, lognormal, binomial negativa (avaliações e falhas), normal, Poisson e uniforme. Para a distribuição categórica, os nomes dos parâmetros são as categorias e os valores dos parâmetros são as probabilidades associadas.

Reajustando com um conjunto de distribuição customizado. Por padrão, o nível de medição da entrada é utilizado para determinar o conjunto de distribuições consideradas para ajuste de distribuição automático. Por exemplo, distribuições contínuas como lognormal e gama são consideradas ao ajustar uma entrada contínua, mas distribuições discretas, como Poisson e binomial, não são. É possível escolher um subconjunto das distribuições padrão ao selecionar as distribuições na coluna Reajustar. Também é possível substituir o conjunto padrão das distribuições ao selecionando um nível de medição diferente da lista suspensa **Tratar como (Medida)** e selecionar as distribuições na coluna Reajustar. Clique em **Executar Reajuste** para reajustar com o conjunto de distribuição customizado.

Nota:

- Casos com valores omissos para qualquer entrada simulada são excluídos do ajuste de distribuição, do cálculo de correlações e do cálculo da tabela de contingência opcional (para entradas com uma distribuição Categórica). Opcionalmente, é possível especificar se valores omissos de usuário de entradas com uma Distribuição Categórica são tratados como válidos. Por padrão, eles são tratados como omissos. Para obter mais informações, consulte o tópico “Opções Avançadas” na página 276.
- Para entradas contínuas e ordinais, se um ajuste aceitável não puder ser localizado para nenhuma das distribuições testadas, então a distribuição Empírica será sugerida como o ajuste mais próximo. Para entradas contínuas, a distribuição Empírica é a função de distribuição cumulativa dos dados históricos. Para entradas ordinais, a distribuição Empírica é a distribuição categórica dos dados históricos.

Análise de Sensibilidade

A análise de sensibilidade permite investigar o efeito de variar uma entrada fixa ou um parâmetro de distribuição para uma entrada simulada através de um conjunto de valores especificado. Um conjunto de casos simulados independentes - efetivamente, uma simulação separada - é gerado para cada valor especificado, permitindo investigar o efeito de variar a entrada. Cada conjunto de casos simulados é referido como uma **iteração**.

Iterar. Esta opção permite especificar o conjunto de valores sobre qual entrada será variada.

- Se estiver variando o valor de um parâmetro de distribuição, selecione o parâmetro na lista suspensa. Insira o conjunto de valores no valor de Parâmetro pela grade de iteração. Clicar em **Continuar** incluirá os valores especificados na grade Parâmetros da entrada associada, com um índice especificando o número de iteração do valor.
- Para distribuições Categóricas e de Intervalo, as probabilidades das categorias ou intervalos podem ser respectivamente variadas, mas os valores das categorias e dos terminais dos intervalos não podem ser variados. Selecione uma categoria ou intervalo na lista suspensa e especifique o conjunto de probabilidades no valor de Parâmetro por grade de iteração. As probabilidades para as outras categorias ou intervalos serão ajustadas de modo automático e apropriado.

Nenhuma iteração. Utilize essa opção para cancelar as iterações para uma entrada. Clicar em **Continuar** removerá as iterações.

Correlações

Os campos de entrada a serem simulados geralmente são conhecidos como estando correlacionados - por exemplo, altura e peso. As correlações entre entradas que serão simuladas devem ser levadas em conta a fim de assegurar que os valores simulados preservam essas correlações.

Recalcular correlações ao ajustar. Essa opção especifica que as correlações entre entradas simuladas são calculadas automaticamente ao ajustar as distribuições para o conjunto de dados ativo por meio das ações **Ajustar Tudo** ou **Ajustar** nas configurações de Campos Simulados.

Não recalcular correlações ao ajustar. Selecione essa opção se desejar especificar as correlações manualmente e evitar que elas sejam sobrescritas ao ajustar automaticamente as distribuições para o conjunto de dados ativo. Os valores inseridos na grade Correlações devem estar entre -1 e 1. Um valor de 0 especifica que não há correlação entre o par de entradas associado.

Reconfigurar. Isso reconfigura todas as correlações para 0.

Use a tabela de contingência multiponto ajustada para entradas com distribuição categórica. Para entradas com distribuição categórica, é possível calcular automaticamente uma tabela de contingência multiponto a partir do conjunto de dados ativo que descreve as associações entre essas entradas. Em seguida, a tabela de contingência é utilizada quando os dados são gerados para essas entradas. Se optar por salvar o plano de simulação, a tabela de contingência é salva no arquivo de plano e utilizada ao executar o plano.

- **Calcular a tabela de contingência a partir do conjunto de dados ativo.** Se estiver trabalhando com um plano de simulação existente que contenha uma tabela de contingência, será possível recalcular a tabela de contingência a partir do conjunto de dados ativo. Esta ação substitui a tabela de contingência no arquivo de plano carregado.
- **Utilizar tabela de contingência a partir do plano de simulação carregado.** Por padrão, ao carregar um plano de simulação que contenha uma tabela de contingência, a tabela do plano é utilizada. É possível recalcular a tabela de contingência a partir do conjunto de ativo ao selecionar **Calcular tabela de contingência a partir do conjunto de dados ativo**.

Opções Avançadas

Número Máximo de Casos. Isso especifica o número máximo de casos de dados simulados e os valores de resposta associados a serem gerados. Quando a análise de sensibilidade é especificada, este é o número máximo de casos para cada iteração.

Resposta para critérios de parada. Se o seu modelo preditivo contiver mais de uma resposta, será possível selecionar a resposta para a qual os critérios de parada são aplicados.

Crítérios de parada. Essas opções especificam critérios para parar a simulação, potencialmente antes de o número máximo de casos permitidos ter sido gerado.

- **Continuar até que o máximo seja atingido.** Isso especifica que casos simulados serão gerados até que o número máximo de casos seja atingido.
- **Parar quando as caudas tiverem sido amostradas.** Utilize esta opção quando desejar assegurar que uma das caudas de uma distribuição de resposta especificada foi corretamente amostrada. Os casos

simulados serão gerados até que a amostragem de cauda especificada esteja concluída ou o número máximo de casos seja atingido. Se o seu modelo preditivo contiver diversas respostas, então selecione a resposta à qual estes critérios serão aplicados, na lista suspensa **Resposta para critérios de parada**.

Tipo. É possível definir o limite da região da cauda ao especificar um valor da resposta, como 10.000.000 ou um percentil, como o 99º percentil. Se escolher Valor na lista suspensa **Tipo**, insira o valor do limite na caixa de texto Valor e utilize a lista suspensa **Lado** para especificar se este é o limite da região da cauda Esquerda ou da região da cauda Direita. Se escolher Percentil na lista suspensa **Tipo**, insira um valor na caixa de texto Percentil.

Frequência. Especifique o número de valores da resposta que devem estar na região da cauda para assegurar que a cauda foi corretamente amostrada. A geração de casos será interrompida quando esse número for atingido.

- **Parar quando o intervalo de confiança da média estiver dentro do limite especificado.** Utilize essa opção quando desejar assegurar que a média de uma determinada resposta seja conhecida com um grau de precisão especificado. Os casos simulados serão gerados até que o grau de precisão especificado tenha sido atingido ou o número máximo de casos seja atingido. Para utilizar essa opção, especifique um nível de confiança e um limite. Os casos simulados serão gerados até que o intervalo de confiança associado ao nível especificado esteja dentro do limite. Por exemplo, é possível utilizar essa opção para especificar que casos são gerados até que o intervalo de confiança da média no nível de confiança de 95% esteja dentro de 5% do valor médio. Se o seu modelo preditivo contiver diversas respostas, então selecione a resposta à qual estes critérios serão aplicados, na lista suspensa **Resposta para critérios de parada**.

Tipo de Limite. É possível especificar o limite como o valor numérico ou como um percentual da média. Se escolher Valor na lista suspensa **Tipo de Limite**, insira um limite na caixa de texto Limite como Valor. Se escolher Porcentagem na lista suspensa **Tipo do Limite**, insira um valor na caixa de texto Limite como Porcentagem.

Número de casos para amostra. Isso especifica o número de casos a serem utilizados ao ajustar automaticamente as distribuições de entradas simuladas no conjunto de dados ativo. Se o seu conjunto de dados for muito grande, talvez você queira considerar limitar o número de casos utilizados para ajuste de distribuição. Se selecionar **Limitar para N casos**, os primeiros N casos serão utilizados.

Crítérios de Qualidade do ajuste (Contínuos). Para entradas contínuas, é possível utilizar o teste Anderson-Darling ou o teste de qualidade do ajuste de Kolmogorov-Smirnoff para classificar as distribuições ao ajustar as distribuições de entradas simuladas no conjunto de ativo. O teste de Anderson-Darling é selecionado por padrão e é recomendado especialmente quando desejar assegurar o melhor ajuste possível nas regiões de cauda.

Distribuição Empírica. Para entradas contínuas, a distribuição Empírica é a função de distribuição cumulativa dos dados históricos. É possível especificar o número de categorias utilizadas para calcular a distribuição Empírica para entradas contínuas. O padrão é 100 e o máximo é 1000.

Replicar resultados. Configurar uma semente aleatória permite replicar sua simulação. Especifique um número inteiro ou clique em **Gerar**, que criará um número inteiro pseudoaleatório entre 1 e 2147483647, inclusive. O padrão é 629111597.

Nota: Para uma determinada semente aleatória, resultados são replicados a menos que o número de encadeamentos seja alterado. Em um computador específico, o número de encadeamentos é constante a menos que o mude executando a sintaxe de comando SET THREADS. O número de encadeamentos pode mudar se você executar a simulação em um computador diferente devido a um algoritmo interno ser usado para determinar o número de encadeamentos para cada computador.

Valores omissos do usuário para entradas com uma Distribuição Categórica. Esses controles especificam se valores omissos de usuário de entradas com uma Distribuição Categórica são tratados como válidos. Valores omissos de sistema e valores omissos de usuário para todos os outros tipos de entradas são sempre tratados como inválidos. Todas as entradas devem ter valores válidos para um caso a ser incluído no ajuste de distribuição, no cálculo de correlações e no cálculo da tabela de contingência opcional.

Funções de Densidade

Essas configurações permitem customizar a saída para funções de densidade de probabilidade e funções de distribuição cumulativas para variáveis resposta contínuas, bem como gráficos de barras de valores preditos para variáveis resposta categóricas.

Função de Densidade de Probabilidade (PDF). A função de densidade de probabilidade exibe a distribuição de valores de resposta. Para variáveis resposta contínuas, ela permite determinar a probabilidade de que a resposta esteja dentro de uma determinada região. Para variáveis resposta categóricas (respostas com um nível de medição de nominal ou ordinal), um gráfico de barras é gerado, exibindo a porcentagem de casos que caem em cada categoria da resposta. Opções adicionais para variáveis resposta categóricas de modelos PMML estão disponíveis com os valores de Categoria para relatar a configuração descrita a seguir.

Para modelos de cluster Two-Step e modelos de cluster K-Médias, um gráfico de barras de associação de cluster é produzido.

Função de Distribuição Cumulativa (CDF). A função de distribuição cumulativa exibe a probabilidade de que o valor da resposta seja menor ou igual a um valor especificado. Ela está disponível apenas para variáveis resposta contínuas.

Posições da régua de controle. É possível especificar as posições iniciais das linhas de referência móveis em gráficos PDF e CDF. Valores que são especificados para as linhas inferior e superior referem-se a posições ao longo do eixo horizontal, e não a percentis. É possível remover a linha inferior ao selecionar **-Infinito** ou remover a linha superior ao selecionar **Infinito**. Por padrão, as linhas são posicionadas nos 5º e 95º percentis. Quando diversas funções de distribuição são exibidas em um único gráfico (devido a diversas respostas ou resultados das iterações de análise de sensibilidade), o padrão refere-se à distribuição da primeira iteração ou da primeira resposta.

Linhas de Referência (Contínuas). É possível solicitar várias linhas de referência verticais a serem incluídas nas funções de densidade de probabilidade e nas funções de distribuição cumulativas para variáveis resposta contínuas.

- **Sigmas.** É possível incluir linhas de referência em mais e menos um número especificado de desvios padrão da média de uma resposta.
- **Percentis.** É possível incluir linhas de referência em um ou dois valores de percentil da distribuição de uma resposta ao inserir valores nas caixas de texto Inferior e Superior. Por exemplo, um valor de 95 na caixa de texto Superior representa o 95º percentil, que é o valor abaixo do qual 95% das observações caem. Da mesma forma, um valor de 5 na caixa de texto Inferior representa o 5º percentil, que é o valor abaixo do qual 5% das observações caem.
- **Linhas de referência customizadas.** É possível incluir linhas de referência com valores especificados da resposta.

Nota: Quando diversas funções de distribuição são exibidas em um único gráfico (devido a diversas respostas ou resultados das iterações de análise de sensibilidade), as linhas de referência são aplicadas somente à distribuição da primeira iteração ou da primeira resposta. É possível incluir linhas de referência às outras distribuições do diálogo Opções de Gráfico, que é acessado a partir do gráfico CDF ou PDF.

Sobrepôr resultados a partir de variáveis resposta contínuas separadas. No caso de diversas variáveis resposta contínuas, isso especifica se as funções de distribuição de todas as respostas são exibidas em um único gráfico, com um gráfico para funções de densidade de probabilidade e outro para funções de distribuição cumulativas. Quando essa opção não é selecionada, os resultados de cada resposta são exibidos em um gráfico separado.

Valores de categoria para relatório. Para modelos PMML com variáveis resposta categóricas, o resultado do modelo é um conjunto de probabilidades preditas, uma para cada categoria, de o valor da resposta cair em cada categoria. A categoria com a maior probabilidade é considerada a categoria predita e utilizada na geração do gráfico de barras descrito para a configuração **Função de Densidade de Probabilidade** acima. Selecionar **Categoria predita** gera o gráfico de barras. Selecionar **Probabilidades preditas** gera histogramas da distribuição de probabilidades preditas para cada uma das categorias da resposta.

Agrupamento para análise de sensibilidade. Simulações que incluem análise de sensibilidade geram um conjunto independente de valores de resposta preditos para cada iteração definida pela análise (uma iteração para cada valor da entrada que está sendo variada). Quando as iterações estão presentes, o gráfico de barras da categoria predita para uma variável resposta categórica é exibido como um gráfico de barras agrupadas que inclui os resultados de todas as iterações. É possível optar por agrupar categorias ou agrupar iterações.

Saída

Gráficos Tornados. Os gráficos de tornados são gráficos de barras que exibem os relacionamentos entre as respostas e entradas simuladas usando uma variedade de métricas.

- **Correlação da resposta com a entrada.** Esta opção cria um gráfico de tornado dos coeficientes de correlação entre uma determinada resposta e cada uma de suas entradas simuladas. Esse tipo de gráfico de tornado não suporta respostas com um nível de medição nominal ou ordinal ou entradas simuladas com uma distribuição categórica.
- **Contribuição para variância.** Esta opção cria um gráfico de tornado que exibe a contribuição para a variância de uma resposta a partir de cada uma de suas entradas simuladas, permitindo avaliar até que grau cada entrada contribui para a incerteza geral na resposta. Esse tipo de gráfico de tornado não suporta respostas com níveis de medição ordinais ou nominais ou entradas simuladas com qualquer uma das seguintes distribuições: categórica, Bernoulli, binomial, Poisson ou binomial negativa.
- **Sensibilidade de resposta para alterar.** Esta opção cria um gráfico de tornado que exibe o efeito na resposta de modular cada entrada simulada por mais ou menos um número especificado de desvios padrão da distribuição associada à entrada. Esse tipo de gráfico de tornado não suporta respostas com níveis de medição ordinais ou nominais ou entradas simuladas com qualquer uma das seguintes distribuições: categórica, Bernoulli, binomial, Poisson ou binomial negativa.

Box plots de distribuições de resposta. Box plots estão disponíveis para variáveis resposta contínuas. Selecione **Sobrepôr resultados a partir de respostas separadas** se o seu modelo preditivo possuir diversas variáveis resposta contínuas e você desejar exibir box plots para todas as respostas em um único gráfico.

Gráficos de dispersão de respostas versus entradas. Os gráficos de dispersão de respostas versus entradas simuladas estão disponíveis para variáveis resposta contínuas e categóricas e incluem gráficos de dispersão da resposta com entradas contínuas e categóricas. Os gráficos de dispersão que envolvem uma variável resposta categórica ou uma entrada categórica são exibidos como um heat map.

Criar uma tabela de valores de percentil. Para variáveis resposta contínuas, é possível obter uma tabela de percentis especificados das distribuições de resposta. Quartis (os 25º, 50º e 75º percentis) dividem as observações em quatro grupos de tamanhos iguais. Se desejar um número igual de grupos diferente de quatro, selecione **Intervalos** e especifique o número. Selecione **Percentis Customizados** para especificar percentis individuais - por exemplo, o 99º percentil.

Estatísticas descritivas de distribuições de resposta. Esta opção cria tabelas de estatísticas descritivas para variáveis resposta contínuas e categóricas e também para entradas contínuas. Para variáveis resposta contínuas, a tabela inclui a média, o desvio padrão, a mediana, o mínimo e o máximo, o intervalo de confiança da média no nível especificado e os 5º e 95º percentis da distribuição de resposta. Para variáveis resposta categóricas, a tabela inclui a porcentagem de casos que caem em cada categoria da resposta. Para variáveis resposta categóricas de modelos PMML, a tabela também inclui a probabilidade média de cada categoria da resposta. Para entradas contínuas, a tabela inclui a média, o desvio padrão e o mínimo e o máximo.

Correlações e tabela de contingência para entradas. Esta opção exibe uma tabela de coeficientes de correlação entre entradas simuladas. Quando entradas com distribuições categóricas são geradas a partir de uma tabela de contingência, a tabela de contingência dos dados que são gerados para essas entradas também é exibida.

Entradas simuladas para inclusão na saída. Por padrão, todas as entradas simuladas são incluídas na saída. É possível excluir as entradas simuladas selecionadas da saída. Isso excluirá os gráficos de tornado, de dispersão e saída tabular.

Limitar intervalos para variáveis resposta contínuas. É possível especificar o intervalo de valores válidos para uma ou mais variáveis resposta contínuas. Valores fora do intervalo especificado são excluídos de toda a saída e análises associadas às respostas. Para configurar um limite inferior, selecione **Inferior** na coluna Limite e insira um valor na coluna Mínimo. Para configurar um limite superior, selecione **Superior** na coluna Limite e insira um valor na coluna Máximo. Para configurar um limite inferior e um limite superior, selecione **Ambos** na coluna de Limite e insira os valores nas colunas Mínimo e Máximo.

Exibir Formatos. É possível configurar o formato utilizado ao exibir valores de resposta e de entradas (de entradas fixas e simuladas).

Salvar

Salvar o plano para esta simulação. É possível salvar as especificações atuais para sua simulação em um arquivo de plano de simulação. Os arquivos de plano de simulação possuem a extensão *.splan*. É possível reabrir o plano no Construtor de Simulação e, opcionalmente, fazer modificações e executar a simulação. É possível compartilhar o plano de simulação com outros usuários que, em seguida, poderão executá-lo no diálogo Executar Simulação. Os planos de simulação incluem todas as especificações, exceto as seguintes: configurações para Funções de Densidade, configurações de saída para gráficos e tabelas, configurações de Opções Avançadas para Ajuste, Distribuição Empírica e Semente Aleatória.

Salvar os dados simulados como um novo arquivo de dados. É possível salvar as entradas simuladas, entradas fixas e valores de resposta preditos em um arquivo de dados do SPSS Statistics, em um novo conjunto de dados na sessão atual ou em um arquivo Excel. Cada caso (ou linha) do arquivo de dados consiste nos valores preditos das respostas junto das entradas simuladas e entradas fixas que geram os valores de resposta. Quando a análise de sensibilidade é especificada, cada iteração dá origem a um conjunto de casos contínuos que são rotulados com o número da iteração.

Executar diálogo de simulação

O diálogo Executar Simulação foi projetado para usuários que possuem um plano de simulação e desejam primariamente executar a simulação. Ele também fornece os recursos necessários para executar a simulação sob diferentes condições. Permite executar as seguintes tarefas gerais:

- Configurar ou modificar análise de sensibilidade para investigar o efeito de variar o valor de uma entrada fixa ou variar um parâmetro de distribuição para uma entrada simulada.
- Ajustar novamente as distribuições de probabilidade para entradas incertas (e correlações entre essas entradas) para novos dados.
- Modifique a distribuição para uma entrada simulada.
- Customizar saída.
- Execute a simulação.

Guia Simulação

A guia Simulação permite especificar análise de sensibilidade, reajustar distribuições de probabilidade para as entradas simuladas e correlações entre entradas simuladas para os novos dados e modificar a distribuição de probabilidade associada a uma entrada simulada.

A grade de entradas Simuladas contém uma entrada para cada campo de entrada que estiver definido no plano de simulação. Cada entrada exibe o nome da entrada e o tipo de distribuição de probabilidade associado à entrada, junto de um gráfico de amostra da curva de distribuição associada. Cada entrada também possui um ícone de status associado (um círculo colorido com um visto) que é útil ao reajustar distribuições para novos dados. Além disso, as entradas podem incluir um ícone de bloqueio que indica que a entrada está bloqueada e não pode ser modificada ou reajustada para novos dados no diálogo Executar Simulação. Para modificar uma entrada bloqueada, será necessário abrir o plano de simulação no Construtor de Simulação.

Cada entrada será simulada ou fixa. Entradas simuladas são aquelas cujos valores são incertos e serão geradas ao desenhar a partir de uma distribuição de probabilidade especificada. Entradas fixas são aquelas cujos valores são conhecidos e que permanecem constantes para cada caso gerado na

simulação. Para trabalhar com uma entrada específica, selecione a entrada na grade de entradas Simuladas.

Especificando análise de sensibilidade

A análise de sensibilidade permite investigar o efeito de alterações sistemáticas em um input fixo ou em um parâmetro de distribuição para um input simulado, gerando um conjunto independente de casos simulados - na verdade, uma simulação separada - para cada valor especificado. Para especificar análise de sensibilidade, selecione uma entrada fixa ou simulada e clique em **Análise de Sensibilidade**. A análise de sensibilidade é limitada a uma entrada fixa única ou a um parâmetro de distribuição único para uma entrada simulada. Consulte o tópico [“Análise de Sensibilidade”](#) na página 275 para obter informações adicionais.

Reajustando distribuições para novos dados

Para reajustar automaticamente as distribuições de probabilidade para as entradas simuladas (e correlações entre entradas simuladas) para os dados no conjunto de dados ativos:

1. Verifique se cada uma das entradas de modelo é correspondida com o campo correto no conjunto de dados ativo. Cada entrada simulada é ajustada para o campo no conjunto de dados ativo especificado na lista suspensa **Campo** associada a essa entrada. É possível identificar facilmente entradas que não são correspondidas ao procurar entradas com um ícone de status que inclui um visto com um ponto de interrogação, conforme mostrado abaixo.



2. Modifique qualquer correspondência de campo necessária ao selecionar **Ajustar para um campo no conjunto de dados** e selecionar o campo na lista.
3. Clique em **Ajustar Tudo**.

Para cada entrada que tiver sido ajustada, a distribuição que mais próximo ajustar os dados será exibida junto de um gráfico da distribuição sobreposto em um histograma (ou gráfico de barras) dos dados históricos. Se um ajuste aceitável não puder ser localizado, então a distribuição Empírica será utilizada. Para entradas que se ajustam à distribuição Empírica, você verá somente um histograma dos dados históricos porque a distribuição Empírica é na realidade representada por esse histograma.

Nota: Para obter uma lista completa de ícones de status, consulte o tópico [“Campos Simulados”](#) na página 272.

Modificando distribuições de probabilidade

É possível modificar a distribuição de probabilidade para uma entrada simulada e, opcionalmente, alterar uma entrada simulada para uma entrada fixa ou vice-versa.

1. Selecione a entrada e selecione **Configurar manualmente a distribuição**.
2. Selecione o tipo de distribuição e especifique os parâmetros da distribuição. Para alterar uma entrada simulada para uma entrada fixa, selecione Fixo na lista suspensa **Tipo**.

Após ter inserido os parâmetros para uma distribuição, o gráfico de amostra da distribuição (exibido na entrada) será atualizado para refletir suas mudanças. Para obter mais informações sobre como especificar manualmente as distribuições de probabilidade, consulte o tópico [“Campos Simulados”](#) na página 272.

Incluir valores omissos de usuário de entradas categóricas ao ajustar. Isso especifica se valores omissos de usuário de entradas com uma Distribuição Categórica são tratados como válidos quando estiver reajustando os dados no conjunto de dados ativo. Valores omissos de sistema e valores omissos de usuário para todos os outros tipos de entradas são sempre tratados como inválidos. Todas as entradas devem ter valores válidos para um caso a ser incluído no ajuste de distribuição e no cálculo de correlações.

Guia de saída

A guia Saída permite customizar a saída gerada pela simulação.

Funções de Densidade. As funções de densidade são as médias primárias de análise do conjunto de resultados de sua simulação.

- **Função de Densidade de Probabilidade.** A função de densidade de probabilidade exibe a distribuição dos valores de resposta, permitindo determinar a probabilidade de a resposta estar em uma determinada região. Para respostas com um conjunto fixo de resultados - como "serviço insatisfatório", "serviço regular", "serviço bom" e "serviço excelente" - um gráfico de barras é gerado, que exibe a porcentagem de casos que caem em cada categoria da resposta.
- **Função de Distribuição Cumulativa.** A função de distribuição cumulativa exibe a probabilidade de que o valor da resposta seja menor ou igual a um valor especificado.

Gráficos de Tornado. Os gráficos de tornados são gráficos de barras que exibem os relacionamentos entre as respostas e entradas simuladas usando uma variedade de métricas.

- **Correlação da resposta com a entrada.** Esta opção cria um gráfico de tornado dos coeficientes de correlação entre uma determinada resposta e cada uma de suas entradas simuladas.
- **Contribuição para variância.** Esta opção cria um gráfico de tornado que exibe a contribuição para a variância de uma resposta a partir de cada uma de suas entradas simuladas, permitindo avaliar até que grau cada entrada contribui para a incerteza geral na resposta.
- **Sensibilidade de resposta para alterar.** Esta opção cria um gráfico de tornado que exibe o efeito na resposta de modular cada entrada simulada por mais ou menos um desvio padrão da distribuição associada à entrada.

Gráficos de dispersão de respostas versus entradas. Esta opção gera gráficos de dispersão de respostas versus entradas simuladas.

Box plots de distribuições de resposta. Esta opção gera box plots das distribuições de respostas.

Tabela de quartis. Esta opção gera uma tabela do quartis das distribuições de respostas. Os quartis de uma distribuição são 25º, 50º e 75º percentis da distribuição, dividindo as observações em quatro grupos de tamanhos iguais.

Correlações e tabela de contingência para entradas. Esta opção exibe uma tabela de coeficientes de correlação entre entradas simuladas. Uma tabela de contingência de associações entre entradas com uma distribuição categórica é exibida quando o plano de simulação especifica a geração de dados categóricos a partir de uma tabela de contingência.

Sobrepor resultados a partir de respostas separadas. Se o modelo preditivo que estiver simulando contiver diversas respostas, será possível especificar se os resultados das respostas separadas são exibidos em um único gráfico. Esta configuração se aplica a gráficos para funções de densidade de probabilidade, funções de distribuição cumulativa e box plots. Por exemplo, se essa opção for selecionada, as funções de densidade de probabilidade para todas as respostas serão exibidas em um único gráfico.

Salvar o plano para esta simulação. É possível salvar quaisquer modificações feitas em sua simulação em um arquivo de plano de simulação. Os arquivos de plano de simulação possuem a extensão *.splan*. É possível reabrir o plano no diálogo Executar Simulação ou no Construtor de Simulação. Os planos de simulação incluem todas as especificações, exceto configurações de saída.

Salvar os dados simulados como um novo arquivo de dados. É possível salvar as entradas simuladas, entradas fixas e valores de resposta preditos em um arquivo de dados do SPSS Statistics, em um novo conjunto de dados na sessão atual ou em um arquivo Excel. Cada caso (ou linha) do arquivo de dados consiste nos valores preditos das respostas junto das entradas simuladas e entradas fixas que geram os valores de resposta. Quando a análise de sensibilidade é especificada, cada iteração dá origem a um conjunto de casos contínuos que são rotulados com o número da iteração.

Se precisar de customização adicional de saída que está disponível aqui, considere executar sua simulação a partir do Construtor de Simulação. Consulte o tópico [“Para executar uma simulação a partir de um plano de simulação”](#) na página 269 para obter mais informações

Trabalhando com saída de gráfico a partir da simulação

Uma série dos gráficos gerados a partir de uma simulação têm recursos interativos que permitem customizar a exibição. Os recursos interativos estão disponíveis ao ativar (dando um clique duplo) o objeto de gráfico no Visualizador de Saída. Todos os gráficos de simulação são visualizações de gráfico.

Gráficos de função de densidade de probabilidade para variáveis resposta contínuas. Este gráfico possui duas linhas de referência verticais deslizantes que dividem o gráfico em regiões separadas. A tabela abaixo do gráfico exibe a probabilidade de que o destino está em cada uma das regiões. Se funções de densidade múltiplas são exibidas no mesmo gráfico, a tabela possui uma linha separada para as probabilidades associadas a cada função de densidade. Cada uma das linhas de referência possui uma régua de controle (triângulo invertido) que permite mover facilmente a linha. Uma série de recursos adicionais estão disponíveis clicando no botão **Opções de gráfico** no gráfico. Em particular, é possível configurar explicitamente as posições das réguas de controle, incluir linhas de referência fixas e alterar a visualização do gráfico a partir de uma curva contínua para um histograma ou vice-versa. Consulte o tópico [“Opções de Gráfico”](#) na página 283 para obter mais informações

Gráficos de função de distribuição acumulativa para variáveis resposta contínuas. Este gráfico possui as duas mesmas linha de referência verticais que podem ser movidas e a tabela associada descrita para o gráfico de função de densidade de probabilidade acima. Ela também fornece acesso ao diálogo Opções de Gráfico, que permite configurar explicitamente as posições das réguas de controle, incluir linhas de referência fixas e especificar se a função de distribuição acumulativa é exibida como uma função crescente (o padrão) ou uma função decrescente. Consulte o tópico [“Opções de Gráfico”](#) na página 283 para obter mais informações.

Gráficos de barras para variáveis respostas categóricas com iteração de análise de sensibilidade.

Para variáveis respostas categóricas com iterações de análise de sensibilidade, os resultados para a categoria de destino predita são exibidos como um gráfico de barras agrupadas que inclui os resultados de todas as iterações. O gráfico inclui uma lista suspensa que permite agrupar na categoria ou na iteração. Para modelos de cluster de duas etapas e modelos de cluster de K-Médias, é possível escolher agrupar em número de cluster ou iteração.

Box plots para respostas múltiplas com iterações de análise de sensibilidade. Para modelos preditivos com variáveis respostas contínuas e iterações de análise de sensibilidade, escolher exibir box plots para todos os destinos em um único gráfico produz um box plot em cluster. O gráfico inclui uma lista suspensa que permite agrupar na resposta ou na iteração.

Opções de Gráfico

O diálogo Opções de Gráfico permite customizar a exibição de gráficos ativados de funções de densidade de probabilidade e de funções de distribuição cumulativa gerados a partir de uma simulação.

Visualizar. A lista suspensa **Visualizar** se aplica apenas ao gráfico de função de densidade de probabilidade. Ele permite alternar a visualização do gráfico de uma curva contínua para um histograma. Este recurso não está disponível quando diversas funções de densidade forem exibidas no mesmo gráfico. Nesse caso, as funções de densidade podem ser visualizadas somente como curvas contínuas.

Ordem. A lista suspensa **Ordem** se aplica somente ao gráfico de função de distribuição cumulativa. Ela especifica se a função de distribuição cumulativa é exibida como uma função crescente (o padrão) ou como uma função decrescente. Quando exibida como uma função decrescente, o valor da função em um determinado ponto no eixo horizontal é a probabilidade de que a resposta esteja à direita desse ponto.

Posições da régua de controle. É possível configurar explicitamente as posições das linhas de referência deslizantes ao inserir valores nas caixas de texto Superior e Inferior. É possível remover a linha à esquerda ao selecionar **-Infinito**, configurando efetivamente a posição para infinito negativo, e remover a linha à direita ao selecionar **Infinito**, configurando efetivamente sua posição para infinito.

Linhas de referência. É possível incluir várias linhas de referência verticais fixas nas funções de densidade de probabilidade e nas funções de distribuição cumulativa. Quando diversas funções são exibidas em um único gráfico (devido a diversas respostas ou resultados de iterações da análise de sensibilidade), é possível especificar as funções específicas às quais as linhas serão aplicadas.

- **Sigmas.** É possível incluir linhas de referência em mais e menos um número especificado de desvios padrão da média de uma resposta.
- **Percentis.** É possível incluir linhas de referência em um ou dois valores de percentil da distribuição de uma resposta ao inserir valores nas caixas de texto Inferior e Superior. Por exemplo, um valor de 95 na caixa de texto Superior representa o 95º percentil, que é o valor abaixo do qual 95% das observações caem. Da mesma forma, um valor de 5 na caixa de texto Inferior representa o 5º percentil, que é o valor abaixo do qual 5% das observações caem.
- **Posições customizadas.** É possível incluir linhas de referência com valores especificados ao longo do eixo horizontal.

Rotular linhas de referência. Essa opção controla se os rótulos são aplicados às linhas de referência selecionadas.

As linhas de referência são removidas ao desmarcar a opção associada no diálogo Opções de Gráfico e clicar em **Continuar**.

Modelagem Geoespacial

As técnicas de modelagem geoespacial são projetadas para descobrir padrões nos dados que incluem um componente geoespacial (mapa). O Assistente de Modelagem Geoespacial fornece métodos para analisar dados geoespaciais com e sem um componente de tempo.

Localizar associações com base em dados do evento e geoespaciais (Regras de Associação Geoespacial)

Usando as regras de associação geoespaciais, é possível localizar padrões nos dados com base em propriedades espaciais e não espaciais. Por exemplo, é possível identificar padrões nos dados criminais por localização e atributos demográficos. A partir desses padrões, é possível construir regras que preveem onde determinados tipos de crimes provavelmente ocorrerão.

Fazer previsões utilizando séries temporais e dados geoespaciais (Spatio-Temporal Prediction)

A predição temporal espacial utiliza dados que contêm dados de localização, campos de entrada para predição (preditores), um ou mais campos de tempo e um campo de destino. Cada localização possui várias linhas nos dados que representam os valores de cada preditor e o destino em cada intervalo de tempo.

Utilizando o Assistente de Modelagem Geoespacial

1. Nos menus, escolha:

Analisar > Modelagem espacial e temporal > Modelagem espacial

2. Siga as etapas do assistente.

Exemplos

Exemplos detalhados estão disponíveis no sistema de ajuda.

- Regras de associação geoespacial : **Ajuda > Tópicos > Estudos de Caso > Base de Estatísticas > Regras de associação espacial**
- Predição temporal espacial: **Ajuda > Tópicos > Estudos de Caso > Base de Estatísticas > Predição temporal espacial**

Selecionando Mapas

A modelagem geoespacial pode utilizar uma ou mais origens de dados do mapa. As origens de dados do mapa contêm informações que definem áreas geográficas e outros recursos geográficos, como estradas ou rios. Muitas origens do mapa também contêm dados demográficos ou outros dados descritivos e dados do evento, como relatórios criminais ou taxas de desemprego. É possível utilizar um arquivo de especificação de mapa definido anteriormente ou definir especificações de mapa aqui e salvar essas especificações para uso subsequente.

Carregar uma Especificação de Mapa

Carrega um arquivo de especificação de mapa (.mplan) definido anteriormente. As origens de dados do mapa que você define aqui podem ser salvas em um arquivo de especificação de mapa. Para predição temporal espacial, se você selecionar um arquivo de especificação de mapa que identifica mais de um mapa, será solicitado a selecionar um mapa no arquivo.

Incluir Arquivo de Mapa

Inclua um arquivo de formas ESRI (.shp) ou um archive .zip que contenha um arquivo de formas ESRI.

- Deverá haver um arquivo .dbf correspondente na mesma localização que o arquivo .shp, e esse arquivo deve ter o mesmo nome raiz que o arquivo .shp.
- Se o arquivo for um archive .zip, os arquivos .shp e .dbf deverão ter o mesmo nome raiz que o archive .zip.
- Se não houver nenhum arquivo de projeção (.prj) correspondente, será solicitado a selecionar um sistema de projeção.

Relacionamento

Para regras de associação geoespacial, essa coluna define como os eventos se relacionam aos recursos no mapa. Essa configuração não está disponível para predição temporal espacial.

Mover para Cima, Mover para baixo

A ordem da estrato dos elementos do mapa é determinada pela ordem em que eles aparecem na lista. O primeiro mapa na lista é a estrato inferior.

Selecionando um Mapa

Para predição temporal espacial, se você selecionar um arquivo de especificação de mapa que identifica mais de um mapa, será solicitado a selecionar um mapa no arquivo. A predição temporal espacial não suporta diversos mapas.

Relacionamento Geoespacial

Para regras de associação geoespacial, o diálogo Relacionamento Geoespacial define como os eventos se relacionam aos recursos no mapa.

- Essa configuração se aplica somente a regras de associação geoespaciais.
- Essa configuração afeta apenas as origens de dados associadas aos mapas que estiverem especificados como dados de contexto no passo para selecionar origens de dados.

Relacionamento

Fechar

O evento ocorre próximo a um ponto ou área especificada no mapa.

Dentro de

O evento ocorre dentro de uma área especificada no mapa.

Contém

A área de evento contém um objeto de contexto de mapa.

Faz intersecção com

As localizações onde as linhas ou regiões de diferentes mapas se cruzam.

Cruzado

Para diversos mapas, refere-se às localizações onde as linhas (para estradas, rios, ferrovias) a partir de linhas diferentes se cruzam.

Norte, Sul, Leste, Oeste

O evento ocorre dentro de uma área ao norte, sul, leste ou oeste de um ponto especificado no mapa.

Configurar Sistema de Coordenadas

Se não houver nenhum arquivo de projeção (.prj) com o mapa ou se você definir dois campos de uma origem de dados como um conjunto de coordenadas, deve-se configurar o sistema de coordenadas.

Geográfico padrão (longitude e latitude)

O sistema de coordenadas é longitude e latitude.

Cartesiano Simples (X e Y)

O sistema de coordenadas é coordenadas X e Y simples.

Usar um ID Bem Conhecidos (WKID)

"ID bem conhecido" para projeções comuns.

Use um Nome do Sistema de Coordenadas

O sistema de coordenadas baseia-se na projeção nomeada. O nome é colocado entre parênteses.

Configurando a Projeção

Se o sistema de projeção não puder ser determinado a partir das informações fornecidas com o mapa, será necessário especificar o sistema de projeção. A causa mais comum desta condição é a ausência de um arquivo de projeção (.prj) associado ao mapa ou um arquivo de projeção que não pode ser utilizado.

- **Uma cidade, região ou país (Mercator)**
- **Um país grande, vários países ou continentes (Winkel Tripel)**
- **Uma área muito próxima ao equador (Mercator)**
- **Uma área próxima a um dos polos (Estereográfico)**

A projeção Mercator é uma projeção comum utilizada em muitos mapas. Essa projeção trata o globo como um cilindro que é desenrolado em uma superfície plana. A projeção Mercator distorce o tamanho e a forma de objetos grandes. Esta distorção aumenta conforme você move para longe do equador e se aproxima dos polos. As projeções Winkel Tripel e Estereográfico fazem ajustes para o fato de que um mapa representa uma parte de uma esfera tridimensional exibida em duas dimensões.

Sistema de Projeção e de Coordenadas

Se você selecionar mais de um mapa e os mapas possuírem sistemas de projeção e de coordenadas diferentes, o mapa deverá ser selecionado com o sistema de projeção que deseja utilizar. Esse sistema de projeção será usado para todos os mapas quando eles forem combinados em uma saída.

Origens de Dados

Uma origem de dados pode ser um arquivo dBase que é fornecido com o arquivo de formas, com um arquivo de dados do IBM SPSS Estatísticas ou com um conjunto de dados aberto na sessão atual.

Dados de Contexto. Os dados de contexto identificam recursos no mapa. Os dados de contexto também podem conter campos que podem ser utilizados como entradas para o modelo. Para utilizar um arquivo dBase de contexto (.dbf) que está associado a um arquivo de formas de mapa (.shp), o arquivo dBase de contexto deve estar na mesma localização que o arquivo de formas e deve ter o mesmo nome raiz. Por exemplo, se o arquivo de formas for geodata.shp, o arquivo dBase deverá ser denominado geodata.dbf

Dados de Eventos. Os dados de eventos contêm informações sobre eventos que ocorrem, como crimes ou acidentes. Esta opção está disponível apenas para regras de associação geoespaciais.

Densidade de Ponto. Intervalo de tempo e dados de coordenadas para estimativas da densidade kernel. Esta opção está disponível apenas para predição temporal espacial.

Incluir. Abre um diálogo para incluir origens de dados. Uma origem de dados pode ser um arquivo dBase que é fornecido com o arquivo de formas, com um arquivo de dados do IBM SPSS Estatísticas ou com um conjunto de dados aberto na sessão atual.

Associar. Abre um diálogo para especificar os identificadores (coordenadas ou chaves) utilizados para associar dados aos mapas. Cada origem de dados deve conter um ou mais identificadores que associam os dados ao mapa. Arquivos dBase provenientes de um arquivo de formas geralmente contêm um campo que é usado automaticamente como o identificador de padrão. Para outras origens de dados, deve-se especificar os campos que são utilizados como identificadores.

Validar Chave. Abre um diálogo para validar correspondência de chave entre o mapa e a origem de dados.

Regras de associação geoespacial

- Pelo menos uma origem de dados deve ser uma origem de dados do evento.
- Todas as origens de dados do evento devem utilizar a mesma forma de identificadores de associação do mapa: coordenadas ou valores de chave.
- Se as origens de dados do evento forem associadas aos mapas com valores de chave, todas as origens de eventos deverão usar o mesmo tipo de recurso de mapa (por exemplo, polígonos, pontos, linhas).

Predição temporal espacial

- Deve haver uma origem de dados de contexto.
- Se houver somente uma origem de dados (um arquivo de dados sem nenhum mapa associado), ele deverá incluir valores de coordenadas.
- Se você tiver duas origens de dados, uma origem de dados deverá ser dados de contexto, e a outra origem de dados deverá ser dados de densidade de ponto.
- Não é possível incluir mais de duas origens de dados.

Incluir uma Origem de Dados

Uma origem de dados pode ser um arquivo dBase que é fornecido com o arquivo de formas ou arquivo de contexto, com um arquivo de dados do IBM SPSS Estatísticas ou com um conjunto de dados aberto na sessão atual.

É possível incluir a mesma origem de dados diversas vezes se desejar usar uma associação espacial diferente em cada uma das vezes.

Associação de Dados e Mapa

Cada origem de dados deve conter um ou mais identificadores que associam os dados ao mapa.

Coordenadas

A origem de dados contém campos que representam coordenadas Cartesianas, portanto, selecione os campos que representam essas coordenadas X e Y. Para regras de associação geoespaciais, também pode haver uma coordenada Z.

Valores da chave

Os valores da chave nos campos na origem de dados correspondem às chaves de mapa selecionadas. Por exemplo, um mapa de regiões pode ter um identificador de nome (chave de mapa) rotulando cada região. Esse identificador corresponde a um campo nos dados que também contém os nomes das regiões (chave de dados). Os campos são correspondidos com as chaves de mapa com base na ordem em que eles são exibidos nas duas listas.

Validar chaves

O diálogo Validar Chaves fornece uma sumarização da correspondência de registro entre o mapa e a origem de dados, com base nas chaves do identificador selecionado. Se houver valores de chave de dados não correspondentes, será possível correspondê-los manualmente aos valores de chave de mapa.

Regras de associação geoespacial

Para regras de associação geoespaciais, depois de definir mapas e origens de dados, as etapas restantes no assistente são:

- Se houver diversas origens de dados do evento, defina como as origens de dados do evento são mescladas.
- Selecione os campos a serem usados como condições e previsões na análise.

Opcionalmente, também é possível:

- Selecionar opções de saída diferentes.
- Salvar um arquivo de modelo de pontuação.
- Criar novos campos para valores e regras preditos nas origens de dados usadas no modelo.
- Customizar configurações para construção de regras de associação.
- Customizar configurações de categorização e agregação.

Definir Campos de Dados do Evento

Para regras de associação geoespacial, se houver mais de uma origem de dados do evento, as origens de dados do evento serão mescladas.

- Por padrão, apenas os campos que forem comuns a todas as origens de dados do evento são incluídos.
- É possível exibir uma lista de campos comuns, campos para uma origem de dados específica ou campos a partir de todas as origens de dados e selecionar os campos que você deseja incluir.
- Para campos comuns, o **Tipo** e a **Medição** devem ser os mesmos para todas as origens de dados. Se houver conflitos, será possível especificar o tipo e o nível de medição para uso em cada campo comum.

Selecionar Campos

A lista de campos disponíveis inclui campos das origens de dados do evento e campos das origens de dados de contexto.

- É possível controlar a lista de campos exibidos ao selecionar uma origem de dados a partir da lista **Origens de Dados**.
- Deve-se selecionar pelo menos dois campos. Pelo menos um deve ser uma condição, e pelo menos um deve ser uma predição. Existem diversas formas para atender a esse requisito, incluindo selecionar dois campos para a lista **Ambos (Condição e Predição)**.
- As regras de associação preveem valores dos campos de predição que são baseados nos valores dos campos condição. Por exemplo, na regra "If x=1 e y=2, then z=3", os valores de x e y são condições, e o valor de z é a predição.

Saída

Tabelas de Regras

Cada tabela de regras exibe as principais regras e valores de confiança, suporte de regra, elevação, suporte de condição e implementabilidade. Cada tabela é armazenada pelos valores dos critérios selecionados. É possível exibir todas as regras ou o **Número** de regras principais, com base no critério selecionado.

Nuvem de palavra classificável

Uma lista de regras principais com base nos valores do critério selecionado. O tamanho do texto indica a importância relativa da regra. O objeto de resultado interativo contém as regras principais para confiança, suporte de regra, elevação, suporte de condição e implementabilidade. O critério selecionado determina qual lista de regras é exibida por padrão. É possível selecionar um critério diferente de forma interativa na saída. **Máximo de regras para exibir** determina o número de regras que são exibidas na saída.

Mapa

Gráfico de barras e mapa interativos das regras principais, com base no critério selecionado. Cada objeto de resultado interativo contém as regras principais para confiança, suporte de regra, elevação, suporte de condição e implementabilidade. O critério selecionado determina qual lista de regras é exibida por padrão. É possível selecionar um critério diferente de forma interativa na saída. **Máximo de regras para exibir** determina o número de regras que são exibidas na saída.

Tabelas de informações de modelo

Transformações de Campo.

Descreve as transformações que são aplicadas aos campos utilizados na análise.

Sumarização do Registro.

O número e a porcentagem de registros incluídos e excluídos.

Estatísticas de Regra.

Estatísticas básicas do suporte de condição, confiança, suporte de regra, elevação e implementabilidade. As estatísticas incluem média, o mínimo, o máximo e o desvio padrão.

Itens Mais Frequentes.

Itens que ocorrem com mais frequência. Um item é incluído em uma condição ou uma predição em uma regra. Por exemplo, idade < 18 ou gender=female.

Campos Mais Frequentes.

Campos que ocorrem com mais frequência nas regras.

Entradas Excluídas.

Campos que são excluídos da análise e o motivo pelo qual cada campo foi excluído.

Critério de Tabelas de Regras, Nuvem de Palavras e Mapas

Confiança.

A porcentagem de predições de regra correta.

Suporte de Regra.

A porcentagem de casos para os quais a regra é verdadeira. Por exemplo, se a regra for "If x=1 and y=2, then z=3," o suporte de regra será a porcentagem real de casos nos dados para os quais x=1, y=2 e z=3.

Elevação.

Elevação é uma medida do quanto a regra melhora a predição em comparação com a chance aleatória. É a razão de predições corretas para a ocorrência geral do valor predito. O valor deve ser maior que 1. Por exemplo, se o valor predito ocorrer 20% do tempo e a confiança na predição for 80%, então o valor de elevação será 4.

Suporte de Condição.

A porcentagem de casos para os quais a condição da regra existe. Por exemplo, se a regra for "If x=1 and y=2, then z=3", o suporte de condição é a proporção de casos nos dados para os quais x=1 e y=2.

Implementabilidade.

A porcentagem de predições incorretas quando as condições são verdadeiras. A implementabilidade é igual a (1-confiança) multiplicado pelo suporte de condição ou ao suporte de condição menos o suporte de regra.

Salve

Salvar o mapa e dados de contexto como uma especificação de mapa

Salve as especificações de mapa em um arquivo externo (.mplan). É possível carregar esse arquivo de especificação de mapa no assistente para análises subsequentes. Também é possível utilizar o arquivo de especificação de mapa com o comando SPATIAL ASSOCIATION RULES.

Copiar quaisquer arquivos de mapas e de dados na especificação

Dados de arquivos de formas de mapa, arquivos de dados externos e conjuntos de dados utilizados na especificação de mapa são salvos no arquivo de especificação de mapa.

Escoragem

Salva os melhores valores de regras, valores de confiança para as regras e os valores de ID numérico para as regras como novos campos na origem de dados especificada.

Origem de Dados para Escorar

Uma ou mais origens de dados em que os novos campos são criados. Se a origem de dados não estiver aberta na sessão atual, ela será aberta na sessão atual. O arquivo modificado deve ser salvo explicitamente para salvar os novos campos.

Valores de Resposta

Crie novos campos para os campos de destino (predição) selecionados.

- Dois novos campos são criados para cada campo de destino: valor predito e valor de confiança.
- Para campos de variáveis resposta contínuas (escala), o valor predito é uma sequência de caracteres que descreve um intervalo de valores. Um valor no formato "(value1, value2]" significa "maior que value1 e menor ou igual a value2".

Número de melhores regras

Crie novos campos para o número de melhores regras especificadas. Três novos campos são criados para cada regra: valor da regra, valor de confiança e um valor de ID numérico para a regra.

Prefixo do Nome

Prefixo a ser utilizado para os novos nomes de campo.

Construção de Regra

Os parâmetros de construção de regra configuram os critérios para as regras de associação geradas.

Itens por Regra

Número de valores de campo que podem ser incluídos nas condições da regra e predições. O número total de itens não pode exceder 10. Por exemplo, na regra "If x=1 and y=2, then z=3", há dois itens de condição e um item de predição.

Máximo de predições.

Número máximo de valores de campo que podem ocorrer nas predições para uma regra.

Máximo de condições.

Número máximo de valores de campo que podem ocorrer nas condições para uma regra.

Excluir par

Exclui os pares de campos especificados de serem incluídos na mesma regra.

Critérios de Regra

Confiança.

Confiança mínima que uma regra deve ter para ser incluída na saída. A confiança é a porcentagem de predições corretas.

Suporte de Regra.

Suporte de regra mínimo que uma regra deve ter para ser incluída na saída. O valor representa a porcentagem de casos para os quais a regra é verdadeira nos dados observados. Por exemplo, se a regra for "If x=1 and y=2, then z=3," o suporte de regra será a porcentagem real de casos nos dados para os quais x=1, y=2 e z=3.

Suporte de Condição.

Suporte de condição mínimo que uma regra deve ter para ser incluída na saída. O valor representa a porcentagem de casos para os quais a condição existe. Por exemplo, se a regra for "If x=1 and y=2, then z=3", o suporte de condição é a porcentagem de casos nos dados para os quais x=1 e y=2.

Elevação.

Elevação mínima que uma regra deve ter para ser incluída na saída. Elevação é uma medida do quanto a regra melhora a predição em uma chance aleatória. É a razão de predições corretas para a ocorrência geral do valor predito. Por exemplo, se o valor predito ocorrer 20% do tempo e a confiança na predição for 80%, então o valor de elevação será 4.

Tratar como iguais

Identifica pares de campos que devem ser tratados como o mesmo campo.

Categorização e Agregação

- A agregação é necessária quando houver mais registros nos dados do que recursos no mapa. Por exemplo, você possui registros de dados para estados individuais, mas também possui um mapa de estados.
- É possível especificar o método de medida de sumarização agregada para campos contínuos e ordinais. Os campos nominais são agregados com base no valor modal.

Contínuo

Para campos contínuos (escala), a medida de sumarização pode ser média, mediana ou soma.

Ordinal

Para os campos ordinais, a medida de sumarização pode ser mediana, modo, mais alta ou mais baixa.

Número de categorias

Configura o número máximo de categorias para campos contínuos (escala). Os campos contínuos são sempre agrupados ou "categorizados" em intervalos de valores. Por exemplo: menor ou igual a 5, maior que 5 e menor ou igual a 10 ou maior que 10.

Agregar o mapa

Aplique agregação para dados e mapas.

Configurações customizadas para campos específicos

É possível substituir a medida de sumarização padrão e o número de categorias para campos específicos.

- Clique no ícone para abrir o diálogo **Seletor de Campos** e selecione um campo para incluir na lista.
- Na coluna **Agregação**, selecione uma medida de sumarização.
- Para campos contínuos, clique no botão na coluna **Categorias** para especificar um número customizado de categorias para o campo no diálogo **Categorias**.

Predição temporal espacial

Para predição temporal espacial, após definir mapas e origens de dados, as etapas restantes no assistente são:

- Especificar o campo de destino, os campos de tempo e os preditores opcionais.
- Definir intervalos de tempo ou períodos cíclicos para campos de tempo.

Opcionalmente, também é possível:

- Selecionar opções de saída diferentes.
- Customizar parâmetros de construção de modelo.
- Customizar configurações de agregação.
- Salvar valores preditos em um conjunto de dados na sessão atual ou em um arquivo de dados formatados do IBM SPSS Estatísticas .

Selecionar Campos

A lista de campos disponíveis inclui campos de origens de dados selecionadas. É possível controlar a lista de campos exibidos ao selecionar uma origem de dados a partir da lista **Origens de Dados**.

Destino

Um campo de destino é necessário. O destino é o campo para o qual os valores são preditos.

- O campo de destino deve ser um campo numérico contínuo (escala).
- Se houver duas origens de dados, o destino é estimativas da densidade de kernel, e "Densidade" é exibido como o nome de destino. Essa seleção não pode ser alterada.

Preditores

Um ou mais campos preditores podem ser especificados. Esta configuração é opcional.

Campos de Tempo

Deve-se selecionar um ou mais campos que representem períodos de tempo ou selecionar **Períodos Cíclicos**.

- Se houver duas origens de dados, deve-se selecionar os campos de tempo a partir de ambas as origens de dados. Ambos os campos de tempo devem representar o mesmo intervalo.
- Para períodos cíclicos, deve-se especificar os campos que definem ciclos de periodicidade no painel **Intervalos de Tempo** do assistente.

Intervalos de Tempo

As opções nesse painel baseiam-se na opção de **Campos de Tempo** ou **Período cíclico** no passo para selecionar campos.

Campos de Hora

Campos de Tempo Selecionados. Se selecionar um ou mais campos de tempo no passo de seleção de campos, esses campos serão exibidos nesta lista.

Intervalo de Tempo. Selecione o intervalo de tempo apropriado na lista. Dependendo do intervalo de tempo, também é possível especificar outras configurações, como o intervalo entre as observações (incremento) e valores iniciais. Esse intervalo de tempo é utilizado para todos os campos de tempo selecionados.

- O procedimento supõe que todos os casos (registros) representam intervalos igualmente espaçados.
- Com base no intervalo de tempo selecionado, o procedimento poderá detectar observações omissas ou diversas observações no mesmo intervalo de tempo que precisam ser agregadas. Por exemplo, se o intervalo de tempo for dias e a data 2014-10-27 for seguida por 2014-10-29, então há uma observação omissa para 2014-10-28. Se o intervalo de tempo for mês, então diversas datas no mesmo mês serão agregadas.
- Para alguns intervalos de tempo, uma configuração adicional pode definir quebras nos intervalos normais igualmente espaçados. Por exemplo, se o intervalo de tempo for dias, mas apenas dias da semana forem válidos, será possível especificar que há cinco dias em uma semana, com a semana iniciando na segunda-feira.
- Se o campo de tempo selecionado não for um campo de formato de data ou de formato de hora, o intervalo de tempo será configurado automaticamente para **Períodos** e não poderá ser alterado.

Campos de ciclo

Se selecionar **Período cíclico** no passo para selecionar campos, deve-se especificar os campos que definem os períodos cíclicos. Um período cíclico identifica a variação cíclica repetitiva, como o número de meses em um ano ou o número de dias em uma semana.

- É possível especificar até três campos que definem períodos cíclicos.
- O primeiro campo de ciclo representa o nível mais alto do ciclo. Por exemplo, se houver uma variação cíclica por ano, trimestre e mês, o campo que representa o ano é o primeiro campo de ciclo.
- A duração do ciclo para os primeiro e segundo campos de ciclo é a periodicidade no nível subsequente. Por exemplo, se os campos de ciclo forem ano, trimestre e mês, a primeira duração do ciclo será 4 e a segunda duração do ciclo será 3.
- O valor de início para os segundos e terceiro campos de ciclo é o primeiro valor em cada um desses períodos cíclicos.
- Os valores de duração de ciclo e inicial devem ser números inteiros positivos.

Agregação

- Se selecionar quaisquer **Preditores** no passo para selecionar campos, será possível selecionar o método de sumarização de agregação para os preditores.
- A agregação é necessária quando houver mais de um registro em um intervalo de tempo definido. Por exemplo, se o intervalo de tempo for mês, então diversas datas no mesmo mês serão agregadas.
- É possível especificar o método de medida de sumarização de agregação para campos contínuos e ordinais. Os campos nominais são agregados com base no valor modal.

Contínuo

Para campos contínuos (escala), a medida de sumarização pode ser média, mediana ou soma.

Ordinal

Para os campos ordinais, a medida de sumarização pode ser mediana, modo, mais alta ou mais baixa.

Configurações customizadas para campos específicos

É possível substituir a medida de sumarização de agregação padrão para preditores específicos.

- Clique no ícone para abrir o diálogo **Seletor de Campos** e selecione um campo para incluir na lista.
- Na coluna **Agregação**, selecione uma medida de sumarização.

Saída

Mapas

Valores de destino.

Mapa de valores para o campo de destino selecionado.

Correlação

Mapa de correlações.

Clusters

Mapa que destaca os clusters de localizações que são semelhantes entre si. Mapas de clusters estão disponíveis apenas para os modelos empíricos.

Limite de similaridade de localização

A similaridade que é necessária para criar os clusters. O valor deve ser um número maior que zero e menor que 1.

Especifique o número máximo de clusters.

O número máximo de clusters para exibir.

Tabelas de Avaliação de Modelo

Especificações de Modelo.

Sumarização das especificações que são utilizadas para executar a análise, incluindo campos de destino, de entrada e de localizações.

Sumarização de Informações Temporais.

Identifica os campos e intervalos de tempo que são utilizados no modelo.

Testes de Efeitos na Estrutura de Média.

A saída inclui valor de estatísticas do teste, graus de liberdade e o nível de significância para o modelo e cada efeito.

Estrutura de Média de Coeficientes do Modelo.

A saída inclui o valor do coeficiente, o erro padrão, o valor de estatísticas de teste, o nível de significância e os intervalos de confiança para cada termo modelo.

Coeficientes Autorregressivos.

A saída inclui o valor do coeficiente, o erro padrão, o valor de estatísticas de teste, o nível de significância e os intervalos de confiança para cada lag.

Testes de Covariância Espacial.

Para modelos paramétricos baseados em variograma, exibe os resultados de teste de qualidade de ajuste para a estruturas de covariâncias espaciais. Os resultados do teste podem determinar

se é necessário modelar a estruturas de covariâncias espaciais parametricamente ou utilizar um modelo não paramétrico.

Covariância Espacial Paramétrica.

Para modelos paramétricos baseados em variograma, exibe as estimativas paramétrica para covariância espacial paramétrica.

Opções de Modelo

Configurações de modelo

Incluir automaticamente um intercepto

Inclui o intercepto no modelo.

Lag máximo de autorregressão

O lag máximo de autorregressão. O valor deve ser um número inteiro entre 1 e 5.

Covariância espacial

Especifica o método de estimação para covariância espacial.

Paramétrico

O método de estimação é paramétrico. O método pode ser **Gaussiano**, **Exponencial** ou **Potência Exponencial**. Para Potência Exponencial, é possível especificar o valor de **Potência**.

Não paramétrico

O método de estimação é não paramétrico.

Salvar

Salvar o mapa e dados de contexto como uma especificação de mapa

Salve as especificações de mapa em um arquivo externo (.mplan). É possível carregar esse arquivo de especificação de mapa no assistente para análises subsequentes. Também é possível utilizar o arquivo de especificação de mapa com o comando SPATIAL TEMPORAL PREDICTION.

Copiar quaisquer arquivos de mapas e de dados na especificação

Dados de arquivos de formas de mapa, arquivos de dados externos e conjuntos de dados que são utilizados na especificação de mapa são salvos no arquivo de especificação de mapa.

Escoragem

Salva valores preditos, a variância e limites de confiança superior e inferior para o campo de destino no arquivo de dados selecionado.

- É possível salvar valores preditos em um conjunto de dados aberto na sessão atual ou em um arquivo de dados de formato do IBM SPSS Estatísticas .
- O arquivo de dados não pode ser uma origem de dados que é utilizada no modelo.
- O arquivo de dados deve conter todos os campos de tempo e preditores que são utilizados no modelo.
- Os valores de tempo devem ser maiores que os valores de tempo utilizados no modelo.

Avançado

Máximo de casos com valores omissos (%)

A porcentagem máxima de casos com valores omissos.

Nível de significância

O nível de significância para determinar se um modelo paramétrico baseado em variograma é apropriado. O valor deve ser maior que 0 e menor que 1. O valor padrão é 0,05. O nível de significância é utilizado no teste de Qualidade do ajuste para a estruturas de covariâncias espacial. A estatística de Qualidade do ajuste é utilizada para determinar se um modelo paramétrico ou não paramétrico deve ser utilizado.

Fator de incerteza (%)

O fator de incerteza é um valor percentual que representa o crescimento da incerteza para futuras previsões. Os limites superior e inferior de incerteza da previsão aumentam de acordo com a porcentagem especificada para cada passo no futuro.

Conclusão

No último passo do Assistente de Modelagem Geoespacial, é possível executar o modelo ou colar a sintaxe de comando gerada em uma janela de sintaxe. É possível modificar e salvar a sintaxe gerada para uso subsequente.

Avisos

Essas informações foram desenvolvidas para produtos e serviços oferecidos nos Estados Unidos. Esse material pode estar disponível a partir da IBM em outros idiomas. No entanto, pode ser necessário possuir uma cópia do produto ou da versão do produto nesse idioma para acessá-lo.

É possível que a IBM não ofereça os produtos, serviços ou recursos discutidos nesta publicação em outros países. Consulte um representante IBM local para obter informações sobre produtos e serviços disponíveis atualmente em sua área. Qualquer referência a produtos, programas ou serviços IBM não significa que apenas produtos, programas ou serviços IBM possam ser utilizados. Qualquer outro produto, programa ou serviço, funcionalmente equivalente, poderá ser utilizado em substituição daqueles, desde que não infrinja nenhum direito de propriedade intelectual da IBM. Entretanto, a avaliação e verificação da operação de qualquer produto, programa ou serviço não IBM são de responsabilidade do Cliente.

A IBM pode ter patentes ou solicitações de patentes pendentes relativas a assuntos tratados nesta publicação. O fornecimento desta publicação não lhe garante direito algum sobre tais patentes. Pedidos de licença devem ser enviados, por escrito, para:

Gerência de Relações Comerciais e Industriais da IBM Brasil
IBM Brasil Ltda
Botafogo
Rio de Janeiro, RJ
CEP 22290-240

Para pedidos de licença relacionados a informações de DBCS (Conjunto de Caracteres de Byte Duplo), entre em contato com o Departamento de Propriedade Intelectual da IBM em seu país ou envie pedidos de licença, por escrito, para:

Intellectual Property Licensing
Legal and Intellectual Property Law
IBM Japan Ltd.
19-21, Nihonbashi-Hakozakicho, Chuo-ku
Tokyo 103-8510, Japan

A INTERNATIONAL BUSINESS MACHINES CORPORATION FORNECE ESTA PUBLICAÇÃO "NO ESTADO EM QUE SE ENCONTRA", SEM GARANTIA DE NENHUM TIPO, SEJA EXPRESSA OU IMPLÍCITA, INCLUINDO, MAS A ELAS NÃO SE LIMITANDO, AS GARANTIAS IMPLÍCITAS DE NÃO INFRAÇÃO, COMERCIALIZAÇÃO OU ADEQUAÇÃO A UM DETERMINADO PROPÓSITO. Alguns países não permitem a exclusão de garantias expressas ou implícitas em certas transações; portanto, essa disposição pode não se aplicar ao Cliente.

Essas informações podem conter imprecisões técnicas ou erros tipográficos. São feitas alterações periódicas nas informações aqui contidas; tais alterações serão incorporadas em futuras edições desta publicação. A IBM pode, a qualquer momento, aperfeiçoar e/ou alterar os produtos e/ou programas descritos nesta publicação, sem aviso prévio.

Todas as referências nestas informações para websites não IBM são fornecidas apenas para conveniência e não de forma a servir como um endosso a esses websites. Os materiais contidos nesses websites não fazem parte dos materiais desse produto IBM e a utilização desses websites é de inteira responsabilidade do Cliente.

A IBM por usar ou distribuir as informações fornecidas da forma que julgar apropriada sem incorrer em qualquer obrigação para com o Cliente.

Licenciados deste programa que desejam obter informações sobre este assunto com objetivo de permitir: (i) a troca de informações entre programas criados independentemente e outros programas (incluindo este) e (ii) a utilização mútua das informações trocadas, devem entrar em contato com:

Gerência de Relações Comerciais e Industriais da IBM Brasil
IBM Brasil Ltda

*Botafogo
Rio de Janeiro, RJ
CEP 22290-240*

Tais informações podem estar disponíveis, sujeitas a termos e condições apropriadas, incluindo em alguns casos o pagamento de uma taxa.

O programa licenciado descrito nesta publicação e todo o material licenciado disponível são fornecidos pela IBM sob os termos do Contrato com o Cliente IBM, do Contrato Internacional de Licença do Programa IBM ou de qualquer outro contrato equivalente.

Os exemplos de dados de desempenho e do Cliente citados são apresentados apenas para propósitos ilustrativos. Resultados de desempenho reais podem variar dependendo das configurações específicas e das condições operacionais.

Informações relativas a produtos não IBM foram obtidas junto aos fornecedores dos respectivos produtos, de seus anúncios publicados ou de outras fontes disponíveis publicamente. A IBM não testou esses produtos e não pode confirmar a precisão de seu desempenho ou de sua compatibilidade, nem quaisquer reclamações relacionadas aos produtos não IBM. Perguntas sobre os recursos de produtos não IBM devem ser endereçadas aos fornecedores desses produtos.

Instruções relativas à direção futura ou intento da IBM estão sujeitas a mudança ou retirada sem aviso e representam metas e objetivos apenas.

Estas informações contêm exemplos de dados e relatórios utilizados nas operações diárias de negócios. Para ilustrá-los da forma mais completa possível, os exemplos incluem nomes de indivíduos, empresas, marcas e produtos. Todos esses nomes são fictícios e qualquer semelhança com pessoas ou empresas reais é mera coincidência.

LICENÇA DE COPYRIGHT:

Estas informações contêm programas de aplicativos de amostra na linguagem fonte, ilustrando as técnicas de programação em diversas plataformas operacionais. O Cliente pode copiar, modificar e distribuir estes programas de amostra sem a necessidade de pagar à IBM, com objetivos de desenvolvimento, utilização, marketing ou distribuição de programas aplicativos em conformidade com a interface de programação de aplicativo para a plataforma operacional para a qual os programas de amostra são criados. Esses exemplos não foram testados completamente em todas as condições. Portanto, a IBM não pode garantir ou implicar a confiabilidade, manutenção ou função destes programas. Os programas de amostra são fornecidos "NO ESTADO EM QUE SE ENCONTRAM", sem garantia de qualquer tipo. A IBM não será responsabilizada por quaisquer danos decorrentes do uso dos programas de amostra.

Cada cópia ou parte destes programas de amostra ou qualquer trabalho derivado deve incluir um aviso de copyright com os dizeres:

© Copyright IBM Corp. 2021. Partes deste código são derivadas de Programas de Amostra da IBM Corp. Programas de amostra.

© Copyright IBM Corp. 1989 - 2021. Todos os direitos reservados.

Marcas comerciais

IBM, o logotipo IBM e ibm.com são marcas comerciais ou marcas registradas da International Business Machines Corp., registradas em várias jurisdições no mundo todo. Outros nomes de produto e de serviço podem ser marcas registradas da IBM ou de outras empresas. A lista atual de marcas comerciais da IBM está disponível na web em "Copyright and trademark information" em www.ibm.com/legal/copytrade.shtml.

Adobe, o logotipo Adobe, PostScript e o logotipo PostScript são marcas registradas ou marcas comerciais da Adobe Systems Incorporated nos Estados Unidos e/ou em outros países.

Intel, o logotipo Intel, Intel Inside, o logotipo Intel Inside, Intel Centrino, o logotipo Intel Centrino, Celeron, Intel Xeon, Intel SpeedStep, Itanium e Pentium são marcas comerciais ou marcas registradas da Intel Corporation ou de suas subsidiárias nos Estados Unidos e em outros países.

Linux é uma marca registrada da Linus Torvalds nos Estados Unidos, e/ou em outros países.

Microsoft, Windows, Windows NT e o logotipo Windows são marcas comerciais da Microsoft Corporation nos Estados Unidos e/ou em outros países.

UNIX é uma marca registrada da The Open Group nos Estados Unidos e em outros países.

Java e todas as marcas comerciais e logotipos baseados em Java são marcas comerciais ou marcas registradas da Oracle e/ou suas afiliadas.

Índice remissivo

Caracteres Especiais

- índice de concentração
 - em Estatísticas de Razão [256](#)
- Ômega de McDonald
 - na Análise de confiabilidade [249](#), [251](#)
- último
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizar [99](#)

Numérico

- 2 T de Hotelling
 - na Análise de confiabilidade [249](#), [251](#)

A

- Agresti-Caffo
 - em Proporções de amostras independentes [113](#)
- Agresti-Coull
 - em proporções de uma amostra [107](#)
- Agresti-Min
 - em proporções de amostras emparelhadas [110](#)
- ajuste de distribuição
 - na simulação [272](#)
- ajuste de distribuição automática
 - na simulação [272](#)
- alocação de memória
 - na Análise de Cluster TwoStep [209](#)
- alpha de Cronbach
 - na Análise de confiabilidade [249](#), [251](#)
- amostra de treinamento
 - na Análise do vizinho mais próximo [194](#)
- amostra de validação
 - na Análise do vizinho mais próximo [194](#)
- amostras relacionadas [237](#), [240](#)
- amplitude múltipla de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch
 - no GLM [129](#)
 - no One-Way ANOVA [121](#)
- Análise de Característica de Operação do Receptor
 - estatísticas e gráficos [263](#), [264](#)
- análise de cluster
 - Análise de cluster hierárquica [215](#)
 - Análise de cluster por K-médias [217](#)
 - eficiência [218](#)
- Análise de cluster de dois passos
 - estatísticas [210](#)
 - opções [209](#)
 - salvar em arquivo externo [210](#)
 - salvar no arquivo de trabalho [210](#)
- Análise de cluster hierárquica
 - armazenando casos em cluster [215](#)
 - armazenando variáveis em cluster [215](#)
 - associação de cluster [216](#), [217](#)
 - dendrogramas [216](#)
 - estatísticas [215](#), [216](#)

- Análise de cluster hierárquica (*continuação*)
 - exemplo [215](#)
 - gráfico icicle [216](#)
 - matrizes de distância [216](#)
 - medidas de distância [216](#)
 - medidas de similaridade [216](#)
 - medidas de transformação [216](#)
 - métodos de clusterização [216](#)
 - orientação do gráfico [216](#)
 - planejamentos de aglomeração [216](#)
 - recursos adicionais do comando [217](#)
 - salvando novas variáveis [217](#)
 - valores de transformação [216](#)
- Análise de cluster por K-médias
 - associação de cluster [218](#)
 - critérios de convergência [218](#)
 - distâncias de cluster [218](#)
 - eficiência [218](#)
 - estatísticas [217](#), [219](#)
 - exemplos [217](#)
 - iterações [218](#)
 - métodos [217](#)
 - recursos adicionais do comando [219](#)
 - salvando informações do cluster [218](#)
 - valores omissos [219](#)
 - visão geral [217](#)
- análise de componentes principais [203](#), [204](#)
- Análise de confiabilidade
 - 2 T de Hotelling [251](#)
 - coeficiente de correlação intraclass [251](#)
 - correlações e covariâncias entre itens [251](#)
 - descritiva [251](#)
 - estatísticas [249](#), [251](#)
 - exemplo [249](#)
 - Kuder-Richardson 20 [251](#)
 - recursos adicionais do comando [253](#)
 - Tabela de ANOVA [251](#)
 - Teste de aditividade de Tukey [251](#)
- análise de múltiplas respostas
 - Frequências de múltiplas respostas [242](#)
 - tabelas de frequência [242](#)
 - tabulação cruzada [243](#)
 - Tabulações cruzadas de múltiplas respostas [243](#)
- Análise de potência
 - estatísticas [1](#)
- análise de sensibilidade
 - na simulação [275](#)
- análise de série temporal
 - prevendo casos [188](#)
 - previsão [188](#)
- análise de variância
 - em Médias [101](#)
 - na Curva de Estimção [187](#)
 - Na Regressão Linear [170](#)
 - no One-Way ANOVA [119](#)
- análise de what-if
 - na simulação [275](#)

Análise discriminante
 coeficientes de função [200](#)
 critérios [201](#)
 definindo intervalos [200](#)
 Distância de Mahalanobis [201](#)
 estatísticas [199](#), [200](#)
 estatísticas descritivas [200](#)
 exemplo [199](#)
 exportando informações de modelo [202](#)
 gráficos [202](#)
 Lambda de Wilks [201](#)
 matriz de covariâncias [202](#)
 matrizes [200](#)
 métodos discriminantes [201](#)
 métodos stepwise [199](#)
 opções de exibição [201](#), [202](#)
 probabilidades anteriores [202](#)
 recursos adicionais do comando [202](#)
 salvando variáveis de ordenação [202](#)
 selecionando casos [200](#)
 V de Rao [201](#)
 valores omissos [202](#)
 variáveis de agrupamento [199](#)
 variáveis independentes [199](#)
 Análise do vizinho mais próximo
 opções [196](#)
 partições [194](#)
 saída [195](#)
 salvando variáveis [195](#)
 seleção de variável [194](#)
 visualização do modelo [196](#)
 vizinhos [193](#)
 Análise fatorial
 carregando gráficos [205](#)
 convergência [204](#), [205](#)
 descritiva [204](#)
 escores dos fatores [206](#)
 estatísticas [203](#), [204](#)
 exemplo [203](#)
 formato de exibição de coeficiente [206](#)
 métodos de extração [204](#)
 métodos de rotação [205](#)
 recursos adicionais do comando [206](#)
 selecionando casos [204](#)
 valores omissos [206](#)
 visão geral [203](#)
 Análise PROXMAP [140](#), [142](#)
 ANOVA
 em Médias [101](#)
 em modelos lineares [165](#)
 modelo [125](#)
 no GLM Univariate [123](#)
 no One-Way ANOVA [119](#)
 ANOVA Unidirecional
 comparações múltiplas [121](#)
 contrastes [120](#)
 contrastes polinomiais [120](#)
 estatísticas [122](#)
 opções [122](#)
 recursos adicionais do comando [123](#)
 testes post hoc [121](#)
 valores omissos [122](#)
 variáveis de fator [119](#)
 Anscombe

(continuação)
 em proporções de uma amostra [107](#)
 assimetria
 em Cubos OLAP [104](#)
 em Descritivos [89](#)
 em Frequências [87](#)
 em Médias [101](#)
 em Sumarizações de Relatórios em Colunas [248](#)
 em Sumarizações de Relatórios em Linhas [246](#)
 em Sumarizar [99](#)
 no Explore [92](#)
 associação linear por linear
 em Tabulações Cruzadas [95](#)
 autovalores
 na Análise fatorial [204](#)
 Na Regressão Linear [170](#)

B

bagging
 em modelos lineares [161](#)
 Binário de Metanálise
 Diálogo Análise [58](#)
 Diálogo Aparar e Preencher [61](#)
 Diálogo Contraste [60](#)
 Diálogo Critérios [56](#)
 Diálogo Gráfico [64](#)
 Diálogo Imprimir [62](#)
 Diálogo Inferência [59](#)
 Diálogo Salvar [63](#)
 Diálogo Viés [60](#)
 Guia Gráfico de Bolhas [79](#)
 Guia Gráfico de Floresta [77](#)
 Guia Gráfico de Floresta Acumulativo [78](#)
 Guia Gráfico de Funil [80](#)
 Guia Gráfico de Galbraith [81](#)
 Guia Gráfico de L'Abbé [82](#)
 Binômio ajustado para Mid-p
 em proporções de amostras emparelhadas [110](#)
 Binômio exato
 em proporções de amostras emparelhadas [110](#)
 Bland Altman
 análise de contratos [135](#), [136](#)
 Bonett-Price
 em proporções de amostras emparelhadas [110](#)
 Bonferroni
 no GLM [129](#)
 no One-Way ANOVA [121](#)
 boosting
 em modelos lineares [161](#)
 boxplots
 comparando variáveis [92](#)
 comparar níveis de fator [92](#)
 na simulação [279](#)
 no Explore [92](#)
 Brown-Li-Jeffreys
 em Proporções de amostras independentes [113](#)

C

C de Dunnett
 no GLM [129](#)

C de Dunnett (*continuação*)
 no One-Way ANOVA [121](#)
 camadas
 em Tabulações Cruzadas [95](#)
 carregando gráficos
 na Análise fatorial [205](#)
 categoria de referência
 no GLM [126](#), [127](#)
 ChiSquare [136](#), [137](#)
 Clopper-Pearson (Exato)
 em proporções de uma amostra [107](#)
 clusterização
 escolhendo um procedimento [207](#)
 exibição geral [211](#)
 visualizando clusters [211](#)
 coeficiente alfa
 na Análise de confiabilidade [249](#), [251](#)
 coeficiente de concordância de Kendall (W)
 Testes Não Paramétricos de Amostras Relacionadas [228](#)
 coeficiente de contingência
 em Tabulações Cruzadas [95](#)
 coeficiente de correlação de posto
 em Correlações Bivariadas [137](#)
 coeficiente de correlação de Spearman
 em Correlações Bivariadas [137](#)
 em Tabulações Cruzadas [95](#)
 coeficiente de correlação intraclass (ICC)
 na Análise de confiabilidade [251](#)
 coeficiente de correlação r
 em Correlações Bivariadas [137](#)
 em Tabulações Cruzadas [95](#)
 coeficiente de dispersão (COD)
 em Estatísticas de Razão [256](#)
 coeficiente de incerteza
 em Tabulações Cruzadas [95](#)
 coeficiente de variação (COV)
 em Estatísticas de Razão [256](#)
 coeficientes betas
 Na Regressão Linear [170](#)
 coeficientes de regressão
 Na Regressão Linear [170](#)
 combinações
 em modelos lineares [163](#)
 comparação de métodos
 em Bland Altman [135](#)
 comparações múltiplas
 no One-Way ANOVA
 [121](#)
 comparando grupos
 em Cubos OLAP [105](#)
 comparando variáveis
 em Cubos OLAP [105](#)
 Concordância entre avaliadores [251](#)
 confiabilidade de divisão de metade
 na Análise de confiabilidade [249](#), [251](#)
 confiabilidade de Spearman-Brown
 na Análise de confiabilidade [251](#)
 conjuntos de múltiplas respostas
 Livro de códigos [83](#)
 construir termos [125](#), [175](#)
 Construtor de Simulação [269](#)
 contagem esperada
 em Tabulações Cruzadas [97](#)
 contagem observada
 em Tabulações Cruzadas [97](#)
 contrastes
 no GLM [126](#), [127](#)
 no One-Way ANOVA
 [120](#)
 contrastes de desvio
 no GLM [126](#), [127](#)
 contrastes de diferença
 no GLM [126](#), [127](#)
 contrastes de Helmert
 no GLM [126](#), [127](#)
 contrastes polinomiais
 no GLM [126](#), [127](#)
 no One-Way ANOVA
 [120](#)
 contrastes repetidos
 no GLM [126](#), [127](#)
 contrastes simples
 no GLM [126](#), [127](#)
 controle de página
 em relatórios sumarização em colunas [249](#)
 em relatórios sumarização em linha [246](#)
 convergência
 na Análise de Cluster por K-Médias [218](#)
 na Análise fatorial [204](#), [205](#)
 correção de Yates para continuidade
 em Tabulações Cruzadas [95](#)
 Correlação de distância [158](#)
 Correlação de Pearson
 em Correlações Bivariadas [137](#)
 em Tabulações Cruzadas [95](#)
 correlações
 em Correlações Bivariadas [137](#)
 em Correlações Parciais [155](#)
 em Tabulações Cruzadas [95](#)
 na simulação [276](#)
 ordem zero [155](#)
 Correlações Bivariadas
 coeficientes de correlação [137](#)
 estatísticas [139](#)
 intervalo de confiança [137](#)
 intervalos de confiança [139](#)
 nível de significância [137](#)
 opções [139](#)
 recursos adicionais do comando [140](#)
 valores omissos [139](#)
 correlações de ordem zero
 em Correlações Parciais [155](#)
 Correlações parciais
 correlações de ordem zero [155](#)
 estatísticas [155](#)
 Na Regressão Linear [170](#)
 opções [155](#)
 recursos adicionais do comando [156](#)
 valores omissos [155](#)
 criar gráfico
 em Bland Altman [136](#)
 critério de informações de Akaike
 em modelos lineares [162](#)
 critério de prevenção ao super ajuste
 em modelos lineares [162](#)
 critérios
 em Bland Altman [135](#)

- critérios de informações
 - em modelos lineares [162](#)
- critérios de seleção
 - Na Regressão Linear [170](#)
- Cubos OLAP
 - estatísticas [104](#)
 - títulos [105](#)
- curtose
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Descritivos [89](#)
 - em Frequências [87](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizações de Relatórios em Colunas [248](#)
 - em Sumarizações de Relatórios em Linhas [246](#)
 - em Sumarizar [99](#)
 - no Explore [92](#)
- Curva de estimação
 - análise de variância [187](#)
 - incluindo constante [187](#)
 - modelos [188](#)
 - previsão [188](#)
 - salvando intervalos de predição [188](#)
 - salvando resíduos [188](#)
 - salvando valores preditos [188](#)
- Curva ROC
 - estatísticas e gráficos [266](#)

D

- d
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- d de Somers
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- dados
 - em Curva ROC [265](#)
 - na Análise de Característica de Operação do Receptor [262](#)
- decomposição hierárquica [125](#)
- Definir conjuntos de múltiplas respostas
 - categorias [241](#)
 - dicotomias [241](#)
 - nomes de conjunto [241](#)
 - rótulos do conjunto [241](#)
- dendrogramas
 - em Análise de Cluster Hierárquica [216](#)
- Descritivas
 - estatísticas [89](#)
 - ordem de exibição [89](#)
 - recursos adicionais do comando [90](#)
 - salvando escores z [89](#)
- designs para testes de heterocedasticidade
 - no GLM [134](#)
- desvio médio absoluto (AAD)
 - em Estatísticas de Razão [256](#)
- desvio padrão
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Descritivos [89](#)
 - em Estatísticas de Razão [256](#)
 - em Frequências [87](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizações de Relatórios em Colunas [248](#)
 - em Sumarizações de Relatórios em Linhas [246](#)
 - em Sumarizar [99](#)
 - no Explore [92](#)

- DfBeta
 - Na Regressão Linear [169](#)
- DfFit
 - Na Regressão Linear [169](#)
- Diagrama em bolha
 - Regressão de Metanálise [79](#)
- Diálogo Análise
 - Binário de Metanálise [58](#)
 - Metanálise Contínua [41](#)
 - Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [66](#)
 - Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [49](#)
- Diálogo Aparar e Preencher
 - Binário de Metanálise [61](#)
 - Metanálise Contínua [44](#)
 - Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [69](#)
 - Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [52](#)
- Diálogo Contraste
 - Binário de Metanálise [60](#)
 - Metanálise Contínua [43](#)
 - Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [68](#)
 - Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [51](#)
- Diálogo Critérios
 - Binário de Metanálise [56](#)
 - Metanálise Contínua [40, 48](#)
 - Regressão de Metanálise [74](#)
 - Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [65](#)
- Diálogo Gráfico
 - Binário de Metanálise [64](#)
 - Metanálise Contínua [47](#)
 - Regressão de Metanálise [76](#)
 - Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [72](#)
 - Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [55](#)
- Diálogo Imprimir
 - Binário de Metanálise [62](#)
 - Metanálise Contínua [46](#)
 - Regressão de Metanálise [75](#)
 - Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [71](#)
 - Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [54](#)
- Diálogo Inferência
 - Binário de Metanálise [59](#)
 - Metanálise Contínua [42](#)
 - Regressão de Metanálise [74](#)
 - Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [67](#)
 - Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [50](#)
- Diálogo Salvar
 - Binário de Metanálise [63](#)
 - Metanálise Contínua [46](#)
 - Regressão de Metanálise [76](#)
 - Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [72](#)
 - Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [54](#)
- Diálogo Viés
 - Binário de Metanálise [60](#)
 - Metanálise Contínua [44](#)
 - Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [69](#)
 - Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [52](#)
- dicionário
 - Livro de códigos [83](#)
- diferença menos significativa
 - no GLM [129](#)
 - no One-Way ANOVA [121](#)
- diferença significativa honesta de Tukey
 - no GLM [129](#)
 - no One-Way ANOVA [121](#)
- diferenças entre grupos

- diferenças entre grupos (*continuação*)
 - em Cubos OLAP [105](#)
- diferenças entre variáveis
 - em Cubos OLAP [105](#)
- diferencial relacionado a preços (PRD)
 - em Estatísticas de Razão [256](#)
- distância de bloco
 - em Distâncias [157](#)
- distância de Chebychev
 - em Distâncias [157](#)
- distância de City Block
 - na Análise do vizinho mais próximo [193](#)
- Distância de Cook
 - Na Regressão Linear [169](#)
 - no GLM [132](#)
- Distância de Mahalanobis
 - na Análise Discriminante [201](#)
 - Na Regressão Linear [169](#)
- distância de Manhattan
 - na Análise do vizinho mais próximo [193](#)
- distância de Minkowski
 - em Distâncias [157](#)
- Distância euclidiana
 - em Distâncias [157](#)
 - na Análise do vizinho mais próximo [193](#)
- distância euclidiana quadrática
 - em Distâncias [157](#)
- distância qui-quadrado
 - em Distâncias [157](#)
- Distâncias
 - calculando distâncias entre as variáveis [156](#)
 - calcular distâncias entre casos [156](#)
 - estatísticas [156](#)
 - exemplo [156](#)
 - medidas de dissimilaridade [157](#)
 - medidas de similaridade [157](#)
 - medidas de transformação [157](#)
 - recursos adicionais do comando [157](#)
 - valores de transformação [157](#)
- distâncias de vizinho mais próximo
 - na Análise do vizinho mais próximo [198](#)
- diversas comparações post hoc [121](#)
- divisão
 - dividindo entre colunas do relatório [248](#)
- Dois testes de amostras independentes
 - Definindo grupos [237](#)
 - estatísticas [237](#)
 - opções [237](#)
 - recursos adicionais do comando [237](#)
 - tipos de teste [236](#)
 - valores omissos [237](#)
 - variáveis de agrupamento [237](#)

E

- eliminação backward
 - Na Regressão Linear [168](#)
- erro padrão
 - em Curva ROC [266](#)
 - em Descritivos [89](#)
 - em Frequências [87](#)
 - na Análise de Característica de Operação do Receptor [263](#), [264](#)
 - no Explore [92](#)

- erro padrão (*continuação*)
 - no GLM [132](#)
- erro padrão da média
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizar [99](#)
- erro padrão de assimetria
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizar [99](#)
- erro padrão de curtose
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizar [99](#)
- escala
 - na Análise de confiabilidade [249](#)
 - no Kappa ponderado [253](#)
- escores dos fatores [206](#)
- escores dos fatores de Anderson-Rubin [206](#)
- escores dos fatores de Bartlett [206](#)
- escores z
 - em Descritivos [89](#)
 - salvando como variáveis [89](#)
- estatística de Brown-Forsythe
 - no One-Way ANOVA [122](#)
- estatística de Cochran
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- estatística de Durbin-Watson
 - Na Regressão Linear [170](#)
- estatística de Mantel-Haenszel
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- estatística de Welch
 - no One-Way ANOVA [122](#)
- estatística F
 - em modelos lineares [162](#)
- estatística R
 - em Médias [101](#)
 - Na Regressão Linear [170](#)
- estatísticas de proporções da coluna
 - em Tabulações Cruzadas [97](#)
- Estatísticas de razão
 - estatísticas [256](#)
- estatísticas descritivas
 - em Descritivos [89](#)
 - em Estatísticas de Razão [256](#)
 - em Frequências [87](#)
 - em Sumarizar [99](#)
 - na Análise de Cluster TwoStep [210](#)
 - no Explore [92](#)
- estimador de bponderação de Tukey
 - no Explore [92](#)
- estimador de onda de Andrews
 - no Explore [92](#)
- estimador M de Huber
 - no Explore [92](#)
- Estimador M-estimador redescendente de Hampel
 - no Explore [92](#)
- Estimadores M
 - no Explore [92](#)
- estimativas de Hodges-Lehman
 - Testes Não Paramétricos de Amostras Relacionadas [228](#)
- estimativas de parâmetro

- estimativas de parâmetro (*continuação*)
 - em Regressão Ordinal [173](#)
- estudo de caso de controle
 - Teste-T de amostras em pares [116](#)
- estudo de correspondência de pares
 - em Teste T de Amostras Emparelhadas [116](#)
- eta
 - em Médias [101](#)
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- eta quadrado
 - em Médias [101](#)
- Explorar
 - estatísticas [92](#)
 - gráficos [92](#)
 - opções [93](#)
 - recursos adicionais do comando [93](#)
 - transformações de potência [93](#)
 - valores omissos [93](#)

F

- F múltiplo de Ryan-Einot-Gabriel-Welsch
 - no GLM [129](#)
 - no One-Way ANOVA [121](#)
- fator de inflação de variância
 - Na Regressão Linear [170](#)
- fatoração alfa [204](#)
- fatoração de eixo principal [204](#)
- fatoração de imagem [204](#)
- fi
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- Filtros de séries temporais
 - Filtro Baxter king [185](#), [186](#)
 - Filtro Christiano Fitzgerald [185](#), [186](#)
 - Filtro Hodrick Prescott [185](#), [186](#)
- formatação
 - colunas em relatórios [246](#)
- forward stepwise
 - em modelos lineares [162](#)
- Frequências
 - estatísticas [87](#)
 - formatos [88](#)
 - gráficos [88](#)
 - ordem de exibição [88](#)
 - suprimindo tabelas [88](#)
- frequências acumulativas
 - em Regressão Ordinal [173](#)
- frequências de cluster
 - na Análise de Cluster TwoStep [210](#)
- Frequências de múltiplas respostas
 - valores omissos [242](#)
- frequências esperadas
 - em Regressão Ordinal [173](#)
- frequências observadas
 - em Regressão Ordinal [173](#)
- funções de densidade de probabilidade
 - na simulação [278](#)
- funções de distribuição cumulativas
 - na simulação [278](#)

G

- gama
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- gama de Goodman e Kruskal
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- GLM
 - gráficos de perfil [127](#)
 - modelo [125](#)
 - salvando matrizes [132](#)
 - salvando variáveis [132](#)
 - soma dos quadrados [125](#)
 - testes post hoc [129](#)
- GLM Univariate
 - contrastes [126](#), [127](#)
- gráfico de dispersão
 - na simulação [279](#)
- gráfico de espaço da variável
 - na Análise do vizinho mais próximo [196](#)
- Gráfico de floresta [77](#)
- Gráfico de floresta acumulativo [77](#)
- Gráfico de funil [77](#)
- Gráfico de Galbraith [77](#)
- Gráfico de L'Abbé [77](#)
- gráfico icicle
 - em Análise de Cluster Hierárquica [216](#)
- gráficos
 - em Curva ROC [265](#)
 - gráficos de probabilidade [257](#), [260](#)
 - na Análise de Característica de Operação do Receptor [262](#)
 - rótulos case [187](#)
- Gráficos
 - Metanálise [77](#)
- gráficos de barras
 - em Frequências [88](#)
- gráficos de dispersão
 - Na Regressão Linear [168](#)
- gráficos de dispersão versus nível
 - no Explore [92](#)
- gráficos de perfil
 - no GLM [127](#)
- gráficos de probabilidade
 - P-P [257](#)
 - Q-Q [260](#)
- gráficos de probabilidade normal
 - Na Regressão Linear [168](#)
 - no Explore [92](#)
 - P-P [257](#)
 - Q-Q [260](#)
- Gráficos de probabilidade P-P [257](#)
- Gráficos de probabilidade Q-Q [260](#)
- gráficos de ramos e folhas
 - no Explore [92](#)
- gráficos de setores circulares
 - em Frequências [88](#)
- gráficos de tendência normal
 - no Explore [92](#)
- gráficos de tornado
 - na simulação [279](#)
- gráficos parciais
 - Na Regressão Linear [168](#)
- GT2 de Hochberg
 - no GLM [129](#)

GT2 de Hochberg (*continuação*)
no One-Way ANOVA [121](#)

Guia Gráfico de Bolhas
Binário de Metanálise [79](#)
Metanálise Contínua [79](#)
Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [79](#)
Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [79](#)

Guia Gráfico de Floresta
Binário de Metanálise [77](#)
Metanálise Contínua [77](#)
Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [77](#)
Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [77](#)

Guia Gráfico de Floresta Acumulativo
Binário de Metanálise [78](#)
Metanálise Contínua [78](#)
Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [78](#)
Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [78](#)

Guia Gráfico de Funil
Binário de Metanálise [80](#)
Metanálise Contínua [80](#)
Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [80](#)
Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [80](#)

Guia Gráfico de Galbraith
Binário de Metanálise [81](#)
Metanálise Contínua [81](#)
Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [81](#)
Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [81](#)

Guia Gráfico de L'Abbé
Binário de Metanálise [82](#)
Metanálise Contínua [82](#)
Tamanho do Efeito Binário de Metanálise [82](#)
Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise [82](#)

H

H de Kruskal-Wallis
em Testes de duas amostras independentes [239](#)

Hauck-Anderson
em Proporções de amostras independentes [113](#)

histogramas
em Frequências [88](#)
Na Regressão Linear [168](#)
no Explore [92](#)

histórico de iteração
em Regressão Ordinal [173](#)

I

ICC. Consulte coeficiente de correlação intraclasse [251](#)
importância de variável
na Análise do vizinho mais próximo [198](#)

importância do preditor
modelos lineares [164](#)

imprimir
em Bland Altman [136](#)

informações de diagnóstico de colinearidade
Na Regressão Linear [170](#)

informações de diagnóstico entre casos
Na Regressão Linear [170](#)

intervalo
em Cubos OLAP [104](#)
em Descritivos [89](#)

intervalo (*continuação*)
em Estatísticas de Razão [256](#)
em Frequências [87](#)
em Médias [101](#)
em Sumarizar [99](#)

intervalo de confiança
em Correlações Bivariadas [137](#)

Intervalos de Clopper-Pearson
Testes Não paramétricos de uma amostra [221](#)

intervalos de confiança
em Correlações Bivariadas [139](#)
em Curva ROC [266](#)
em Teste T de Amostras Emparelhadas [117](#)
em Teste T de Amostras Independentes [116](#)
em Teste T de Uma Amostra [118](#)
na Análise de Característica de Operação do Receptor [263](#), [264](#)
Na Regressão Linear [170](#)
no Explore [92](#)
no GLM [126](#)
no One-Way ANOVA [122](#)
salvando na Regressão Linear [169](#)

Intervalos de Jeffreys
Testes Não paramétricos de uma amostra [221](#)

intervalos de predição
salvando em Curva de Estimção [188](#)
salvando na Regressão Linear [169](#)

intervalos de razão de verossimilhança
Testes Não paramétricos de uma amostra [221](#)

iterações
na Análise de Cluster por K-Médias [218](#)
na Análise fatorial [204](#), [205](#)

J

Jeffreys
em proporções de uma amostra [107](#)

K

k e seleção de variável
na Análise do vizinho mais próximo [199](#)

kappa
em Tabulações Cruzadas [95](#)
Kappa de avaliador múltiplo de Fleiss [249](#), [251](#)
kappa de Cohen
em Tabulações Cruzadas [95](#)

Kappa ponderado
critérios [254](#)
estatísticas [253](#), [254](#)
exemplo [253](#)
imprimir [255](#)
tabulação cruzada [255](#)
Kappa ponderado de Cohen [253–255](#)
KR20

na Análise de confiabilidade [251](#)
Kuder-Richardson 20 (KR20)
na Análise de confiabilidade [251](#)

L

lambda
em Tabulações Cruzadas [95](#)

- lambda de Goodman e Kruskal
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- Lambda de Wilks
 - na Análise Discriminante [201](#)
- limite inicial
 - na Análise de Cluster TwoStep [209](#)
- Linear [158](#)
- link
 - em Regressão Ordinal [173](#)
- listando casos [98](#)
- Livro de códigos
 - estatísticas [85](#)
 - saída [84](#)
- Logit
 - em proporções de uma amostra [107](#)
- LSD de Fisher
 - no GLM [129](#)

M

- mapa de quadrante
 - na Análise do vizinho mais próximo [198](#)
- MAPEAMENTO DE PROXIMIDADE [140](#), [142](#)
- matriz de correlações
 - em Regressão Ordinal [173](#)
 - na Análise Discriminante [200](#)
 - na Análise fatorial [203](#), [204](#)
- matriz de covariâncias
 - em Regressão Ordinal [173](#)
 - na Análise Discriminante [200](#), [202](#)
 - Na Regressão Linear [170](#)
 - no GLM [132](#)
- matriz de padrão
 - na Análise fatorial [203](#)
- matriz de transformação
 - na Análise fatorial [203](#)
- máxima verossimilhança
 - na Análise fatorial [204](#)
- máximo
 - comparando colunas de relatório [248](#)
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Descritivos [89](#)
 - em Estatísticas de Razão [256](#)
 - em Frequências [87](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizar [99](#)
 - no Explore [92](#)
- máximo de ramificações
 - na Análise de Cluster TwoStep [209](#)
- McFadden R2
 - em Regressão Ordinal [173](#)
- McNemar
 - em proporções de amostras emparelhadas [110](#)
- McNemar (continuidade corrigida)
 - em proporções de amostras emparelhadas [110](#)
- média
 - de diversas colunas de relatório [248](#)
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Descritivos [89](#)
 - em Estatísticas de Razão [256](#)
 - em Frequências [87](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizações de Relatórios em Colunas [248](#)
 - em Sumarizações de Relatórios em Linhas [246](#)
- média (*continuação*)
 - em Sumarizar [99](#)
 - no Explore [92](#)
 - no One-Way ANOVA [122](#)
 - subgrupo [101](#), [103](#)
- média aparada
 - no Explore [92](#)
- média geométrica
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizar [99](#)
- média harmônica
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizar [99](#)
- média ponderada
 - em Estatísticas de Razão [256](#)
- mediana
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Estatísticas de Razão [256](#)
 - em Frequências [87](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizar [99](#)
 - no Explore [92](#)
- mediana agrupada
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizar [99](#)
- Médias
 - estatísticas [101](#)
 - opções [101](#)
- médias de grupo [101](#), [103](#)
- médias de subgrupo [101](#), [103](#)
- medida de diferença de tamanho
 - em Distâncias [157](#)
- medida de diferença padrão
 - em Distâncias [157](#)
- medida de dissimilaridade de Lance e Williams
 - em Distâncias [157](#)
- medida de distância fi-quadrado
 - em Distâncias [157](#)
- medidas de dispersão
 - em Descritivos [89](#)
 - em Estatísticas de Razão [256](#)
 - em Frequências [87](#)
 - no Explore [92](#)
- medidas de distância
 - em Análise de Cluster Hierárquica [216](#)
 - em Distâncias [157](#)
 - na Análise do vizinho mais próximo [193](#)
- medidas de distribuição
 - em Descritivos [89](#)
 - em Frequências [87](#)
- medidas de similaridade
 - em Análise de Cluster Hierárquica [216](#)
 - em Distâncias [157](#)
- medidas de tendência central
 - em Estatísticas de Razão [256](#)
 - em Frequências [87](#)
 - no Explore [92](#)
- melhores subconjuntos
 - em modelos lineares [162](#)
- Metanálise
 - Gráficos [77](#)

Metanálise (*continuação*)
 regressão [38](#)
 resultados binários [38](#)
 resultados contínuos [38](#)
 Metanálise Contínua
 Diálogo Análise [41](#)
 Diálogo Aparar e Preencher [44](#)
 Diálogo Contraste [43](#)
 Diálogo Critérios [40, 48](#)
 Diálogo Gráfico [47](#)
 Diálogo Imprimir [46](#)
 Diálogo Inferência [42](#)
 Diálogo Salvar [46](#)
 Diálogo Viés [44](#)
 Guia Gráfico de Bolhas [79](#)
 Guia Gráfico de Floresta [77](#)
 Guia Gráfico de Floresta Acumulativo [78](#)
 Guia Gráfico de Funil [80](#)
 Guia Gráfico de Galbraith [81](#)
 Guia Gráfico de L'Abbé [82](#)
 mínimo
 comparando colunas de relatório [248](#)
 em Cubos OLAP [104](#)
 em Descritivos [89](#)
 em Estatísticas de Razão [256](#)
 em Frequências [87](#)
 em Médias [101](#)
 em Sumarizar [99](#)
 no Explore [92](#)
 modelagem espacial [284](#)
 modelagem geoespacial [284–295](#)
 modelo composto
 na Curva de Estimação [188](#)
 modelo cúbico
 na Curva de Estimação [188](#)
 modelo de crescimento
 na Curva de Estimação [188](#)
 modelo de escala
 em Regressão Ordinal [175](#)
 modelo de Guttman
 na Análise de confiabilidade [249, 251](#)
 modelo de localização
 em Regressão Ordinal [174](#)
 modelo de potência
 na Curva de Estimação [188](#)
 modelo de regressão auxiliar
 no GLM [134](#)
 modelo exponencial
 na Curva de Estimação [188](#)
 modelo inverso
 na Curva de Estimação [188](#)
 modelo linear
 na Curva de Estimação [188](#)
 modelo logarítmico
 na Curva de Estimação [188](#)
 modelo logístico
 na Curva de Estimação [188](#)
 modelo paralelo
 na Análise de confiabilidade [249, 251](#)
 modelo paralelo-série
 na Análise de confiabilidade [249, 251](#)
 modelo quadrático
 na Curva de Estimação [188](#)
 modelo S
 modelo S (*continuação*)
 na Curva de Estimação [188](#)
 modelos customizados
 no GLM [125](#)
 modelos fatoriais completos
 no GLM [125](#)
 modelos lineares
 coeficientes [165](#)
 combinações [163](#)
 critério de informações [164](#)
 estatística R-quadrado [164](#)
 importância do preditor [164](#)
 médias estimadas [166](#)
 nível de confiança [162](#)
 objetivos [161](#)
 opções de modelo [163](#)
 predito por observado [164](#)
 preparação de dado automático [162, 164](#)
 regras de combinação [163](#)
 replicando resultados [163](#)
 resíduos [165](#)
 seleção de modelo [162](#)
 sumarização de construção de modelo [166](#)
 sumarização do modelo [164](#)
 Tabela de ANOVA [165](#)
 valores discrepantes [165](#)
 modo
 em Frequências [87](#)
 Múltiplas respostas
 recursos adicionais do comando [244](#)
 multiplicação
 multiplicando entre colunas do relatório [248](#)

N

não linear [158](#)
 Newcombe
 em proporções de amostras emparelhadas [110](#)
 em Proporções de amostras independentes [113](#)
 Newcombe (continuidade corrigida)
 em Proporções de amostras independentes [113](#)
 Newman-Keuls
 no GLM [129](#)
 Nível de significância assintótico [251](#)
 Normalização de Kaiser
 na Análise fatorial [205](#)
 numeração de página
 em relatórios sumarização em colunas [249](#)
 em relatórios sumarização em linha [246](#)
 número de casos
 em Cubos OLAP [104](#)
 em Médias [101](#)
 em Sumarizar [99](#)

P

padronização
 na Análise de Cluster TwoStep [209](#)
 peers
 na Análise do vizinho mais próximo [198](#)
 percentis
 em Frequências [87](#)
 na simulação [279](#)

- percentis (*continuação*)
 - no Explore [92](#)
- Percentis [90](#), [91](#)
- Pesquisa [136](#), [137](#)
- PLUM
 - em Regressão Ordinal [172](#)
- Pontuação [108](#)
- Pontuação (continuidade corrigida) [108](#)
- porcentagens
 - em Tabulações Cruzadas [97](#)
- porcentagens de coluna
 - em Tabulações Cruzadas [97](#)
- porcentagens de linha
 - em Tabulações Cruzadas [97](#)
- porcentagens totais
 - em Tabulações Cruzadas [97](#)
- preparação de dado automático
 - em modelos lineares [164](#)
- previsão
 - na Curva de Estimção [188](#)
- primeiro
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizar [99](#)
- profundidade da árvore
 - na Análise de Cluster TwoStep [209](#)
- Proporções de amostras independentes [111](#), [113](#)
- Proporções de amostras pareadas [109](#)
- Proporções de uma amostra [106](#), [107](#), [110](#)
- Proximidade [140](#)
- Proximidades
 - em Análise de Cluster Hierárquica [215](#)

Q

- Q de Cochran
 - em Testes para várias amostras relacionadas [240](#)
- quadrados mínimos generalizados
 - na Análise fatorial [204](#)
- quadrados mínimos não ponderados
 - na Análise fatorial [204](#)
- quadrados mínimos ponderados
 - Na Regressão Linear [167](#)
- qualidade do ajuste
 - em Regressão Ordinal [173](#)
- quartis
 - em Frequências [87](#)
- qui-quadrado
 - associação linear por linear [95](#)
 - correção de Yates para continuidade [95](#)
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
 - estatísticas [231](#)
 - intervalo esperado [231](#)
 - opções [231](#)
 - para a independência [95](#)
 - Pearson [95](#)
 - razão de verossimilhança [95](#)
 - teste de uma amostra [230](#)
 - teste exato de Fisher [95](#)
 - valores esperados [231](#)
 - valores omissos [231](#)
- Qui-quadrado
 - Teste de hipótese estatística [136](#), [137](#)
- Qui-quadrado de Pearson

- Qui-quadrado de Pearson (*continuação*)
 - em Regressão Ordinal [173](#)
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- qui-quadrado de razão de verossimilhança
 - em Regressão Ordinal [173](#)
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)

R

- R 2
 - em Médias [101](#)
 - mudança de R 2 [170](#)
 - Na Regressão Linear [170](#)
- R 2 ajustado
 - Na Regressão Linear [170](#)
- R múltiplo
 - Na Regressão Linear [170](#)
- R quadrado ajustado
 - em modelos lineares [162](#)
- R-E-G-W F
 - no GLM [129](#)
 - no One-Way ANOVA [121](#)
- R-E-G-W Q
 - no GLM [129](#)
 - no One-Way ANOVA [121](#)
- R-quadrado
 - em modelos lineares [164](#)
- R2 de Cox e Snell
 - em Regressão Ordinal [173](#)
- R2 de Nagelkerke
 - em Regressão Ordinal [173](#)
- razão de covariância
 - Na Regressão Linear [169](#)
- regras de combinação
 - em modelos lineares [163](#)
- regressão
 - gráficos [168](#)
 - Metanálise [38](#)
 - Regressão linear [167](#)
 - Regressão múltipla [167](#)
- Regressão de Metanálise
 - Diagrama em bolha [79](#)
 - Diálogo Critérios [74](#)
 - Diálogo Gráfico [76](#)
 - Diálogo Imprimir [75](#)
 - Diálogo Inferência [74](#)
 - Diálogo Salvar [76](#)
- Regressão de rede elástica linear
 - opções [176](#)
 - partição [176](#)
 - variáveis [176](#)
- Regressão de Ridge linear
 - opções [183](#)
 - partição [182](#)
 - variáveis [182](#)
- Regressão linear
 - Blocos. [167](#)
 - estatísticas [170](#)
 - exportando informações de modelo [169](#)
 - gráficos [168](#)
 - métodos de seleção de variáveis [168](#), [171](#)
 - ponderações [167](#)

- Regressão linear (*continuação*)
 - recursos adicionais do comando [172](#)
 - resíduos [169](#)
 - salvando novas variáveis [169](#)
 - valores omissos [171](#)
 - variável de seleção [168](#)
 - Regressão linear lasso
 - opções [180](#)
 - partição [179](#)
 - variáveis [179](#)
 - Regressão múltipla
 - Na Regressão Linear [167](#)
 - Regressão ordinal
 - estatísticas [172](#)
 - link [173](#)
 - modelo de escala [175](#)
 - modelo de localização [174](#)
 - opções [173](#)
 - recursos adicionais do comando [175](#)
 - Regressão por quadrados mínimos parciais
 - exportar variáveis [191](#)
 - modelo [190](#)
 - relacionamento espacial [140](#)
 - relatórios
 - comparando colunas [248](#)
 - dividindo valores de coluna [248](#)
 - multiplicando valores de coluna [248](#)
 - relatórios sumarização em colunas [247](#)
 - relatórios sumarização em linha [245](#)
 - totais compostos [248](#)
 - total de colunas [248](#)
 - relatórios sumarização em colunas [247](#)
 - resíduos
 - em Tabulações Cruzadas [97](#)
 - salvando em Curva de Estimção [188](#)
 - salvando na Regressão Linear [169](#)
 - resíduos de Pearson
 - em Regressão Ordinal [173](#)
 - resíduos Estudentizados
 - Na Regressão Linear [169](#)
 - resíduos excluídos
 - Na Regressão Linear [169](#)
 - no GLM [132](#)
 - resíduos não padronizados
 - no GLM [132](#)
 - resíduos padronizados
 - Na Regressão Linear [169](#)
 - no GLM [132](#)
 - resultados binários
 - dados brutos de tamanho do efeito [38](#)
 - dados de tamanho do efeito pré-calculado [38](#)
 - resultados contínuos
 - dados brutos de tamanho do efeito [38](#)
 - dados de tamanho do efeito pré-calculado [38](#)
 - Metanálise [38](#)
 - Resumir
 - estatísticas [99](#)
 - opções [99](#)
 - risco
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
 - risco relativo
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
 - rô
 - em Correlações Bivariadas [137](#)
 - rô (*continuação*)
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
 - rotação equamax
 - na Análise fatorial [205](#)
 - rotação oblimin direta
 - na Análise fatorial [205](#)
 - rotação quartimax
 - na Análise fatorial [205](#)
 - rotação varimax
 - na Análise fatorial [205](#)
- ## S
- seleção de variável
 - na Análise do vizinho mais próximo [198](#)
 - seleção forward
 - na Análise do vizinho mais próximo [194](#)
 - Na Regressão Linear [168](#)
 - seleção k
 - na Análise do vizinho mais próximo [198](#)
 - seleção stepwise
 - Na Regressão Linear [168](#)
 - Sequências de Wald-Wolfowitz
 - em Testes de duas amostras independentes [236](#)
 - simulação
 - ajuste de distribuição [272](#)
 - amostragem de cauda [276](#)
 - análise de sensibilidade [275](#)
 - análise de what-if [275](#)
 - box plots [279](#)
 - Construtor de Simulação [269](#)
 - correlações entre entradas [276](#)
 - criando novas entradas [271](#)
 - criando um plano de simulação [267](#), [268](#)
 - critérios de parada [276](#)
 - customizando o ajuste de distribuição [275](#)
 - editor de equação [271](#)
 - especificação de modelo [270](#)
 - executando um plano de simulação [269](#), [280](#)
 - formatos de exibição para respostas e entradas [279](#)
 - função de densidade de probabilidade [278](#)
 - função de distribuição cumulativa [278](#)
 - gráficos de dispersão [279](#)
 - gráficos de tornado [279](#)
 - gráficos interativos [283](#)
 - modelos suportados [270](#)
 - opções de gráfico [283](#)
 - percentis de distribuição de resposta [279](#)
 - reajustando as distribuições para novos dados [280](#)
 - resultados do ajuste de distribuição [275](#)
 - saída [278](#), [279](#)
 - salvar dados simulados [280](#)
 - salvar plano de simulação [280](#)
 - simulação de Monte Carlo [266](#)
 - sinalar teste
 - em Testes de Duas Amostras Relacionadas [237](#)
 - Testes Não Paramétricos de Amostras Relacionadas [228](#)
 - soma
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Descritivos [89](#)
 - em Frequências [87](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizar [99](#)
 - soma dos quadrados

soma dos quadrados (*continuação*)

no GLM [125](#)

Student-Newman-Keuls

no GLM [129](#)

no One-Way ANOVA

[121](#)

subtotais

em relatórios sumarização em colunas [249](#)

sumarização de erro

na Análise do vizinho mais próximo [199](#)

Sumarizações de Relatórios em Colunas

controle de página [249](#)

formato de coluna [246](#)

layout da página [247](#)

numeração de página [249](#)

recursos adicionais do comando [249](#)

subtotais [249](#)

total de colunas [248](#)

total geral [249](#)

valores omissos [249](#)

Sumarizações de Relatórios em Linhas

colunas de dados [245](#)

colunas de quebra [245](#)

controle de página [246](#)

espaçamento de quebra [246](#)

formato de coluna [246](#)

layout da página [247](#)

numeração de página [246](#)

recursos adicionais do comando [249](#)

Rodapés. [247](#)

sequências de ordenação [245](#)

títulos [247](#)

valores omissos [246](#)

variáveis em títulos [247](#)

T

T2 de Tamhane

no GLM [129](#)

no One-Way ANOVA

[121](#)

T3 de Dunnett

no GLM [129](#)

no One-Way ANOVA

[121](#)

tabela de classificação

na Análise do vizinho mais próximo [199](#)

tabelas de contingência [94](#)

tabelas de frequência

em Frequências [86](#)

no Explore [92](#)

tabulação cruzada

em Tabulações Cruzadas [94](#)

múltiplas respostas [243](#)

Tabulações cruzadas

camadas [95](#)

estatísticas [95](#)

exibição da célula [97](#)

formatos [98](#)

gráficos de barras em cluster [95](#)

suprimindo tabelas [94](#)

variáveis de controle [95](#)

Tabulações cruzadas de múltiplas respostas

Tabulações cruzadas de múltiplas respostas (*continuação*)

correspondendo variáveis em conjuntos de respostas

[244](#)

definindo intervalos de valor [244](#)

porcentagens com base em casos [244](#)

porcentagens com base em respostas [244](#)

porcentagens de célula [244](#)

valores omissos [244](#)

tamanho do efeito

em Teste T de Amostras Independentes [114](#)

em teste T de amostras pareadas [116](#)

Tamanho do Efeito Binário de Metanálise

Diálogo Análise [66](#)

Diálogo Aparar e Preencher [69](#)

Diálogo Contraste [68](#)

Diálogo Critérios [65](#)

Diálogo Gráfico [72](#)

Diálogo Imprimir [71](#)

Diálogo Inferência [67](#)

Diálogo Salvar [72](#)

Diálogo Viés [69](#)

Guia Gráfico de Bolhas [79](#)

Guia Gráfico de Floresta [77](#)

Guia Gráfico de Floresta Acumulativo [78](#)

Guia Gráfico de Funil [80](#)

Guia Gráfico de Galbraith [81](#)

Guia Gráfico de L'Abbé [82](#)

Tamanho do Efeito Contínuo de Metanálise

Diálogo Análise [49](#)

Diálogo Aparar e Preencher [52](#)

Diálogo Contraste [51](#)

Diálogo Gráfico [55](#)

Diálogo Imprimir [54](#)

Diálogo Inferência [50](#)

Diálogo Salvar [54](#)

Diálogo Viés [52](#)

Guia Gráfico de Bolhas [79](#)

Guia Gráfico de Floresta [77](#)

Guia Gráfico de Floresta Acumulativo [78](#)

Guia Gráfico de Funil [80](#)

Guia Gráfico de Galbraith [81](#)

Guia Gráfico de L'Abbé [82](#)

tau de Goodman e Kruskal

em Tabulações Cruzadas [95](#)

tau de Kruskal

em Tabulações Cruzadas [95](#)

tau-b

em Tabulações Cruzadas [95](#)

Tau-b de Kendall

em Correlações Bivariadas [137](#)

em Tabulações Cruzadas [95](#)

tau-c

em Tabulações Cruzadas [95](#)

Tau-c de Kendall

em Tabulações Cruzadas [95](#)

termos de interação [125](#), [175](#)

teste b de Tukey

no GLM [129](#)

no One-Way ANOVA

[121](#)

teste binomial

Testes Não paramétricos de uma amostra [220](#), [221](#)

Teste binomial

dicotomias [232](#)

Teste binomial (*continuação*)
 estatísticas [232](#)
 opções [232](#)
 recursos adicionais do comando [232](#)
 valores omissos [232](#)
 Teste de aditividade de Tukey
 na Análise de confiabilidade [249](#), [251](#)
 teste de amplitude múltipla de Duncan
 no GLM [129](#)
 no One-Way ANOVA [121](#)
 teste de comparação entre pares de Gabriel
 no GLM [129](#)
 no One-Way ANOVA [121](#)
 teste de comparações pairwise de Games-Howell
 no GLM [129](#)
 no One-Way ANOVA [121](#)
 teste de esfericidade de Bartlett
 na Análise fatorial [204](#)
 teste de execuções
 Testes Não paramétricos de uma amostra [220](#), [222](#)
 Teste de execuções
 estatísticas [233](#)
 opções [233](#)
 pontos de corte [233](#)
 recursos adicionais do comando [234](#)
 valores omissos [233](#)
 teste de Friedman
 em Testes para várias amostras relacionadas [240](#)
 Testes Não Paramétricos de Amostras Relacionadas [228](#)
 teste de homogeneidade marginal
 em Testes de Duas Amostras Relacionadas [237](#)
 Testes Não Paramétricos de Amostras Relacionadas [228](#)
 teste de Kolmogorov-Smirnov
 Testes Não paramétricos de uma amostra [220](#), [222](#)
 Teste de Kolmogorov-Smirnov
 Smirnov
 Teste de Lilliefors [222](#)
 Teste de Kolmogorov-Smirnov de uma amostra
 distribuição de teste [234](#)
 estatísticas [235](#)
 opções [235](#)
 recursos adicionais do comando [236](#)
 Teste de Lilliefors [234](#), [235](#)
 valores omissos [235](#)
 teste de Levene
 no Explore [92](#)
 no One-Way ANOVA [122](#)
 teste de Lilliefors
 no Explore [92](#)
 Teste de Lilliefors [222](#), [234](#), [235](#)
 teste de linhas paralelas
 em Regressão Ordinal [173](#)
 teste de McNemar
 em Tabulações Cruzadas [95](#)
 em Testes de Duas Amostras Relacionadas [237](#)
 Testes Não Paramétricos de Amostras Relacionadas [228](#), [229](#)
 teste de mediana
 em Testes de duas amostras independentes [239](#)
 Teste de reação extrema de Moses
 em Testes de duas amostras independentes [236](#)
 teste de Scheffé
 teste de Scheffé (*continuação*)
 no GLM [129](#)
 no One-Way ANOVA [121](#)
 teste de Shapiro-Wilk
 no Explore [92](#)
 teste dos postos sinalizados de Wilcoxon
 em Testes de Duas Amostras Relacionadas [237](#)
 Testes Não Paramétricos de Amostras Relacionadas [228](#)
 Testes Não paramétricos de uma amostra [220](#)
 teste exato de Fisher
 em Tabulações Cruzadas [95](#)
 teste M de Box
 na Análise Discriminante [200](#)
 teste Q de Cochran
 Testes Não Paramétricos de Amostras Relacionadas [228](#), [229](#)
 teste qui-quadrado
 Testes Não paramétricos de uma amostra [220](#), [221](#)
 teste t
 em Teste T de Amostras Emparelhadas [116](#)
 em Teste T de Amostras Independentes [114](#)
 em Teste T de Uma Amostra [118](#)
 Teste T de amostras independentes
 Definindo grupos [115](#)
 variáveis de agrupamento [115](#)
 variáveis de sequência de caracteres [115](#)
 Teste *t* de amostras pareadas [116](#)
 teste *t* de duas amostras
 em Teste T de Amostras Independentes [114](#)
 teste *t* de Dunnett
 no GLM [129](#)
 no One-Way ANOVA [121](#)
 teste *t* de Sidak
 no GLM [129](#)
 no One-Way ANOVA [121](#)
 teste *t* de Student [114](#)
 teste *t* de Waller-Duncan
 no GLM [129](#)
 no One-Way ANOVA [121](#)
 teste *t* dependente
 em Teste T de Amostras Emparelhadas [116](#)
 Teste-T de amostras em pares
 opções [117](#)
 selecionando variáveis pairwise [116](#)
 valores omissos [117](#)
 Teste-T de amostras independentes
 intervalos de confiança [116](#)
 opções [116](#)
 valores omissos [116](#)
 Teste-T de uma amostra
 intervalos de confiança [118](#)
 opções [118](#)
 recursos adicionais do comando [117–119](#)
 valores omissos [118](#)
 Testes de duas amostras relacionadas
 estatísticas [238](#)
 opções [238](#)
 recursos adicionais do comando [238](#)
 tipos de teste [238](#)

- Testes de duas amostras relacionadas (*continuação*)
 - valores omissos [238](#)
- testes de homogeneidade de variância
 - no One-Way ANOVA [122](#)
- testes de independência
 - qui-quadrado [95](#)
- testes de linearidade
 - em Médias [101](#)
- testes de normalidade
 - no Explore [92](#)
- Testes de Wilcoxon de Uma Amostra [224](#)
- testes não paramétricos
 - Dois testes de amostras independentes [236](#)
 - qui-quadrado [230](#)
 - Teste de execuções [233](#)
 - Teste de Kolmogorov-Smirnov de uma amostra [234](#)
 - Testes de duas amostras relacionadas [237](#)
 - Testes para diversas amostras independentes [239](#)
 - Testes para várias amostras relacionadas [240](#)
- Testes Não Paramétricos de Amostras Independentes
 - guia Campos [225](#)
- Testes Não Paramétricos de Amostras Relacionadas
 - campos [227](#)
 - teste de McNemar [229](#)
 - teste Q de Cochran [229](#)
- Testes Não paramétricos de uma amostra
 - campos [220](#)
 - teste binomial [221](#)
 - teste de execuções [222](#)
 - teste de Kolmogorov-Smirnov [222](#)
 - teste qui-quadrado [221](#)
- Testes para diversas amostras independentes
 - definindo intervalo [239](#)
 - estatísticas [239](#)
 - opções [239](#)
 - recursos adicionais do comando [240](#)
 - tipos de teste [239](#)
 - valores omissos [239](#)
 - variáveis de agrupamento [239](#)
- Testes para várias amostras relacionadas
 - estatísticas [240](#)
 - recursos adicionais do comando [241](#)
 - tipos de teste [240](#)
- títulos
 - em Cubos OLAP [105](#)
- tolerância
 - Na Regressão Linear [170](#)
- Tolerância
 - Regressão linear [171](#)
- totais gerais
 - em relatórios sumarização em colunas [249](#)
- total de coluna
 - em relatórios [248](#)
- tratamento de ruído
 - na Análise de Cluster TwoStep [209](#)
- TSF [185](#), [186](#)

U

- U de Mann-Whitney
 - em Testes de duas amostras independentes [236](#)

V

- V
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- V de Cramér
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- V de Rao
 - na Análise Discriminante [201](#)
- valores de ponto de alavanca
 - Na Regressão Linear [169](#)
 - no GLM [132](#)
- valores discrepantes
 - na Análise de Cluster TwoStep [209](#)
 - Na Regressão Linear [168](#)
 - no Explore [92](#)
- valores extremos
 - no Explore [92](#)
- valores omissos
 - em Correlações Bivariadas [139](#)
 - em Correlações Parciais [155](#)
 - em Crosstabs de Múltiplas Respostas [244](#)
 - em Curva ROC [266](#)
 - em Frequências de Múltiplas Respostas [242](#)
 - em proporções de amostras emparelhadas [111](#)
 - em Proporções de amostras independentes [114](#)
 - em proporções de uma amostra [108](#)
 - em relatórios sumarização em colunas [249](#)
 - em Sumarizações de Relatórios em Linhas [246](#)
 - em Teste Binomial [232](#)
 - em Teste de Execuções [233](#)
 - em Teste de Kolmogorov-Smirnov de Uma Amostra [235](#)
 - em Teste Qui-Quadrado [231](#)
 - em Teste T de Amostras Emparelhadas [117](#)
 - em Teste T de Amostras Independentes [116](#)
 - em Teste T de Uma Amostra [118](#)
 - em Testes de duas amostras independentes [237](#)
 - em Testes de Duas Amostras Relacionadas [238](#)
 - em Testes para Várias Amostras Independentes [239](#)
 - na Análise de Característica de Operação do Receptor [263](#), [264](#)
 - na Análise do vizinho mais próximo [196](#)
 - na Análise fatorial [206](#)
 - Na Regressão Linear [171](#)
 - no Explore [93](#)
 - no One-Way ANOVA [122](#)
- Valores omissos
 - em Percentis [91](#)
- valores padronizados
 - em Descritivos [89](#)
- valores preditos
 - salvando em Curva de Estimção [188](#)
 - salvando na Regressão Linear [169](#)
- valores preditos ponderados
 - no GLM [132](#)
- variação
 - em Cubos OLAP [104](#)
 - em Descritivos [89](#)
 - em Frequências [87](#)
 - em Médias [101](#)
 - em Sumarizações de Relatórios em Colunas [248](#)
 - em Sumarizações de Relatórios em Linhas [246](#)
 - em Sumarizar [99](#)
 - no Explore [92](#)
- variáveis de controle

- variáveis de controle (*continuação*)
 - em Tabulações Cruzadas [95](#)
- variável de seleção
 - Na Regressão Linear [168](#)
- visualização
 - modelos de clusterização [211](#)
- visualização do modelo
 - na Análise do vizinho mais próximo [196](#)
- visualizador de cluster
 - comparação de clusters [213](#)
 - distribuição de células [213](#)
 - exibição de conteúdo da célula [213](#)
 - filtrando registros [215](#)
 - importância do preditor [213](#)
 - inverter clusters e variáveis [212](#)
 - ordem de exibição da variável [212](#)
 - ordem de exibição do cluster [212](#)
 - ordenar clusters [212](#)
 - ordenar conteúdo da célula [213](#)
 - ordenar variáveis [212](#)
 - sobre modelos de cluster [210](#)
 - sumarização do modelo [211](#)
 - tamanho de clusters [213](#)
 - transpor clusters e variáveis [212](#)
 - usando [214](#)
 - visão geral [211](#)
 - visualização básica [213](#)
 - visualização de centros do cluster [211](#)
 - visualização de clusters [211](#)
 - visualização de comparação do cluster [213](#)
 - visualização de distribuição de célula [213](#)
 - visualização de importância do preditor de cluster [213](#)
 - visualização de sumarização [211](#)
 - visualização de tamanhos de cluster [213](#)

W

- W de Kendall
 - em Testes para várias amostras relacionadas [240](#)
- Wald
 - em proporções de amostras emparelhadas [110](#)
 - em Proporções de amostras independentes [113](#)
 - em proporções de uma amostra [107](#)
- Wald (continuidade corrigida)
 - em proporções de amostras emparelhadas [110](#)
 - em Proporções de amostras independentes [113](#)
 - em proporções de uma amostra [107](#)
- Wald (Continuidade corrigida)
 - em proporções de amostras emparelhadas [110](#)
 - em Proporções de amostras independentes [113](#)
- Wald H0
 - em Proporções de amostras independentes [113](#)
- Wald H0 (continuidade corrigida)
 - em Proporções de amostras independentes [113](#)
- Wilson Score
 - em proporções de uma amostra [107](#)
- Wilson Score (continuidade corrigida)
 - em proporções de uma amostra [107](#)

X

- χ^2 [136](#), [137](#)

Z

- Z Kolmogorov-Smirnov
 - em Teste de Kolmogorov-Smirnov de Uma Amostra [234](#)
 - em Testes de duas amostras independentes [236](#)

